



Journal of The Ferrata Storti Foundation

DIS3 mutations in multiple myeloma impact the transcriptional signature and clinical outcome

by Katia Todoerti, Domenica Ronchetti, Vanessa Favasuli, Francesco Maura, Fortunato Morabito, Niccolò Bolli, Elisa Taiana, and Antonino Neri

Haematologica 2021 [Epub ahead of print]

Citation: Katia Todoerti, Domenica Ronchetti, Vanessa Favasuli, Francesco Maura, Fortunato Morabito, Niccolò Bolli, Elisa Taiana, and Antonino Neri. DIS3 mutations in multiple myeloma impact the transcriptional signature and clinical outcome.

Haematologica. 2021; 106:xxx

doi:10.3324/haematol.2021.278342

Publisher's Disclaimer.

E-publishing ahead of print is increasingly important for the rapid dissemination of science. Haematologica is, therefore, E-publishing PDF files of an early version of manuscripts that have completed a regular peer review and have been accepted for publication. E-publishing of this PDF file has been approved by the authors. After having E-published Ahead of Print, manuscripts will then undergo technical and English editing, typesetting, proof correction and be presented for the authors' final approval; the final version of the manuscript will then appear in print on a regular issue of the journal. All legal disclaimers that apply to the journal also pertain to this production process.

DIS3 mutations in multiple myeloma impact the transcriptional signature and clinical outcome

Katia Todoerti,^{1,2*} Domenica Ronchetti,^{2*} Vanessa Favasuli,² Francesco Maura,³ Fortunato Morabito,^{4,5} Niccolò Bolli,^{1,2} Elisa Taiana^{1,2#} and Antonino Neri^{1,2#}

¹Hematology, Fondazione Cà Granda IRCCS Policlinico, Milan, Italy

²Department of Oncology and Hemato-oncology, University of Milan, Italy

³Myeloma Program, Sylvester Comprehensive Cancer Center, University of Miami, Miami, FL

⁴Biotechnology Research Unit, Aprigliano, A.O./ASP, Cosenza, Italy

⁵Department of Hematology and Bone Marrow Transplant Unit, Augusta Victoria Hospital, Jerusalem, Israel.

*KT and DR contributed equally to this work

#ET and AN are co-last authors

Running heads. Transcriptomic impact of DIS3 mutations in MM

Correspondence to:

Antonino Neri, MD, PhD
Dept. of Oncology and Hemato-oncology
Università degli Studi di Milano
via Festa del Perdono 7, 20122 Milano, Italy
Phone: +39 02-50320420
Fax: +39 02-50320403
e-mail: antonino.neri@unimi.it

Acknowledgments

This work was financially supported by grants from Associazione Italiana Ricerca sul Cancro (AIRC) to AN (IG16722 and IG24365). NB is funded by the European Research Council under the European Union's Horizon 2020 research and innovation program (grant agreement no. 817997).

Conflict of interest

The authors declare that they have no conflict of interest.

Word count

Abstract: 174

Main text: 4394

Tables and Figures: 7

Supplementary file: 1 PDF

Contributions:

KT designed the study, collected and analyzed data and wrote the paper

DR designed the study, analyzed data and wrote the paper

VF, FM and FM analyzed data

NB wrote the paper

ET and AN designed the study, supervised the study and wrote the manuscript

Disclosures:

None.

Abstract

DIS3 gene mutations (*DIS3*mts) occur in roughly 10% of multiple myeloma (MM) patients; furthermore, *DIS3* expression could be affected by monosomy 13 or del(13q), which occur in approximately 40% of MM cases. Despite several reports on the prevalence of *DIS3*mts, their contribution to the pathobiology of MM remains largely unknown. We took advantage of the large public CoMMpass dataset to investigate the spectrum of *DIS3*mts in MM and its impact on the transcriptome and clinical outcome. We found that *DIS3*mts clinical relevance strictly depended on del(13q) co-occurrence. In particular, bi-allelic *DIS3* lesions significantly affected PFS, independently from other predictors of poor clinical outcome, while mono-allelic events mostly impacted OS. As expected, *DIS3*mts affect MM transcriptome involving cellular processes and signaling pathways associated with RNA metabolism, and the deregulation of a large number of lncRNAs, among which we identified five distinct transcripts as independent predictors of poorer OS and nine of worse PFS, some of which (*AC015982.2* and *AL445228.3*) predicting both. These findings strongly prompt further studies investigating the relevance of these lncRNAs in MM.

Introduction

Multiple myeloma (MM) is a hematological malignancy still incurable despite the remarkable improvements in treatment and patient care.¹ MM is characterized by a profound genomic instability involving ploidy, structural rearrangements, and a wide array of mutations affecting both putative oncogenes and tumor suppressor genes, such as *KRAS*, *NRAS*, *TP53*, *BRAF*, *TRAF3*, *FAM46C*, and *DIS3*.²⁻⁷ These abnormalities are predicted to influence the biological and clinical behavior of the tumor and yet, despite a clear driver role, only a few carry prognostic value.⁸⁻¹⁰

Among mutated genes, great attention deserves *DIS3* that maps at 13q22.1 and encodes for a highly conserved ribonuclease indispensable for survival in vertebrates.¹¹ *DIS3* is a multidomain protein with two different catalytic activities: a 3'–5' exonucleolytic activity via the RNase II/R (RNB) domain and an endonucleolytic activity via the PilT N-terminal (PIN) domain at the N-terminus.^{11,12} *DIS3* provides a catalytic activity to the exosome, a multi-subunit complex involved in RNA degradation and metabolism, including mRNA quality control, gene expression regulation, and small RNA processing.¹²⁻¹⁵

DIS3 mutations (*DIS3*mts) and altered expression have been reported in roughly 10% of MM patients.^{6,16,17} Moreover, *DIS3* expression could be affected by monosomy 13 or del(13q), which occur in approximately 40% of patients.^{18,19} *DIS3*mts are mainly located within the major ribonuclease domains of the protein, probably impairing *DIS3* catalytic activity, as it has been demonstrated to occur for some mutated residues.¹¹ Recently, the analysis of a large cohort of MM patients enrolled in the Multiple Myeloma Research Foundation (MMRF) CoMMpass study pointed out that *DIS3*mts are almost exclusively missense, with no nonsense or frameshift mutations, copy neutral loss of heterozygosity, or bi-allelic deletions. In addition, a third of the mutations occurs in 3 codons (D479, D488, and R780) within the RNB domain, almost never associated with del(13q); in contrast, the remaining two-thirds of *DIS3*mts are distributed across the various exons, almost always associated with del(13q).²⁰

Despite the detailed overview of *DIS3*mts, their functional consequences on MM pathogenesis remain largely unknown, to the point that it is not clear whether *DIS3* acts as an oncogene or a tumor suppressor gene.^{21,22} A crucial role for the *DIS3* ribonuclease has been demonstrated in human MM cell lines, where it promotes the maturation of the let-7 miRNA tumor suppressor family; indeed, through the reduction of mature let-7, *DIS3* inactivation enhances the translation of let-7 targets such as MYC and RAS leading to enhanced tumorigenesis.²³ However, the extent to which this pathway is affected in MM patients harboring *DIS3*mts and how it may contribute to myelomagenesis has to be further investigated.

The clinical relevance of *DIS3*mts in MM was initially investigated by Weissbach et al;²² despite the caution due to the small size of the cohort investigated, their data suggested that response to therapy was affected by *DIS3*mts depending on the presence of such mutations in minor rather than major subclones. Recently, the analysis of a larger cohort of MM at diagnosis revealed that *DIS3*mts were significantly associated with shorter event-free survival (EFS), showing an even worse outcome when in association with 13q deletion. However, overall survival (OS) was not impacted.¹⁶ Notably, *DIS3*mts retained their significance for EFS in a multivariate analysis including the t(4;14) and the high-risk “double hit” group, i.e bi-allelic *TP53* inactivation and amplification of 1q21.¹⁰ However, it is becoming a well-established notion that, due to the complexity of MM genetic background, is mandatory to assess *DIS3*mts in association with other oncogenic events, and their transcriptomic consequences, to establish their impact on MM prognosis.^{10,22,24}

Based on these considerations, our study mined genomic and transcriptomic data from cases included in the MMRF CoMMpass dataset to dissect the impact of *DIS3*mts in the context of the MM genomic landscape in order to improve the definition of relevant clinical subsets. In addition, we investigated the transcriptomic profile related to *DIS3*mt to elucidate its role in myeloma cells and identify relevant pathways in MM pathobiology.

Methods

Multi-Omics Data in CoMMpass Study

Multi-omics data about bone marrow MM samples at baseline (BM_1) were freely accessible from MMRF CoMMpass Study (<https://research.themmr.org/>) and retrieved from the Interim Analysis 12a (MMRF_CoMMpass_IA12a). Details about molecular and clinical data of CoMMpass cohort selected for the present study are described in Supplementary Methods.

Statistical and survival analyses

Fisher's exact test was applied to verify the association between genomic alterations in stratified MM cases. The two-tailed p-value was corrected using Benjamini-Hochberg (BH) method, and adjusted p-values < 0.05 were considered significant. Survival analyses were performed using survival and survminer packages in R Bioconductor (version 3.5.1) as reported in Supplementary Methods.

Differential expression analysis on CoMMpass MM cohort

A global dataset of 655 MM cases was stratified on the basis of DIS3 RNA frequency mutation and 56 DIS3 mutated cases with at least 20% RNA mutational load were considered in differential expression analysis. Further steps of analysis were described in Supplemental Methods. Principal Component Analysis (PCA) was applied on differentially expressed (DE) annotated transcripts by means of prcomp function in R. Volcano plot was used in R to represent significantly up- or down-regulated transcripts. The heatmap of the expression levels of the top 100 DE annotated transcripts, according to limma B statistics value, was obtained by means of dChip software.²⁵

Functional enrichment analysis on DE protein coding genes

Gene Set Enrichment Analysis (GSEA)²⁶ was performed on the pre-ranked DE protein coding gene lists based on the fold change (FC) values by computing 1000 permutations and using default analysis conditions. Further details about GSEA analysis were reported in Supplementary Methods.

LncRNAs expression validation

We investigated lncRNAs expression in a proprietary dataset that includes 43 MM patients (Supplementary Table 1), upon written informed consent (Ethical Committee approval N°575, 03/29/2018, Fondazione IRCCS Ca' Granda Ospedale Maggiore Policlinico). Further details about this analysis were reported in Supplementary Methods.

Results

Assessment of *DIS3* mutations in myeloma patients

We focused on a CoMMpass cohort of 930 bone marrow PC samples from newly diagnosed MM (NDMM) patients for whom non-synonymous somatic mutation data by whole exome sequencing (WES) were available (Supplementary Table 2), identifying 103 *DIS3*mts in 94/930 cases (Figure 1A and Supplementary Table 3). The variant allelic frequency (VAF) ranged between 5.3 and 100% (mean: 48%; median: 43%). The majority of mutations were missense variants (100/103) in the coding region (95/103) or within the region of the splice site (2/103), whereas in a minority of cases they consisted in start-lost (3/103). Three mutations were classified as splice acceptor or donor variants involving intronic sequences (3/103), all by means of SnpEff&SnpSift tools (<http://snpeff.sourceforge.net/>). Strikingly, *DIS3*mts mainly occurred in the active domains of the protein; in detail, 70/103 mutations fell within the RNB domain and 10 in the PIN domain. With regard to the main mutational hotspots reported to occur within the RNB domain, R780 was involved in 12 MM cases, whereas D488 and D479 residues were affected in 11 MM samples each (see Figure 1 and Supplementary Table 3).

