

Suppl. Table 1

Correlation of SERPINB3 with a panel of selected genes in 10 primary iCCA tumors (PR) and 10 iCCA recurrent (REC) tumors using data from dataset GSE107102. Pearson correlation coefficients and p-values of correlated genes was reported. In bold genes significantly positively correlated with SERPINB3.

	Gene	PR-Tumors		REC-Tumors	
		Pearson Coefficient	<i>p</i> value	Pearson Coefficient	<i>p</i> value
Stem-related Genes	BMP4	0,843	0,002	0,345	0,328
	BMP7	0,121	0,740	0,154	0,672
	CD44	0,655	0,040	0,736	0,015
	EPCAM	0,287	0,421	-0,663	0,037
	HNF4A	0,370	0,293	-0,547	0,102
	HNF4G	0,195	0,589	-0,656	0,039
	KITLG	0,659	0,038	0,119	0,744
	KLF4	0,327	0,356	0,526	0,118
	LATS1	0,130	0,721	0,586	0,075
	LIN28A	0,474	0,167	0,544	0,104
	MAML1	0,529	0,116	-0,297	0,404
	MYC	0,502	0,140	-0,435	0,209
	NOTCH1	-0,545	0,103	0,340	0,336
	PROM1	0,436	0,208	-0,470	0,170
	SOX2	0,109	0,766	-0,179	0,621
	STAT3	-0,075	0,838	0,383	0,275
	THY1	-0,122	0,736	0,114	0,754
YAP1	0,499	0,142	-0,182	0,615	
EMT and ECM Remodeling-related Genes	ADAM10	0,126	0,728	0,478	0,162
	ADAM17	0,469	0,171	0,565	0,089
	ADAM9	0,187	0,605	0,266	0,457
	CTNNB1	0,420	0,227	0,254	0,479
	GNPMB	-0,234	0,515	0,685	0,029
	IL13	-0,499	0,142	0,247	0,492
	IL13RA1	0,280	0,434	-0,040	0,913
	IL13RA2	-0,163	0,652	0,865	0,001
	ITGA5	-0,359	0,308	0,119	0,744
	ITGB1	0,750	0,012	-0,554	0,096
	ITGB3	0,131	0,718	0,382	0,276
	MMP1	0,477	0,164	0,084	0,817
	MMP13	0,081	0,824	-0,411	0,238
	MMP3	0,271	0,448	0,006	0,987
	MMP7	0,175	0,629	-0,610	0,061
	SDC1	0,106	0,771	-0,672	0,033
	SNAI1	-0,199	0,581	0,582	0,078
SNAI2	-0,340	0,337	0,042	0,907	
VIM	-0,100	0,783	0,600	0,067	
ZEB2	-0,167	0,644	0,711	0,021	