We evaluated the association of *DIS3*mts with the presence of the main IGH chromosomal translocations in 724 MM cases (Supplementary Table 2). A significant co-occurrence was observed both with t(4;14) and MAF (MAF, MAFB, or MAFA) translocations ($p=0.0035$). The association of *DIS3*mts with CNAs commonly found in MM disease was evaluated in 847 MM cases, for which specific data were available by WES (Supplementary Table 2). As expected, a very significant association ($p=0.0003$) was observed between *DIS3*mt and del(13q): specifically, 62 out of 86 patients harboring *DIS3*mt and for which CNAs data were available showed a 13q deletion (Supplementary Table 4). Next, we considered the distribution of del(13q) across the different types of *DIS3*mts. In particular, only 9 out of 29 MM affected by the mutational hotspots also carried del(13q); notably, D479 hotspot was involved in 5 of these 9 cases. On the contrary, 50 out of the

54 cases harboring not-hotspots *DIS3*mts were associated with del(13q) (p-value<0.0001). Concerning the other main CNAs, a very significant association (p=0.0020) was observed with 1q21 gain/amplification (1q gain/amp), occurring in 45 out of 86 *DIS3*- mutated patients, 38 of whom also carrying del(13q). On the contrary, a highly significant inverse correlation was found with the hyperdiploid (HD) condition (p=0.0003) and the occurrence of 1p22/*CDKN2C* loss (p=0.0205). Moreover, 17p13/*TP53* deletions were present only in 4 out of 86 cases harboring *DIS3*mts (Supplementary Table 4).

We then looked at the co-occurrence of *DIS3*mts with the most frequently mutated genes in MM, i.e. *KRAS*, *N-RAS*, *BRAF*, *FAM46C*, *TP53*, and *TRAF3* (Supplementary Table 2). A statistically significant association with *DIS3*mts was only observed for *BRAF* mutations (p=0.0126) (Supplementary Table 4). Overall, Figure 1B displays the global landscape of co-occurrence of *DIS3*mts with other main molecular lesions.

Correlation of *DIS3* mutation with clinical parameters

We tested the clinical impact of *DIS3*mts in 930 MM cases with available Progression-Free Survival (PFS) and OS data. At a median follow-up of respectively 889 and 868 days for PFS and OS, a significantly lower survival rate for both OS (Log-rank p=0.039) and PFS (Log-rank p=0.021) was observed in 94 *DIS3* mutated cases compared to 836 *DIS3* WT MM. Specifically, the median PFS was 800 days in *DIS3*mut vs 1176 days in WT MM cases (Figure 2A-B), whereas the OS evaluated at 3 years was 65% in *DIS3* mutated cases vs 79% in WT group.

As described above, *DIS3*mts co-occur significantly with del(13q) and therefore with the loss of the second allele, a finding affecting several other genes in MM. Such a result prompted us to stratify the cases in the CoMMpass series in four groups according to the absence of both *DIS3*mt and del(13q) (381 cases); the presence of only *DIS3*mt (24 cases); the del(13q) alone (380 cases); or the occurrence of both *DIS3*mts and del(13q) (62 cases). As depicted in Figure 2C-D, the presence of

the bi-allelic alterations was associated with a poor prognosis in comparison to WT condition, respectively reaching a 3-year OS of 62% vs. 82%, and a median PFS of 772 days vs. 1215 days.

Furthermore, we tested the prognostic impact for both PFS and OS outcome of *DIS3*mts and del(13q), as single or bi-allelic lesions, along with other parameters, in 630 MM patients for which all the information were available (Table 1). A significantly increased risk of death or progression was associated with ISS stage III and the occurrence of 1q gain/amp in association with *TP53* alterations. Moreover, a higher risk of having a shorter OS was also associated with *DIS3*mts or del(13q) as single events (mono-allelic condition). In contrast, the bi-allelic condition was associated with a shorter PFS. On the contrary, ISS I stage significantly shortened both death and progression risk (Table 1). Notably, all these features retained their independent prognostic power both for OS and PFS when tested in Cox regression multivariate analysis (Figure 3).

Based on such differential effects of mono- or bi-allelic *DIS3* lesions, we re-analyzed the association of these events with the known MM oncogenic lesions. Regarding the main IgH translocations, the t(4;14) was exclusively related to the bi-allelic condition ($p=0.0170$). Furthermore, a higher prevalence of 1q gain/amp was observed in patients with bi-allelic *DIS3* events (61% vs 29%). Finally, a higher fraction of *FAM46C* mutated cases was evidenced in cases carrying only *DIS3*mt (5.3% vs 3.1%; Supplementary Table 5).

Finally, we attempted to clarify further the prognostic relevance of *DIS3*mts in relation to well-established first-line regimens, as described in the CoMMpass dataset. In this respect, 930 MM patients (94 of whom harboring *DIS3*mts) were clustered in the following therapeutic groups: bortezomib/IMiDs-based, bortezomib-based, IMiDs-based, or carfilzomib-based (i.e., combining IMiDs/carfilzomib, bortezomib/IMiDs/carfilzomib, or single-agent carfilzomib schedules). Overall, carfilzomib-based regimens significantly improved both OS and PFS compared to all other types of combination therapies (Supplementary Figure 1). However, no significant difference in both OS and PFS was detected among *DIS3* mutated cases irrespective of the specific therapy scheme

(Supplementary Figure 2). These results suggest that *DIS3*mts could negatively affect carfilzomib-based therapies. However, further validation in a larger prospective cohort of patients is warranted.

Transcriptional expression changes associated with *DIS3* mutation and del(13q)

To define the gene expression signatures and molecular pathways associated with *DIS3*mts, we focused on cases with the expression of the mutation at meaningful levels, thus opting for a stringent cutoff of 20% on RNA mutational load (RNA_ALT_FREQ), chosen on the base of the ROC curve analysis (AUC 98%) according to DNA mutational level (VAF) (Supplementary Table 3, Supplementary Figure 3A). Further supporting this cut-off value, we found a significant global correlation (Pearson's correlation $r=0.94$) between DNA and RNA mutational levels in those 56 MM cases with >20% *DIS3* RNA mutational load, compared to the remaining 17 MM cases with lower RNA somatic variant frequencies ($r=0.30$) (Supplementary Figure 3B, C). Furthermore, a significantly shorter OS (Log-rank $p=0.013$) and PFS (Log-rank $p=0.0013$) was observed in the 56 MM cases with >20% *DIS3* RNA mutational load compared to 836 *DIS3* WT cases. To note, no significant difference was appreciated between *DIS3* sub-clonal mutations (i.e. <20% *DIS3* RNA mutational load) and WT cases (Supplementary Figure 4).

For the analysis, we therefore considered a total of 28346 expressed transcripts and compared the expression profiles in 56 *DIS3* mutated cases versus 582 WT *DIS3* MM cases. A wide list of 7167 differentially expressed (DE) transcripts, 6564 of which annotated, was obtained at a low stringency cut-off (FDR<10%). Among them, 3464 protein coding genes and 2062 lncRNAs resulted mostly up-regulated (79%) in *DIS3* mutated compared to unmutated patient (Supplementary Table 6 and Supplementary Figure 5). PCA analyses based on the expression levels of 6564 DE annotated transcripts stratified according to the del(13q) aberration, confirmed the strong association between *DIS3*mts and del(13q) (Figure 4A). Furthermore, the heatmap of the top 100 most significantly up-regulated transcripts, almost all involving lncRNAs (82%), in stratified MM samples revealed a

stronger pattern of positive regulation in the bi-allelic condition with respect to *DIS3*mts or del(13q) alone, compared to *DIS3* WT MM cases (Figure 4B).

Based on this evidence, we compared the global expression profiles associated with each lesion (13 cases with *DIS3*mts, 289 cases with del(13q), and 38 cases with bi-allelic alteration) to WT condition (293 cases). We evidenced a common set of 430 DE transcripts (of which 405 annotated) in all three contrasts, 305 of which were lncRNAs, whereas 56 were classified as protein coding genes (Figure 4C). Interestingly, 295 out of 405 transcripts showed a cumulative effect of deregulation across patients with mono-allelic and bi-allelic lesions, respectively (Supplementary Table 7).

Protein coding genes: molecular pathways and gene sets modulated in association with *DIS3* mutation

In order to define which molecular pathways could be modulated in relation to *DIS3*mts occurrence in MM, a Gene Set Enrichment Analysis (GSEA) was performed on the list of DE protein coding genes that were ranked based on fold change values (Supplementary Table 6).

Particularly, the enrichment map on the top 100 GSEA gene sets based on Gene Ontology (GO) Biological Process (BP) terms revealed a complex network of connected functional modules mainly concerning RNA and protein metabolism, cell-cycle regulation, nucleosome organization, immune response, cell proliferation and apoptosis, cell adhesion and tissue development (Supplementary Figure 6). Furthermore, GSEA analysis revealed a significant enrichment of transcriptional signatures some of which known to be distinctively associated with main IGH translocations (Supplementary Table 8), likely in agreement with the co-occurrence of *DIS3*mts and t(4;14) or MAF trx (Supplementary Table 4), or as an opposite behavior, with the HD condition (Supplementary Tables 4 and 8). Therefore, with the aim of identifying DE transcripts more specifically related to *DIS3*mts, we investigated the transcriptional profiles in MM subgroups with a more homogeneous genetic background, each of them stratified according to *DIS3*mts occurrence:

i.e. patients carrying t(4;14) and 1q gain/amp; MAF trx and 1q gain/amp; or HD cases (Supplementary Figure 7A). Whereas no significant DE transcripts were identified in cases with both MAF trx and 1q gain/amp (likely due to the limited number of cases), almost 90% of the DE transcripts from the other two comparisons overlapped with the original transcriptional signature (Supplementary Figure 7A). Overall, we identified 1542 common DE transcripts that could be likely considered as distinctively associated with *DIS3*mts; notably, these transcripts corresponded to the most significantly deregulated ones in the global DE list (Supplementary Table 6 and Supplementary Figure 7B). Focusing on the common 490 coding transcripts (Supplementary Table 6 and Supplementary Figure 7C), GSEA analysis identified a number of gene sets among those previously obtained from the global analysis; in particular, we confirmed the down-regulation of the oxidative phosphorylation gene set along with genes involved in RNA and aminoacid metabolism and translation, and the upregulation of the interferon signaling gene set (Supplementary Figure 8 and Supplementary table 8).

Finally, the common DE transcript list associated with *DIS3*mts was particularly enriched in lncRNAs (782/1542: 51% total DE transcripts) (Supplementary Table 6 and Supplementary Figure 7D), thus further supporting the notion of a distinctive and stronger impact of *DIS3*mts on ncRNAs transcriptome.

Differential expression patterns of lncRNAs associated with *DIS3* mutation

LncRNA transcriptional patterns specifically associated with *DIS3*mts were further investigated. In detail, based on the large heterogeneity of lncRNAs and their lower expression levels as compared to coding transcripts, we applied a more stringent analysis on the 782 common DE lncRNAs, and focused on the 50 most significant ones (FDR<1%). All lncRNAs were up-regulated in *DIS3* mutated vs *DIS3* WT cases and were mainly represented by lncRNAs antisense to coding-genes (80%); the remaining cases included 3 lncRNAs sense to coding-genes, one long intergenic non-protein coding RNA, 2 miRNA host genes and 2 divergent transcripts (Supplementary Table 9). To

note, the novel transcript Z93930.2 is located less than 100 bp antisense to the transcription factor *XBPI*, a well-established regulator of MM, known to be altered during MM initiation and progression.²⁷

Based on the recurrent evidence that the transcription of mRNAs and lncRNAs appears to be closely regulated, leading to a cis-regulatory relationship,²⁸⁻³⁰ we investigated the levels of expression of overlapping or nearby transcripts localized in close proximity to the 50 lncRNAs (up to 65 kb window). We considered 81 mRNA-lncRNA pairs and analyzed the correlation between their expression levels across the entire dataset of 767 MM cases profiled by RNA-seq in the CoMMpass cohort. A significant Pearson's correlation ($r > 0.5$, $p < 6.08 \times 10^{-16}$) was observed for 9 lncRNA-gene pairs; among them, *AL121672.3* and *MIRLET7BHG*, both mapping at 22q13, showed a relevant correlation within each other ($r = 0.65$) and with the *PRR34* gene ($r = 0.66$, $r = 0.73$, respectively) (Supplementary Table 10).

Clinical relevance of lncRNAs

Next, all 50 lncRNAs were tested for OS or PFS outcome utilizing Kaplan-Meier survival analysis on the 767 MM cases with available RNA-seq and survival data. High versus low expression groups were determined according to the mean cut-off value for each lncRNA expression level across the entire dataset. Interestingly, higher expression levels were associated with a poorer clinical outcome in terms of PFS for 35 out of all the 50 tested lncRNAs. Furthermore, 15 of them showed unfavorable prognosis even in association with OS (Supplementary Figure 9 and Supplementary Table 11).

The clinical impact of the 35 lncRNAs with poorer clinical outcome was further investigated by Cox regression univariate analysis. For 21 lncRNAs, their higher expression level was associated with a significantly higher risk in PFS, and for five of them (*AC015982.2*, *AL353807.2*, *AC013400.1*, *ASH1L-AS1*, and *AL445228.3*) also in OS (Supplementary Table 12). Next, for all these 21 significant lncRNAs, high and low lncRNA expression levels were tested in 630 cases,

together with other clinically relevant characteristics, i.e. ISS stage I and III, the occurrence of 1q gain/amp in association to *TP53* alterations, the presence of *DIS3*mts or del(13q) as single events for OS, or bi-allelic condition for PFS. Notably, all the five lncRNAs associated with a shorter OS retained their clinical impact when tested in Cox regression multivariate analysis. Two of them (*AC015982.2* and *AL445228.3*) retained an independent significant prognostic power also in PFS; besides these two lncRNAs, another seven (*AC099778.1*, *AP000894.4*, *AL121658.1*, *AL356441.1*, *BX284668.6*, *AC093510.1*, *AL138976.2*) were found to be independent predictors of PFS at multivariate analysis (Table 2 and Supplementary Table 13). Of note, the bi-allelic condition lost its independent clinical impact in all the multivariate analyses of the nine lncRNAs significant for PFS (Supplementary Table 13).

Overall, from our analysis 12 lncRNAs were predicted to have substantial clinical relevance (Table 2). Specifically, 11 of them code for novel transcripts, and four are antisense to known transcripts whose expression level, when detectable, was highly positively correlated (Table 2 and Supplementary Table 10). Interestingly, we found four couples lncRNAs-coding genes (antisense or nearby) located on chromosome 1q with highly correlated expression (Table 2); these coding genes (*MGST3*, *ASH1L*, *MSTO1*, and *C1orf21*) were also significantly upregulated in *DIS3* mutated as compared to unmutated samples (Supplementary Table 6). Finally, the expression of some (*AC093510.1*, *AC015982.2*, *AL138976.2*, and *AC099778.1*) of these lncRNAs was validated by quantitative RT-PCR in 43 NDMM proprietary samples previously characterized for the presence of *DIS3*mts and for which material was available (Supplementary Table 1). In detail, we found that MMs with *DIS3*mt w/o del(13q) significantly up-regulated *AC093510.1*, *AC015982.2*, and *AL138976.2* as compared to *DIS3* WT samples, whereas *AC099778.1* was found significantly up-regulated only in the bi-allelic condition (Figure 5).

Discussion

We took advantage of the large publicly available CoMMpass dataset to investigate the type and frequency of *DIS3*mts in MM and their impact on the transcriptional signature and clinical outcome. In agreement with previously reported data,^{6,16,17} we assessed *DIS3*mts frequency in NDMM at approximately 10%; notably, *DIS3*mts were associated with del(13q) as bi-allelic events in 72% of cases. The majority of *DIS3*mts are missense. Together with their clustering at particular codons, the lack of truncating mutations is not typical of a tumor-suppressor gene and may suggest an oncogenic potential for *DIS3*. *DIS3*mts showed a clear pattern of co-occurrence with other molecular alterations, mainly chromosomal translocations. This phenomenon could be explained through the interaction between the RNA exosome and the protein activation-induced cytidine deaminase (AID) during the process of class switching and hypermutation in B-cells;³¹ indeed, *DIS3*mt could indirectly, through disruption of an interaction with AID, cause mistargeting of the somatic hypermutation process leading to chromosomal translocations. In particular, *DIS3*mts are associated with t(4;14), this combination defining a poor prognostic MM subgroup.¹⁶ However, our analyses pointed out that t(4;14) significantly occurred in patients with the bi-allelic lesions, in agreement with the very frequent association between t(4;14) and del(13q) alterations. Notably, the oncogenic events that most frequently co-occurred with *DIS3*mts were del(13q), 1q gains, t(4;14) or MAF translocations. Overall, this spectrum of molecular lesions suggests a functional constraint of cooperating oncogenic events in MM, with a selection of later lesions being restricted by the ones appearing first in the transformed cell. With regards to this, *DIS3*mts were found to be both clonal in some patients and sub-clonal in others, meaning they might function sometimes as early and sometimes as late hits.^{7,22}

Our study also pointed out that *DIS3*mt clinical relevance strictly depended on del(13q) co-occurrence. In detail, we established that the bi-allelic lesions significantly affected PFS, whereas the mono-allelic condition predicted worse OS. Notably, these alterations remained valuable

independent predictors even tested in combination with the clinical and poor prognosis molecular variables used to foresee the clinical outcome. The differential impact of the bi-allelic or mono-allelic lesions on MM outcome could be related to the fact that our data highlighted two patterns of *DIS3* lesions. One where del(13q) co-exists with non-hotspot *DIS3*mts, and a second where hotspot *DIS3*mts rarely show loss of heterozygosity through bi-allelic events. Again, this is a rather intriguing pattern that may suggest either haploinsufficiency for some mutations and not others, or a different function with some mutations showing loss and others showing gain of function. This might also explain the different clinical consequence on PFS and OS observed with the two genetic statuses. Indeed, previous reports showed how different types of *DIS3*mts could lead to diverse biological effects either by impairing the exosome function through a reduced/modified *DIS3* activity,¹¹ or through a dominant-negative effect exerted by mutated *DIS3* on the other catalytic subunit, Rps6, acting in the exosome complex.³²

DIS3 is a key component of the multisubunit RNA exosome complex in eukaryotic cells involved in the processing, quality control and degradation of virtually all classes of RNA. Our study further supports and extends the notion that *DIS3*mts affect the transcriptome, showing a stronger impact on noncoding RNA species, mainly lncRNAs. Indeed, we found that approximately half of the DE transcripts predicted to be specifically related to the presence of *DIS3*mts are represented by novel, largely uncharacterized lncRNAs. Among them, we highlighted 12 lncRNAs, five of which are independent predictors of poorer OS and nine of worse PFS, with two of them (*AC015982.2* and *AL445228.3*) predicting both. Moreover, the clinical impact of the nine lncRNAs predicting inferior PFS at higher expression levels was independent of the genetic status of *DIS3*. The effect of these 12 lncRNAs on the pathobiology of MM disease remains to be fully elucidated; indeed, they all are novel transcripts, none of them currently reported as associated with cancer. Interestingly, some of them showed a strict correlation in terms of expression levels with the corresponding nearby genes, thus suggesting a cis-regulatory relationship between the paired transcripts. Although these findings need to be further investigated, this could be the case for genes involved in fundamental molecular

pathways, such as *MGST3*, involved in the production of leukotrienes and prostaglandin E, which are important mediators of inflammation;³³ *ASH1L*, a methyltransferase already known to be involved in cancer;³⁴ and *MSTO1*, important for mitochondrial fusion and intracellular distribution.³⁵ Along with these findings, it is also of interest the patterns observed in the context of the DE coding transcripts associated with *DIS3*mts. Indeed, we found the down-regulation of gene sets related to oxidative phosphorylation, metabolism of RNA or aminoacid, and translation, and on the contrary, the up-regulation of interferon signaling. These transcriptomic changes are in line with the functional role of *DIS3* in the RNA metabolisms^{36,37} and in agreement with what described in yeasts where mutations have been extensively investigated.³⁸ In particular, the predicted enhanced IFN activity may represent a response to the accumulation of RNA substrates in cells following *DIS3* deficiency.³⁹

Overall, our comprehensive evaluation of the clinically and transcriptional consequences of *DIS3*mts/deficiency in MM, strongly indicate that they may play an important role in the mechanisms of MM transformation and progression. Our results may provide important insights to address functional studies in order to better understand such mechanisms in MM.

Supplementary information is available at Haematologica's website

References

1. Munshi NC, Anderson KC. New strategies in the treatment of multiple myeloma. *Clin Cancer Res.* 2013;19(13):3337-3344.
2. Barbieri M, Manzoni M, Fabris S, et al. Compendium of FAM46C gene mutations in plasma cell dyscrasias. *Br J Haematol.* 2016;174(4):642-645.
3. Bolli N, Avet-Loiseau H, Wedge DC, et al. Heterogeneity of genomic evolution and mutational profiles in multiple myeloma. *Nat Commun.* 2014;5:2997.
4. Chapman MA, Lawrence MS, Keats JJ, et al. Initial genome sequencing and analysis of multiple myeloma. *Nature.* 2011;471(7339):467-472.
5. Lionetti M, Barbieri M, Manzoni M, et al. Molecular spectrum of TP53 mutations in plasma cell dyscrasias by next generation sequencing: an Italian cohort study and overview of the literature. *Oncotarget.* 2016;7(16):21353-21361.
6. Lionetti M, Barbieri M, Todoerti K, et al. A compendium of DIS3 mutations and associated transcriptional signatures in plasma cell dyscrasias. *Oncotarget.* 2015;6(28):26129-26141.
7. Lohr JG, Stojanov P, Carter SL, et al. Widespread genetic heterogeneity in multiple myeloma: implications for targeted therapy. *Cancer Cell.* 2014;25(1):91-101.
8. Bolli N, Biancon G, Moarii M, et al. Analysis of the genomic landscape of multiple myeloma highlights novel prognostic markers and disease subgroups. *Leukemia.* 2018;32(12):2604-2616.
9. D'Agostino M, Zaccaria GM, Ziccheddu B, et al. Early Relapse Risk in Patients with Newly Diagnosed Multiple Myeloma Characterized by Next-generation Sequencing. *Clin Cancer Res.* 2020;26(18):4832-4841.
10. Walker BA, Mavrommatis K, Wardell CP, et al. A high-risk, Double-Hit, group of newly diagnosed myeloma identified by genomic analysis. *Leukemia.* 2019;33(1):159-170.

11. Tomecki R, Drazkowska K, Kucinski I, et al. Multiple myeloma-associated hDIS3 mutations cause perturbations in cellular RNA metabolism and suggest hDIS3 PIN domain as a potential drug target. *Nucleic Acids Res.* 2014;42(2):1270-1290.
12. Schneider C, Leung E, Brown J, Tollervey D. The N-terminal PIN domain of the exosome subunit Rrp44 harbors endonuclease activity and tethers Rrp44 to the yeast core exosome. *Nucleic Acids Res.* 2009;37(4):1127-1140.
13. Lorentzen E, Basquin J, Tomecki R, Dziembowski A, Conti E. Structure of the active subunit of the yeast exosome core, Rrp44: diverse modes of substrate recruitment in the RNase II nuclease family. *Mol Cell.* 2008; 29(6):717-728.
14. Robinson SR, Oliver AW, Chevassut TJ, Newbury SF. The 3' to 5' Exoribonuclease DIS3: From Structure and Mechanisms to Biological Functions and Role in Human Disease. *Biomolecules.* 2015;5(3):1515-1539.
15. Tomecki R, Drazkowska K, Dziembowski A. Mechanisms of RNA degradation by the eukaryotic exosome. *Chembiochem.* 2010;11(7):938-945.
16. Boyle EM, Ashby C, Tytarenko RG, et al. BRAF and DIS3 Mutations Associate with Adverse Outcome in a Long-term Follow-up of Patients with Multiple Myeloma. *Clin Cancer Res.* 2020;26(10):2422-2432.
17. Manier S, Salem KZ, Park J, Landau DA, Getz G, Ghobrial IM. Genomic complexity of multiple myeloma and its clinical implications. *Nat Rev Clin Oncol.* 2017;14(2):100-113.
18. Binder M, Rajkumar SV, Ketterling RP, et al. Prognostic implications of abnormalities of chromosome 13 and the presence of multiple cytogenetic high-risk abnormalities in newly diagnosed multiple myeloma. *Blood Cancer J.* 2017;7(9):e600.
19. Chiecchio L, Dagrada GP, Ibrahim AH, et al. Timing of acquisition of deletion 13 in plasma cell dyscrasias is dependent on genetic context. *Haematologica.* 2009;94(12):1708-1713.
20. Chesi M, Stein CK, Garbitt VM, et al. Monosomic loss of MIR15A/MIR16-1 is a driver of multiple myeloma proliferation and disease progression. *Blood Cancer Discov.* 2020; 1(1):68-81.

21. de Groen FL, Krijgsman O, Tijssen M, et al. Gene-dosage dependent overexpression at the 13q amplicon identifies DIS3 as candidate oncogene in colorectal cancer progression. *Genes Chromosomes Cancer*. 2014;53(4):339-348.
22. Weissbach S, Langer C, Puppe B, et al. The molecular spectrum and clinical impact of DIS3 mutations in multiple myeloma. *Br J Haematol*. 2015;169(1):57-70.
23. Segalla S, Pivetti S, Todoerti K, et al. The ribonuclease DIS3 promotes let-7 miRNA maturation by degrading the pluripotency factor LIN28B mRNA. *Nucleic Acids Res*. 2015;43(10):5182-5193.
24. Walker BA, Mavrommatis K, Wardell CP, et al. Identification of novel mutational drivers reveals oncogene dependencies in multiple myeloma. *Blood*. 2018;132(6):587-597.
25. Schadt EE, Li C, Ellis B, Wong WH. Feature extraction and normalization algorithms for high-density oligonucleotide gene expression array data. *J Cell Biochem Suppl*. 2001;Suppl 37:120-125.
26. Subramanian A, Tamayo P, Mootha VK, et al. Gene set enrichment analysis: a knowledge-based approach for interpreting genome-wide expression profiles. *Proc Natl Acad Sci U S A*. 2005;102(43):15545-15550.
27. Chen L, Li Q, She T, et al. IRE1alpha-XBP1 signaling pathway, a potential therapeutic target in multiple myeloma. *Leuk Res*. 2016;49:7-12.
28. Sigova AA, Mullen AC, Molinie B, et al. Divergent transcription of long noncoding RNA/mRNA gene pairs in embryonic stem cells. *Proc Natl Acad Sci U S A*. 2013;110(8):2876-2881.
29. Tan JY, Smith AAT, Ferreira da Silva M, et al. cis-Acting Complex-Trait-Associated lincRNA Expression Correlates with Modulation of Chromosomal Architecture. *Cell Rep*. 2017;18(9):2280-2288.
30. Trinklein ND, Aldred SF, Hartman SJ, Schroeder DI, Otilar RP, Myers RM. An abundance of bidirectional promoters in the human genome. *Genome Res*. 2004;14(1):62-66.
31. Pefanis E, Basu U. RNA Exosome Regulates AID DNA Mutator Activity in the B Cell Genome. *Adv Immunol*. 2015;127:257-308.

32. Chlebowski A, Lubas M, Jensen TH, Dziembowski A. RNA decay machines: the exosome. *Biochim Biophys Acta*. 2013;1829(6-7):552-560.
33. Higgins LG, Hayes JD. Mechanisms of induction of cytosolic and microsomal glutathione transferase (GST) genes by xenobiotics and pro-inflammatory agents. *Drug Metab Rev*. 2011;43(2):92-137.
34. Xu B, Qin T, Yu J, Giordano TJ, Sartor MA, Koenig RJ. Novel role of ASH1L histone methyltransferase in anaplastic thyroid carcinoma. *J Biol Chem*. 2020;295(26):8834-8845.
35. Chapman J, Ng YS, Nicholls TJ. The Maintenance of Mitochondrial DNA Integrity and Dynamics by Mitochondrial Membranes. *Life*. 2020;10(9):164.
36. Davidson L, Francis L, Cordiner RA, et al. Rapid Depletion of DIS3, EXOSC10, or XRN2 Reveals the Immediate Impact of Exoribonucleolysis on Nuclear RNA Metabolism and Transcriptional Control. *Cell Rep*. 2019;26(10):2779-2791.e5.
37. Kiss DL, Andrulis ED. Genome-wide analysis reveals distinct substrate specificities of Rps6, Dis3, and core exosome subunits. *RNA*. 2010;16(4):781-791.
38. Milbury KL, Paul B, Lari A, et al. Exonuclease domain mutants of yeast DIS3 display genome instability. *Nucleus*. 2019;10(1):21-32.
39. Rigby RE, Rehwinkel J. RNA degradation in antiviral immunity and autoimmunity. *Trends Immunol*. 2015;36(3):179-188.

Table 1: Cox regression univariate analysis in 630 MM cases for which all data were available.

Variable	N (%)	OS		PFS	
		Univariate Cox Analysis		Univariate Cox Analysis	
		adj. <i>p</i> -value	HR (95% CI)	adj. <i>p</i> -value	HR (95% CI)
ISS I	223 (35.4%)	2.59E-06	0.26 (0.15-0.43)	2.00E-07	0.42 (0.31-0.57)
ISS II	226 (35.9%)	7.13E-01	1.09 (0.76-1.57)	6.08E-01	1.09 (0.85-1.42)
ISS III	181 (28.7%)	1.92E-06	2.60 (1.83-3.70)	2.00E-07	2.08 (1.62-2.68)
del(13q)	281 (44.6%)	9.80E-02	1.46 (1.03 -2.07)	2.77E-01	1.21 (0.94 -1.55)
DIS3mt	17 (2.7%)	9.80E-02	2.41 (1.06 - 5.49)	2.94E-01	1.67 (0.83 -3.39)
del(13q)/DIS3mt	298 (47.3%)	3.71E-02	1.63 (1.14 -2.32)	1.52E-01	1.27 (0.99 -1.63)
del(13q) + DIS3mt	50 (7.9%)	1.45E-01	1.60 (0.93-2.74)	4.03E-02	1.71 (1.15-2.54)
TP53.alterations (del(17p)/TP53 or TP53mt)	53 (8.4%)	9.42E-01	0.96 (0.50 -1.84)	7.63E-01	0.93 (0.58 -1.49)
1q21 gain/amp	207 (32.9%)	9.80E-02	1.45 (1.02 - 2.07)	5.63E-02	1.38 (1.07-1.78)
TP53.alterations + 1q21 gain/amp	24 (3.8%)	1.60E-04	3.64 (2.00 -6.62)	4.80E-03	2.56 (1.49-4.4)
N-RAS mut	142 (22.5%)	9.42E-01	1.02 (0.65-1.50)	6.31E-01	0.91 (0.68-1.23)
K-RAS mut	155 (24.6%)	4.82E-01	1.18 (0.80-1.74)	5.79E-01	1.12 (0.84-1.48)
BRAF mut	49 (7.8%)	2.64E-01	1.49 (0.84-2.65)	4.49E-01	1.26 (0.81-1.96)
RAS/BRAF mut	310 (49.2%)	3.60E-01	1.22 (0.86-1.74)	6.48E-01	1.07 (0.83-1.37)
TRAF3 mut	48 (7.6%)	1.10E-01	0.39 (0.14-1.05)	6.48E-01	0.88 (0.54-1.44)
FAM46C mut	64 (10.2%)	4.82E-01	1.27 (0.73-2.21)	4.49E-01	1.22 (0.82-1.83)
del(1p)/CDKN2C	190 (30.2%)	7.43E-02	1.55 (1.08 -2.23)	3.27E-01	1.20 (0.92-1.56)
HD	359 (57.0%)	9.80E-02	0.70 (0.50-0.99)	6.60E-02	0.75 (0.58-0.96)
WHSC1-FGFR3.trx	86 (13.7%)	3.60E-01	1.29 (0.82-2.05)	6.60E-02	1.47 (1.06-2.03)
MAF.trx	40 (6.3%)	1.03E-01	1.78 (1.00-3.16)	3.83E-01	1.32 (0.83-2.09)
MYC.trx	26 (4.1%)	1.10E-01	1.91 (0.97-3.78)	2.64E-01	1.55 (0.90-2.66)

Number (N) and percentage (%) of positive cases are indicated for each variable. Hazard Ratio and 95% Confidence Interval are reported for each variable. Significant p-value after BH adjustment are reported in bold.

Table 2: Summary information on the significant 12 lncRNAs in multivariate analysis.

Gene stable ID Gene name *	Description #	Chr.	start (bp)	end (bp)	Strand	Neighbor Gene Name**	Pearson's Correlation
<u>ENSG00000232519</u> AL353807.2	novel transcript, AS to MSTO1	1q22	155609776	155610380	-1	MSTO1	r = 0.38, p < 6.08E-16
<u>ENSG00000235919</u> ASH1L-AS1	ASH1L AS RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:44146]	1q22	155562042	155563944	1	ASH1L; AL353807.4	r= 0.34, p < 6.08E-16 r= 0.63, p < 6.08E-16
<u>ENSG00000271991</u> AC013400.1	novel transcript, AS to TTC32	2p24	19902025	19902569	1	TTC32	r = 0.40, p < 6.08E-16
<i>ENSG00000271387</i> AL445228.2	novel transcript, AS to C1orf21	1q25	184385753	184386704	-1	C1orf21	r= 0.69, p< 6.08E-16
<i>ENSG00000272606</i> AC015982.2	novel transcript, AS to PP4R3B	2p16	55617909	55618373	1	PNPT1	r=0.15, p =2.70E-05
ENSG00000236206 AL356441.1	novel transcript, sense to MGST3	1q24	165598356	165624084	1	MGST3	r = 0.28, p = 8.93E-15
ENSG00000255647 AC093510.1	novel transcript, AS to CETN3	5q14	90410000	90410669	1	CETN3	r= 0.13, p = 6.39E-04
ENSG00000259775 AL138976.2	novel transcript, AS to EIF5	14q32	103331674	103332367	-1	EIF5	r= 0.30, p < 6.08E-16
ENSG00000260236 AC099778.1	novel transcript, AS to PTPN23	3p21	47379089	47380999	-1	PTPN23	r= 0.11, p = 4.42E-03
ENSG00000272426 BX284668.6	novel transcript, AS to CROCC	1p36	16904339	16904776	-1	RNU1-2 CROCC	r=0.15, p = 3.00E-05 r=0.18, p = 1.36E-06
ENSG00000272716 AL121658.1	novel transcript, AS to SLC30A6	2p22	32165046	32165757	-1	SLC30A6 SPAST	r= 0.07, p = 8.94E-02 r=0.15, p = 2.71E-05
ENSG00000273355 AP000894.4	novel transcript, AS to YES1	18p11	813274	813756	1	YES1	r=0.16, p = 1.93E-05

* the significance in multivariate analysis is indicated for OS (underlined Gene stable ID), OS and PFS (italicized Gene stable ID), or PFS (Gene stable ID in plain text); four lncRNAs in bold are those validated in qRT-PCR. # AS = antisense. ** neighbor genes belonging to the DE gene list (Supplementary Table 6) are marked bold.

Figure legends

Figure 1: Distribution of *DIS3* non-synonymous somatic variants in 94 MM patients of CoMMpass cohort and their correlation with other genetic alterations. (A) Frequency of the 100 missense SNVs in *DIS3* protein domains schematized below the histogram; the splice acceptor or donor variants occurring in intronic regions are indicated by red arrows. (B) Plot of co-occurrence of main CNAs, IgH translocations and non-synonymous somatic mutations in 651 MM of CoMMpass dataset entirely profiled by WES and RNA-seq.

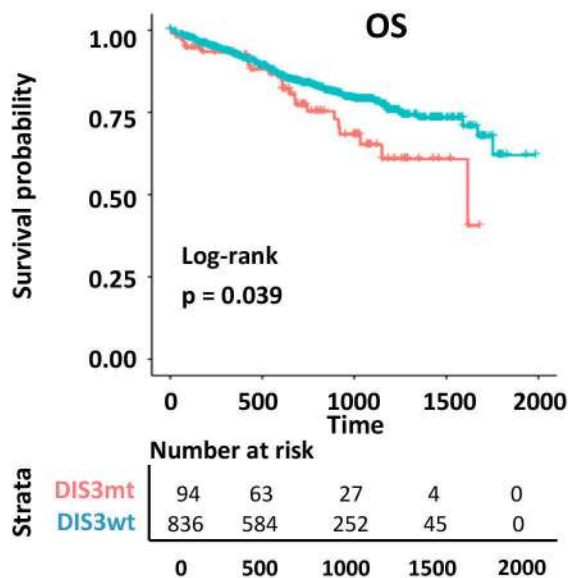
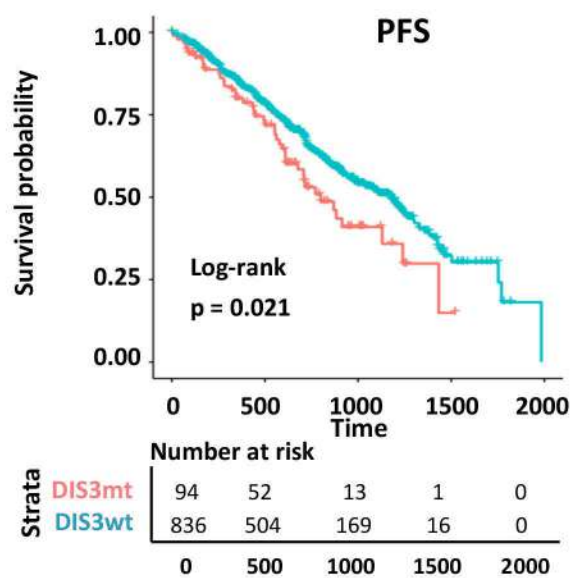
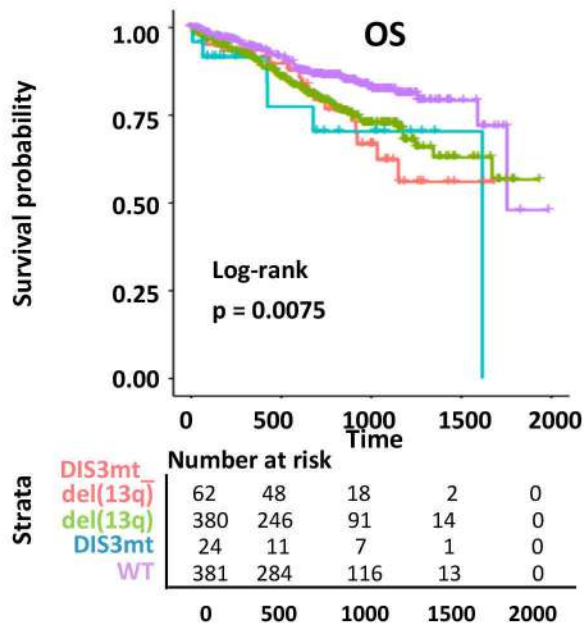
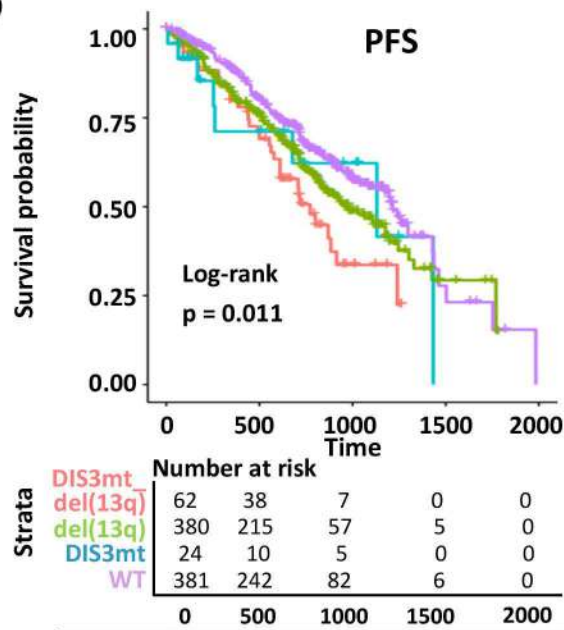
Figure 2: Impact of *DIS3* mutations in clinical outcome. Kaplan-Meier survival curves in 930 MM cases stratified according to *DIS3* mutation occurrence with respect to OS (A) and PFS (B). Kaplan-Meier survival curves in 847 cases stratified in four molecular groups accordingly to the presence of *DIS3* mutation and del(13q) as single or bi-allelic alterations, with respect to OS (C) and PFS (D). Log-rank test p-value measuring the global difference between survival curves and number of samples at risk in each group across time are reported. Log-rank test p-values of pairwise comparisons are also reported in C-D. Significant adjusted p-values by BH correction (< 0.05) are in bold red. OS median follow up time: 862 days, IQR: [594 days; 1092 days]; PFS median follow up time: 828 days, IQR: [535 days; 1094 days].

Figure 3: Impact of *DIS3* mutations and other clinical/molecular variables in MM survival. Forest plots of cox regression multivariate analyses considering all features with adjusted p-value < 0.05 in univariate analysis with regards to OS (A) and PFS (B), in 630 MM cases of CoMMpass cohort for which all considered data were available. Hazard Ratio, 95% Confidence Interval and p-value are reported for each variable. Global Log-rank p-value is reported for each analysis.

Figure 4: Transcriptional expression changes associated with *DIS3* mutations and del(13q). (A) Principal Component Analyses on 6564 DE transcripts in 56 *DIS3* $>20\%$ mutated versus 582 *DIS3* WT MM cases. (B) Heatmap of top 100 differentially expressed transcripts according to B

statistics value, in 56 *DIS3* >20% mutated versus 582 *DIS3* WT MM cases. The colored scaled bar represents standardized rows by subtracting the mean and divided by the standard deviation. Samples in each group are further stratified according to the occurrence of del(13q) aberration: 5 *DIS3*mut and not available (nd) for del(13q) MM cases, 38 MM cases with bi-allelic alteration, 13 MM carrying only *DIS3* mutation, 289 MM with del(13q) as single lesion and 293 wild type (WT) MM cases. (C) Venn diagram on differentially expressed transcripts lists resulting from 13 MM with *DIS3* mutation, 289 MM with del(13q) as single lesions, or 38 MM carrying bi-allelic alteration compared to 293 WT MM cases, respectively.

Figure 5: LncRNAs with clinical relevance in MM patients. Scheme of the genomic region of the four lncRNAs validated by means of qRT-PCR in 43 NDMM patients including: 13 *DIS3* WT, 14 *DIS3* WT and del(13q), 7 *DIS3*mt, and 9 *DIS3*mt and del(13q) samples. Primer position is indicated in red below each lncRNAs. Differential expression is assessed by Wilcoxon signed-rank test, significant p-values (<0.05) are reported above each boxplot. Dunn's test p-values of pairwise comparisons are reported in tables under each boxplot, significant p-values are in bold red.

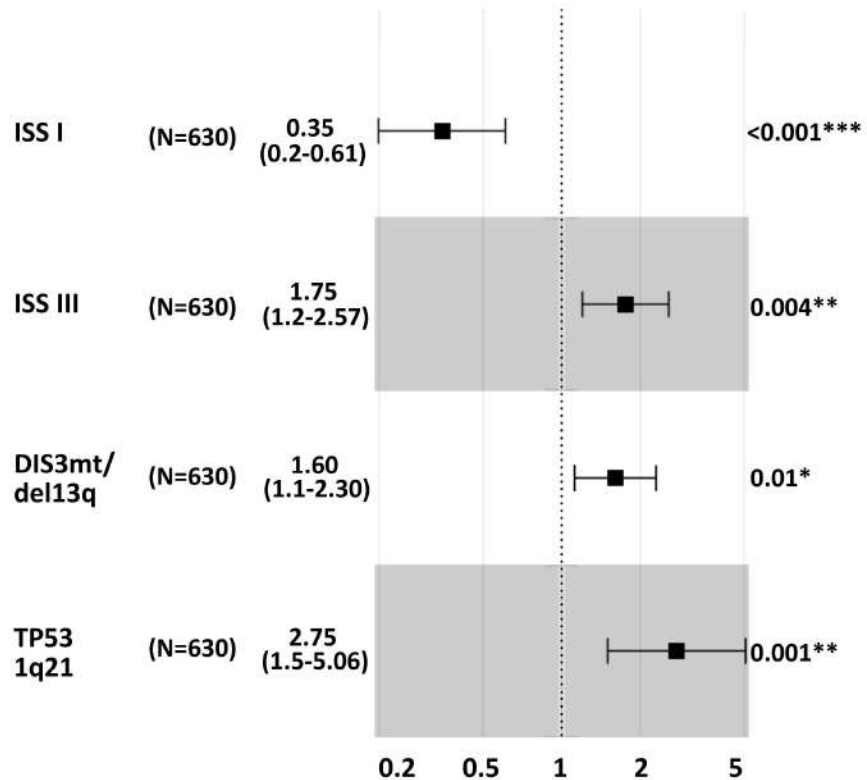
A**B****C****D**

OS	DIS3mt_del(13q)	del(13q)	DIS3mt
del(13q)	0.686	-	-
DIS3mt	0.777	0.658	-
WT	0.044	0.022	0.089

PFS	DIS3mt_del(13q)	del(13q)	DIS3mt
del(13q)	0.186	-	-
DIS3mt	0.436	0.883	-
WT	0.011	0.087	0.436

OS

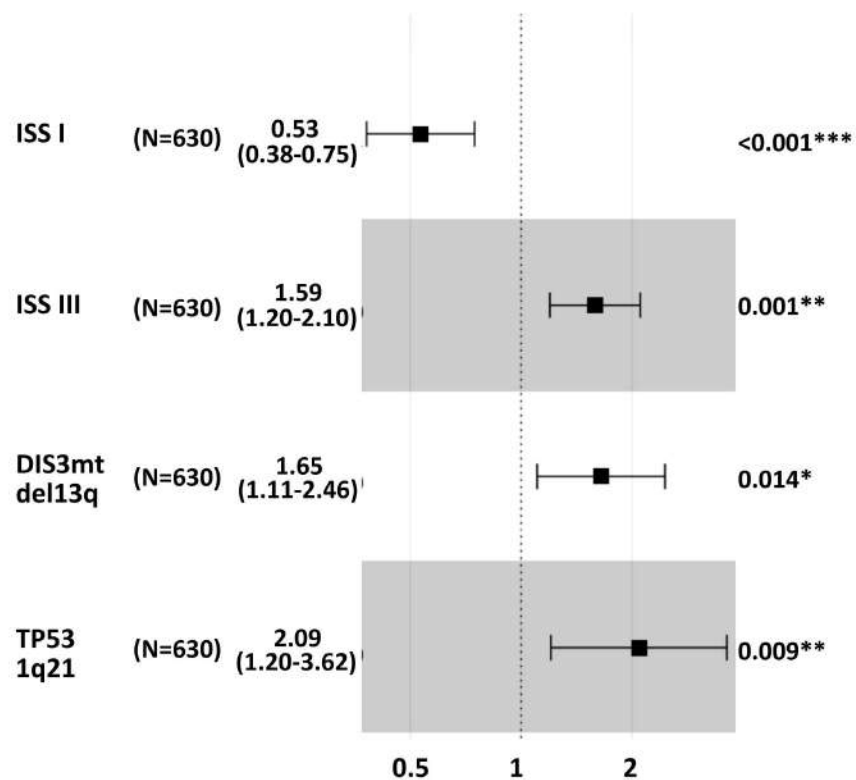
Hazard ratio



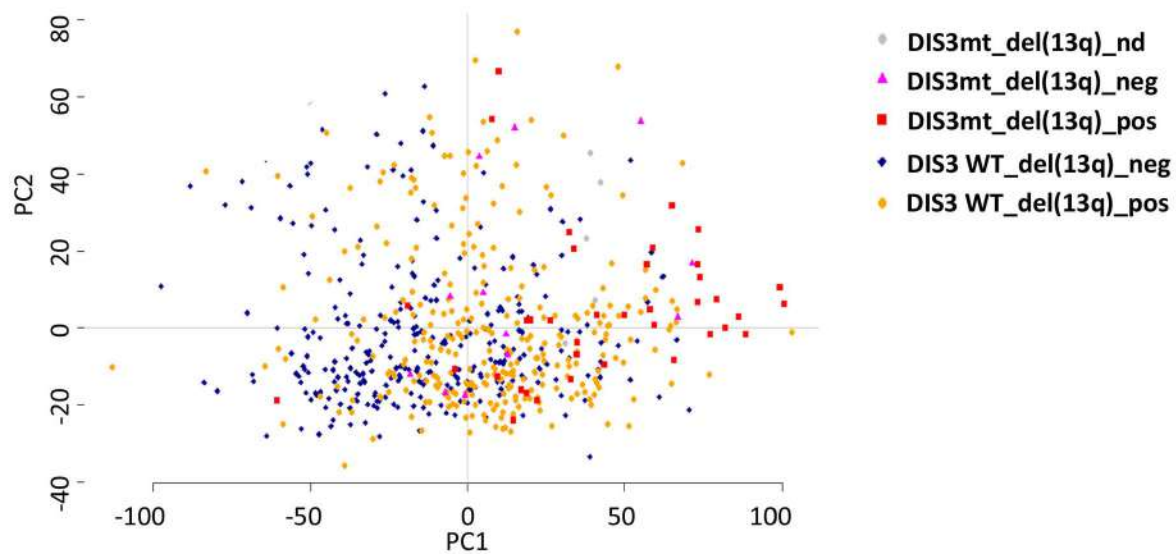
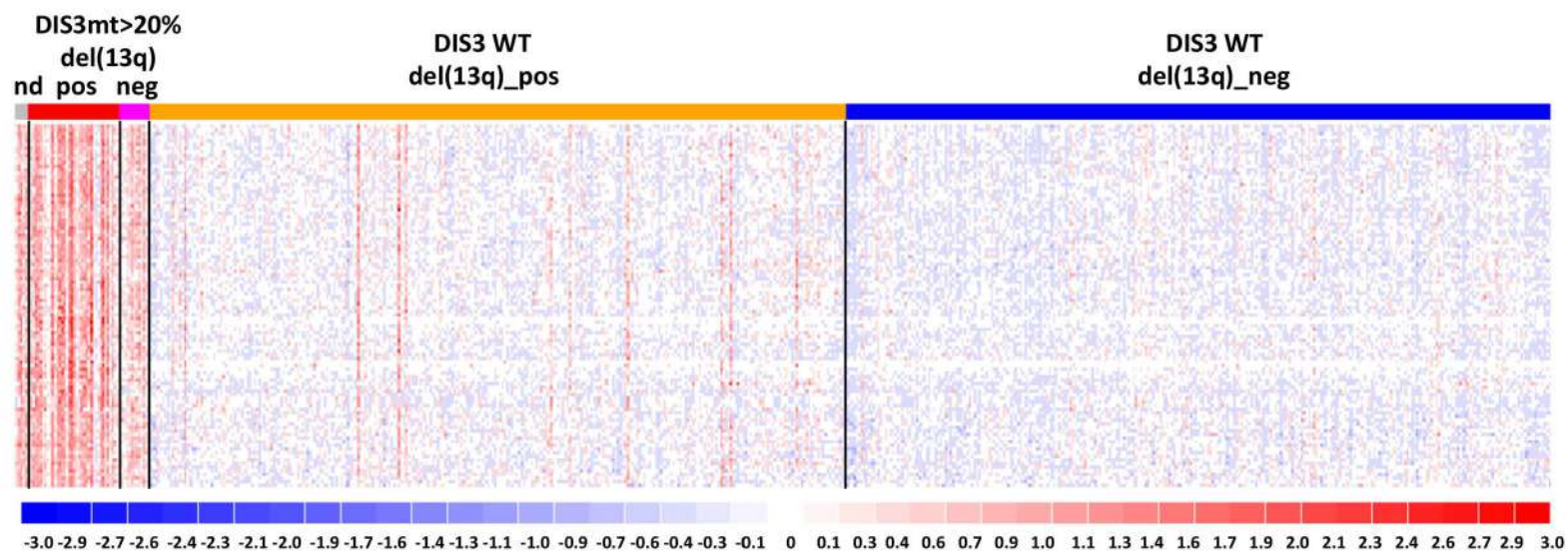
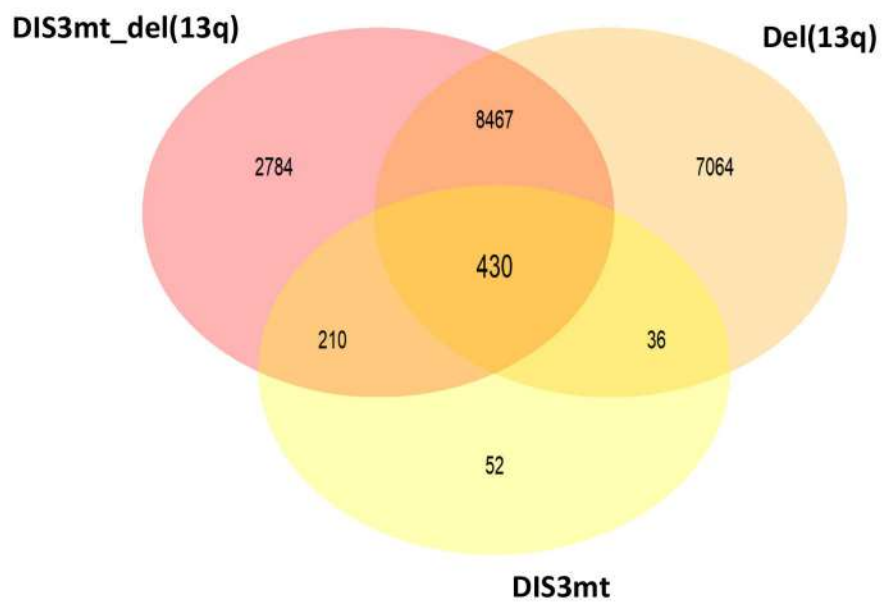
Events: 125; Global p-value (Log-Rank): 1.756e-12
AIC: 1416.86; Concordance Index: 0.71

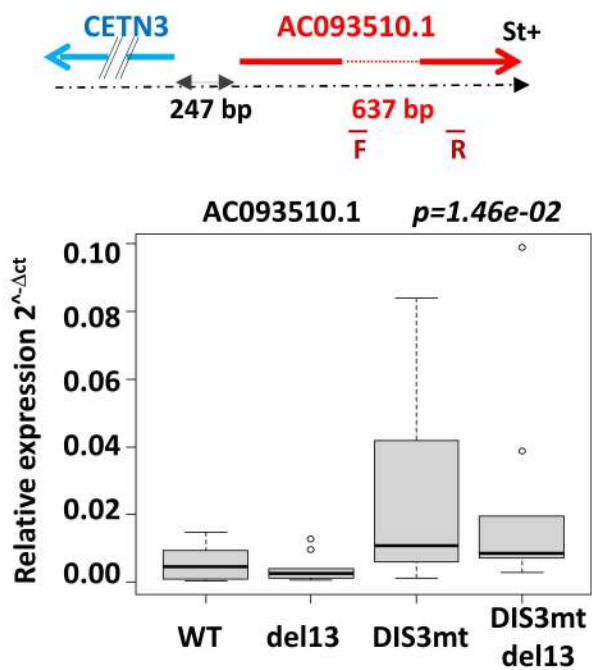
PFS

Hazard ratio

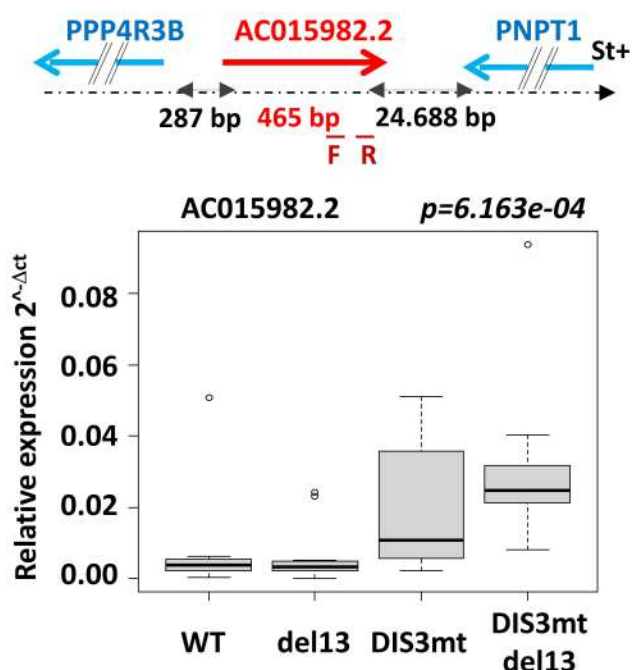


Events: 251; Global p-value (Log-Rank): 7.481e-12
AIC: 2779.78; Concordance Index: 0.65

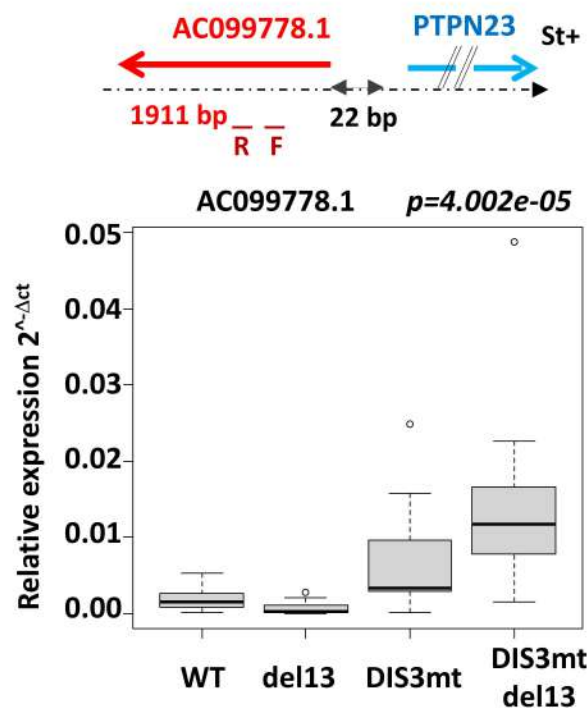
A**B****C**



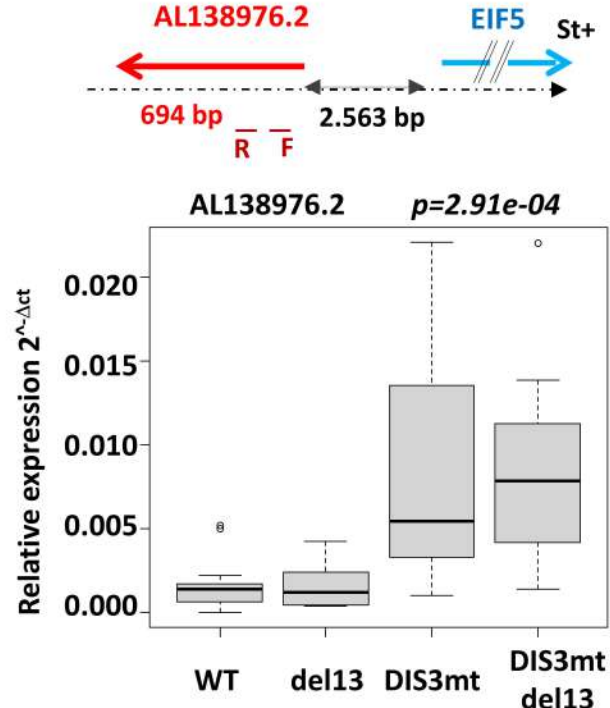
	WT	del13	DIS3mt
del13	0.288	-	-
DIS3mt	0.034	0.010	-
DIS3mt_del13	0.016	0.003	0.443



	WT	del13	DIS3mt
del13	0.420	-	-
DIS3mt	0.019	0.011	-
DIS3mt_del13	0.0004	0.0002	0.173



	WT	del13	DIS3mt
del13	0.034	-	-
DIS3mt	0.074	0.001	-
DIS3mt_del13	0.002	0.0000	0.132



	WT	del13	DIS3mt
del13	0.441	-	-
DIS3mt	0.004	0.003	-
DIS3mt_del13	0.0005	0.0003	0.340

SUPPLEMENTARY METHODS

Multi-Omics Data in CoMMpass Study

Non-synonymous (NS) somatic mutation variants and counts data were derived in 930 BM_1 MM samples from whole exome sequencing (WES) analyses (MMRF_CoMMpass_IA12a_All_Canonical_NS_Variants,MMRF_CoMMpass_IA12a_All_Canonical_NS_Variants_ENSG_Mutation_Counts).

Main IgH translocations were inferred from RNA-sequencing (RNA-seq) spike expression estimates of known target genes and were available in 724 common MM cases that were analyzed by RNA-seq (MMRF_CoMMpass_IA12a_RNAseq_Canonical_Ig_Translocations).

Copy number alteration (CNA) data were obtained by means of Next generation Sequencing (NGS)-based fluorescence in situ hybridization (FISH) analyses¹ (MMRF_CoMMpass_IA12a_CNA_Exome_FISH_CN_All_Specimens) in 847 common MM cases. The presence of a specific CNA was considered when occurring in at least one of the investigated cytoband at a 20 percent cut-off for each considered chromosomal aberration.

Transcript per Million (TPM) reads values were obtained by Salmon gene expression quantification (MMRF_CoMMpass_IA12a_E74GTF_Salmon_V7.2_Filtered_Gene_TPM) for 655 MM patients for which DIS3 RNA mutation frequency was accessible.

Clinical data regarding Overall Survival (OS) and Progression free Survival (PFS), International Staging System (ISS) and treatment classes were available for the entire cohort of 930 MM cases profiled for DIS3 mutation occurrence (CoMMpass_IA12a_FlatFiles). Four main groups of therapy were identified as first line of treatment, i.e. combined bortezomib/IMiDs-based, bortezomib-based, IMiDs-based, or therapy based on carfilzomib (i.e. combined IMiDs/carfilzomib-based, combined bortezomib/IMiDs/carfilzomib-based, or carfilzomib-based).

Statistical and survival analyses

Kaplan-Meier analysis was applied on OS and PFS data in differently characterized MM patients' cohorts. Log-Rank test p-value was calculated to measure the global and pairwise difference between survival curves, Benjamini-Hochberg (BH) correction was applied in pairwise comparisons. The number of samples at risk in each group across time was calculated. Cox proportional hazards model was applied as univariate analysis on single molecular variables and International Staging System (ISS) groups in relation to OS and PFS data, in 630 MM cases for which all information were accessible. Cox regression multivariate analysis was applied on all significant features after BH correction. Forest plot was used to summarize Cox Proportional Hazard Models.

Differential expression analysis on CoMMpass MM cohort

DIS3 mutated cases with at least 20% RNA mutational load were considered in differential expression analysis. To define the best cut-off on RNA frequency, Receiver-Operating Characteristic (ROC) analysis was performed using pROC R package on DIS3 RNA frequency mutation, as predictor variable, versus DIS3 variant allele frequency (VAF), as response variable (0-1) inferred on the base of 20% cut-off value. The corresponding area under the curve (AUC) and the best threshold for RNA frequency were calculated. Pearson's correlation r coefficient was computed to measure the strength of association between the two variables.

A pre-filtering step was applied on global expression levels considering transcripts with at least 1 TPM reads in 5% of the entire cohort of 638 MM samples. Therefore, 28.346 out of 56.430 globally profiled transcripts (50%) were compared in 56 DIS3 mutated versus 582 wild-type (WT) DIS3 MM cases, or between samples groups further stratified according to del(13q) occurrence.

In order to fit a linear model to each gene, a least squares approach was applied on log₂-transformed expression data, by using limma package² in R Bioconductor (v 3.5.1). Differential expressed transcripts were selected at 10% False Discovery Rate (FDR) adjusted p-value and annotated using Ensembl BioMart tool (GRCh38.p13).

DE transcripts lists, that were obtained in differential expression analyses between *DIS3*mts/del(13q) MM groups, were matched and the overlapping results were shown using VennDiagram R package. Identically, we performed the comparisons of DE total transcript, protein coding and lncRNA lists between DIS3 mutated and WT samples in selected molecular subgroups, that is the hyperdiploid (HD) and t(4,14) and 1q gain/amp cases, respectively. Specifically, the protein coding genes that were common to at least two comparisons (490 protein coding genes) were selected for further enrichment analysis.

Concerning differential expression analysis on global MM dataset, the top 50 most significant lncRNAs were selected at a higher stringency level (FDR<1%) , in limma analysis.

Correlation between lncRNAs and overlapping or neighbor transcripts expression levels was performed by means of Pearson's correlation and p-value were adjusted by BH method.

Functional enrichment analysis on DE protein coding genes

Global DE protein coding gene list (3464 genes) and 490 DE protein coding genes common to at least one molecular subgroup or in all comparisons were ranked based on fold change value and analyzed by Gene Set Enrichment Analysis (GSEA), respectively. Cluster Profiler analysis was performed in R environment on DE global protein coding gene list and the top 100 (BH adjusted p-value) GSEA gene sets, based on Gene-Ontology (GO) Biological Process (BP) terms, were represented by the Enrichment map. In the GSEA analyses, gene set dimensions were set to 15-500 genes using Hallmark, KEGG, Reactome and C2-Gene Perturbations collections (version 7.1). The

last ones were filtered according to "Multiple Myeloma" involvement. Significant gene sets were selected on nominal p-value<0.05. Size, Normalized Enrichment Score (NES) and FDR q-value statistical parameters were also reported. Common gene sets in both GSEA analyses were evidenced.

LncRNAs expression validation

We investigated lncRNAs expression in a proprietary dataset that includes 43 MM patients. All the samples were characterized for the presence of DIS3 mutations as previously described³ and for the main chromosomal aberrations (Supplementary Table 1). CD138+ cells were isolated from the BM aspirates by Ficoll-Hypaque (Lonza Group, Basel, Switzerland) density gradient sedimentation, followed by antibody-mediated positive selection using anti-CD138 magnetic activated cell separation microbeads (Miltenyi Biotech, Gladbach, Germany). Total RNA was extracted using TRIzol® Reagent (Invitrogen) according to manufacturer's instructions. The purity and concentration of total RNA was determined by the NanoDrop 1000 spectrophotometer (Thermo Fisher Scientific). The ratio of absorption (260 nm/280 nm) of all samples was between 1.8 and 2.0. cDNA was synthesized from 500 ng of total RNA with random primers using the High Capacity cDNA Reverse Transcriptase Kit (Invitrogen, Life Technologies) according to the manufacturer's instructions. RT-PCR was performed using SYBR green PCR Master Mix (Applied Biosystems). 10 ng of reverse-transcribed RNAs were mixed with 300 nM of specific forward and reverse primers in a final volume of 10 µl. RT-PCR was performed on an Applied Biosystems StepOnePlus Real-Time PCR system for 40 cycles. Data were analyzed using the $2^{-\Delta\Delta C_t}$ method to measure the relative changes in each lncRNAs expression compared with GAPDH expression. To determine RNA levels by qPCR, the following primers were used:

Primer Name	Sequence (5'-3')
GAPDH FW	5' - ACAGTCAGCCGCATCTTCTT - 3'
GAPDH RW	5' - AATGAAGGGGTCATTGATGG - 3'
AC093510.1 FW	5'- CAAGGTCTGCGAAAATTGGC - 3'
AC093510.1 RW	5' - AATCACGGCCTCCAAGAAAT - 3'
AC015982.2 FW	5' - AAGAACGTGGAGCCCTTTCT - 3'
AC015982.2 RW	5' - GTGCTTTACAATCGCCAGCT - 3'
AC099778.1 FW	5' - CGTATTGTCAAGAGCCGTGG - 3'
AC099778.1 RW	5' - CCAGTCTCCGGTCAGTGATT - 3'
AL138976.2 FW	5' - TTGTGAGTACCAGGGTTCCC - 3'
AL138976.2 RW	5' - GGCCTCTCACCTCAGACTAG - 3'

REFERENCES

1. Miller, C. et al. A comparison of clinical FISH and sequencing based FISH estimates in multiple myeloma: An MMRF CoMMpass analysis. In: Hematology TAsO, editor. The American Society of Hematology; 2016: Blood; 2016. p. 374.
2. Ritchie, M. E. et al. limma powers differential expression analyses for RNA-sequencing and microarray studies. *Nucleic Acids Res***43**, e47 (2015).
3. Lionetti, M. et al. A compendium of DIS3 mutations and associated transcriptional signatures in plasma cell dyscrasias. *Oncotarget***6**, 26129-26141 (2015).

Supplementary Table 1. Baseline characteristics of MM samples (at diagnosis) used for qRT-PCR analysis.

Sample	Sex	Age	del(13)	DIS3 mts	t(4;14)	t(11;14)	t(14;16)	t(14;20)	del(17p)*	1q gain*	1p loss*	HD*
MM-026	F	72	-	-	-	+	-	-	-	-	na	na
MM-039	M	50	-	-	-	-	-	-	-	-	na	+
MM-043	F	73	-	-	-	-	-	-	-	+	-	-
MM-274	M	59	-	-	+	-	-	-	-	-	-	-
MM-030	M	69	-	-	-	-	-	-	-	-	+	+
MM-280	M	62	-	-	-	+	-	-	-	-	-	-
MM-015	M	71	-	-	-	+	-	-	-	-	-	-
MM-016	M	66	-	-	-	-	-	-	-	+	-	+
MM-131	M	73	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
MM-212	F	55	-	-	-	+	-	-	-	-	-	-
MM-341	M	65	-	-	-	-	-	-	-	+	-	-
MM-229	M	75	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
MM-278	M	73	-	-	-	-	-	-	-	-	+	+
MM-027	M	60	+	-	-	-	-	-	-	na	na	na
MM-038	F	67	+	-	-	-	-	-	-	-	-	+
MM-382	M	85	+	-	-	-	-	-	+	na	na	na
MM-286	F	71	+	-	-	-	-	-	-	-	-	-
MM-334	F	45	+	-	-	-	-	-	+	+	+	+
MM-087	F	84	+	-	+	-	-	-	-	+	na	-
MM-362	F	80	+	-	-	-	-	-	+	+	-	-
MM-177	M	73	+	-	-	-	-	-	-	+	-	-
MM-239	F	72	+	-	-	-	-	-	-	-	-	+
MM-261	F	66	+	-	-	-	-	-	-	+	-	+
MM-327	F	62	+	-	-	-	-	-	-	+	-	+
MM-267	M	74	+	-	-	-	-	-	-	-	-	+
MM-321	M	63	+	-	-	-	-	-	-	-	-	+
MM-087	F	84	+	-	+	-	-	-	-	+	na	-
MM-004	F	58	-	+	-	-	+	-	na	na	na	na
MM-034	M	71	-	+	-	-	-	-	-	-	-	+
MM-055	F	69	-	+	-	+	-	-	-	-	na	-
MM-281	F	77	-	+	-	-	-	-	-	-	-	-
MM-317	M	56	-	+	-	+	-	-	-	+	-	-
MM-343	M	74	-	+	-	+	-	-	-	-	-	-
MM-372	M	54	-	+	-	+	-	-	-	+	-	-
MM-036	M	65	+	+	-	-	-	-	-	+	na	-
MM-123	M	55	+	+	+	-	-	-	-	+	-	-
MM-207	F	68	+	+	-	-	-	-	-	+	-	-
MM-213	M	66	+	+	-	+	-	-	-	-	-	-
MM-335	F	68	+	+	-	-	+	-	-	-	-	-
MM-340	M	46	+	+	-	+	-	-	-	-	-	-
MM-424	F	84	+	+	-	-	-	-	-	-	+	+
MM-464	M	75	+	+	-	-	-	-	-	+	-	-
MM-590	M	72	+	+	+	-	-	-	+	+	-	-

*na: not available

Supplementary Table 2. Number and relative frequency of non-synonymous somatic mutations, main IgH translocations (trx) and copy number alterations (CNAs) in BM-1 MM cases of MMRF_CoMMpass_IA12a cohort with available DIS3 mutation data by Whole Exome sequencing (WES) (930 MM), also analyzed by RNA sequencing (724 MM) and next generation sequencing (NGS)-based FISH (847 MM).

930 BM_1 MM WES.MUT	
Non-syn. Somatic Mutation	N (%)
<i>DIS3</i>	94 (10.1%)
<i>N-RAS</i>	200 (21.5%)
<i>H-RAS</i>	0 (0%)
<i>K-RAS</i>	239 (25.7%)
<i>BRAF</i>	73 (7.8%)
<i>TP53</i>	41 (4.4%)
<i>FAM46C</i>	89 (9.6%)
<i>TRAF3</i>	71 (7.6%)
724 BM_1 MM WES.MUT-RNAseq	
IgH trx	N (%)
t(11;14)/CCND1	140 (19.3%)
t(6;14)/CCND3	11 (1.5%)
t(4;14)/WHSC1/FGFR3	100 (13.8%)
t(14;16)/MAF;t(14;20)/MAFB; t(8;16)/MAFA	51 (7.0%)
MYC.trx	33 (4.6%)
847 BM_1 MM WES.MUT-CNA	
CNA	N (%)
del(13)(q14)/(q34)/RB1_20%	442 (52.2%)
1q21 gain_20%	303 (35.8%)
del(1)(p22)/CDKN2C_20%	244 (28.8%)
del(17)(p13)/TP53_20%	88 (10.4%)
HD	485 (57.3%)

Supplementary Table 3. Details on DIS3 non-synonymous somatic variants reporting the chromosomal position (POS), frequency by RNA-sequencing (RNA_ALT_FREQ), variant allele frequency (VAF), effect type of observed mutation (ANN[*].EFFECT), effect impact of observed mutation (ANN[*].IMPACT), HGVS format describing nucleotide (ANN[*].HGVS_DNA) and amino acid (ANN[*].HGVS_PT) variants and involved functional protein domain (DOM). Data were retrieved from MMRF_CoMMpass_IA12a_All_Canonical_NS_Variants file. del(13q)/RB1 copy number alteration and DIS3 mutation group based on RNA-seq 20% cut-off are reported in the last three columns. nd: not determined.

SAMPLE	CHR.	POS	RNA_ALT_FREQ	VAF	ANN[*].EFFECT °	ANN[*].IMPACT #	ANN[*].HGVS_DNA	ANN[*].HGVS_PT	DOM	del(13q)/RB1	DIS3 mt <20%	DIS3 mt >20%
MMRF_1090	13	73346364	nd	0,455	MV	M	c.1436A>T	D479V	RNB	+	nd	nd
MMRF_1108	13	73337717	0,477612	0,41	MV	M	c.1999A>T	M667L	RNB	-	-	+
MMRF_1129	13	73345980	0,420455	0,355	MV	M	c.1558G>T	D520Y	RNB	+	-	+
MMRF_1153	13	73346371	1	0,978	MV	M	c.1429A>C	S477R	RNB	+	-	+
MMRF_1180	13	73345980	1	1	MV	M	c.1558G>T	D520Y	RNB	+	-	+
MMRF_1202	13	73345112	0	0,111	MV	M	c.1685G>A	C562Y	RNB			-
	13	73349512	0	0,275	MV_SRV	M	c.824T>G	I275R		+	+	-
	13	73347827	0,111111	0,154	MV	M	c.1234C>T	P412S				-
MMRF_1242	13	73350149	0,90625	0,828	MV	M	c.736T>G	Y246D		nd	-	+
MMRF_1251	13	73355116	1	0,923	MV	M	c.254T>C	I85T	PIN	+	-	+
MMRF_1300	13	73355968	1	1	SL	H	c.3G>A	M1?		+	-	+
MMRF_1307	13	73345240	0,0819672	0,172	MV	M	c.1649C>T	S550F	RNB	nd	+	-
MMRF_1349	13	73345112	1	0,981	MV	M	c.1685G>A	C562Y	RNB	+	-	+
MMRF_1389	13	73336064	0,462121	0,52	MV	M	c.2339G>C	R780T	RNB	+	-	+
MMRF_1433	13	73350101	0,975	0,962	MV	M	c.784A>C	T262P		+	-	+
MMRF_1461	13	73347854	0,784314	0,842	MV	M	c.1207G>A	D403N		+	-	+
MMRF_1510	13	73336063	0,609375	0,541	MV_SRV	M	c.2340A>C	R780S	RNB	-	-	+
MMRF_1519	13	73345982	0,321429	0,45	MV	M	c.1556T>C	L519S	RNB	+	-	+
MMRF_1520	13	73350140	0,15	0,101	MV	M	c.745G>A	G249R		+	+	-
MMRF_1541	13	73336064	0	0,131	MV	M	c.2339G>C	R780T	RNB	+	-	-
MMRF_1565	13	73337644	0,076087	0,118	MV	M	c.2072A>G	H691R	RNB	-	+	-
MMRF_1572	13	73355016	0,108108	0,161	MV	M	c.354G>T	K118N	PIN	+	+	-
MMRF_1586	13	73345258	1	1	MV	M	c.1631T>C	L544P	RNB	+	-	+
MMRF_1633	13	73336064	0,0373134	0,068	MV	M	c.2339G>A	R780K	RNB	-	+	-
MMRF_1643	13	73336064	0,289474	0,308	MV	M	c.2339G>A	R780K	RNB	-	-	+
MMRF_1648	13	73346364	0,458716	0,48	MV	M	c.1436A>T	D479V	RNB	-	-	+
MMRF_1654	13	73334018	0	0,6	SAV_IV	H	c.2794-2A>C	/		+	-	-
MMRF_1674	13	73355053	nd	0,897	MV	M	c.317A>G	Y106C	PIN	+	nd	nd
MMRF_1683	13	73350139	0,97619	0,964	MV	M	c.746G>A	G249Q		+	-	+
MMRF_1720	13	73337716	0,382022	0,364	MV	M	c.2000T>A	M667K	RNB	-	-	+
MMRF_1727	13	73346364	0,186047	0,067	MV	M	c.1436A>T	D479V	RNB	+	+	-
MMRF_1782	13	73345267	0,153846	0,212	MV	M	c.1622C>T	P541L	RNB	+	+	-
MMRF_1785	13	73337731	1	0,963	MV	M	c.1985T>G	M662R	RNB	+	-	+
MMRF_1794	13	73334740	nd	0,923	MV	M	c.2720T>G	V907G		+	nd	nd
MMRF_1797	13	73336064	0,616438	0,412	MV	M	c.2339G>A	R780K	RNB	-	-	+
MMRF_1822	13	73352438	0,96	1	MV	M	c.467A>G	Y156C	PIN	+	-	+
MMRF_1833	13	73346364	0,568966	0,375	MV	M	c.1436A>C	D479A	RNB	-	-	+
MMRF_1837	13	73335845	0,965517	0,89	MV	M	c.2450T>G	L817R		+	-	+
MMRF_1851	13	73348145	1	1	MV	M	c.1040G>A	G347Q		+	-	+
MMRF_1876	13	73355968	0,210526	0,185	SL	H	c.3G>A	M1?		+	-	+
MMRF_1910	13	73349500	0,964286	0,867	MV	M	c.836G>T	G279V		+	-	+
MMRF_1929	13	73346400	nd	0,224	MV	M	c.1400G>C	R467P	RNB	+	nd	nd

SAMPLE	CHR.	POS	RNA_ALT_FREQ	VAF	ANN[*].EFFECT °	ANN[*].I MPACT #	ANN[*].HGVS_DNA	ANN[*].HGVS_PT	DOM	del(13q) /RB1	DIS3 mt <20%	DIS3 mt >20%
MMRF_1951	13	73355894	0,944444	0,964	MV	M	c.77G>C	R26P	PIN	nd	-	+
MMRF_1974	13	73336085	0,102041	0,077	MV	M	c.2318C>T	T773I	RNB	+	+	-
MMRF_1986	13	73336064	nd	0,504	MV	M	c.2339G>A	R780K	RNB	-	nd	nd
MMRF_1994	13	73335929	nd	0,968	MV	M	c.2366G>A	R789Q	RNB	+	nd	nd
MMRF_2005	13	73346365	0,134615	0,16	MV	M	c.1435G>C	D479H	RNB	+	+	-
MMRF_2007	13	73336064	nd	0,531	MV	M	c.2339G>A	R780K	RNB	-	nd	nd
MMRF_2014	13	73334017	nd	0,679	SAV_IV	H	c.2794-1G>C	/		+	nd	nd
MMRF_2017	13	73346338	0,3125	0,45	MV	M	c.1462G>A	D488N	RNB	-	-	+
MMRF_2190	13	73346338	nd	0,067	MV	M	c.1462G>A	D488N	RNB	-	nd	nd
MMRF_2201	13	73336064	0,114286	0,171	MV	M	c.2339G>A	R780K	RNB	-	-	+
	13	73346338	0,346535	0,18	MV	M	c.1462G>A	D488N	RNB			
MMRF_2230	13	73348145	0,5	0,322	MV	M	c.1040G>A	G347Q		+	-	+
	13	73335926	0,5	0,465	MV	M	c.2369T>C	L790P	RNB			
MMRF_2253	13	73348139	1	0,989	MV	M	c.1046T>G	I349R		+	-	+
MMRF_2281	13	73345258	nd	0,929	MV	M	c.1631T>C	L544P	RNB	+	nd	nd
MMRF_2292	13	73345980	nd	0,722	MV	M	c.1558G>T	D520Y	RNB	+	nd	nd
MMRF_2293	13	73346338	0,229167	0,095	MV	M	c.1462G>C	D488H	RNB	+	-	+
MMRF_2297	13	73346364	0,0588235	0,129	MV	M	c.1436A>G	D479G	RNB	+	+	-
MMRF_2305	13	73336068	0,238411	0,064	MV	M	c.2335A>T	I779F	RNB	+	-	+
MMRF_2317	13	73345980	0,785714	0,328	MV	M	c.1558G>T	D520Y	RNB	+	-	+
MMRF_2331	13	73343025	1	1	MV	M	c.1781A>C	Q594P	RNB	+	-	+
MMRF_2341	13	73346338	0,0901639	0,1	MV	M	c.1462G>A	D488N	RNB	-	+	-
MMRF_2362	13	73335943	0,0816327	0,053	MV	M	c.2352T>A	D784Q	RNB	+	-	+
	13	73336112	0,615385	0,595	MV	M	c.2291A>C	H764P	RNB			
MMRF_2368	13	73346338	0,370968	0,29	MV	M	c.1462G>A	D488N	RNB	+	-	+
MMRF_2380	13	73352384	0,956522	0,909	MV	M	c.521T>C	I174T	PIN	+	-	+
MMRF_2438	13	73346316	0,632653	0,833	MV	M	c.1484T>C	L495P	RNB	+	-	+
MMRF_2444	13	73345947	0,96875	0,7	MV	M	c.1591T>G	Y531D	RNB	+	-	+
MMRF_2468	13	73355970	0,861111	0,59	SL	H	c.1A>G	M1?		+	-	+
MMRF_2469	13	73336064	0,295775	0,239	MV	M	c.2339G>C	R780T	RNB	-	-	+
MMRF_2473	13	73348145	0,590909	0,674	MV	M	c.1040G>A	G347Q		+	-	+
	13	73355016	0,121212	0,1	MV	M	c.354G>T	K118N	PIN			
MMRF_2490	13	73351557	0	0,446	SDV_IV	H	c.654+1G>C	/		+	-	-
MMRF_2493	13	73346364	nd	0,429	MV	M	c.1436A>G	D479G	RNB	-	nd	nd
MMRF_2503	13	73355008	nd	0,22	MV	M	c.362A>G	Y121C	PIN	+	nd	nd
MMRF_2546	13	73337690	nd	0,815	MV	M	c.2026A>G	K676Q	RNB	+	nd	nd
MMRF_2579	13	73345979	0,0740741	0,161	MV	M	c.1559A>T	D520V	RNB	+	-	+
	13	73351619	0,68254	0,741	MV	M	c.593T>G	V198G			-	+
MMRF_2580	13	73346400	0,210526	0,104	MV	M	c.1400G>A	R467Q	RNB	+	-	+
MMRF_2597	13	73337644	0,162162	0,125	MV	M	c.2072A>C	H691P	RNB	+	+	-
MMRF_2604	13	73335837	0,978261	0,936	MV	M	c.2458C>T	R820W		nd	-	+
MMRF_2622	13	73336078	0,742424	0,532	MV	M	c.2325T>G	F775L	RNB	+	-	+
MMRF_2637	13	73355129	0,157895	0,29	MV	M	c.241G>A	Q81K	PIN	nd	+	-
MMRF_2639	13	73346364	0,314286	0,278	MV	M	c.1436A>G	D479G	RNB	+	-	+
MMRF_2675	13	73346338	0,0684932	0,11	MV	M	c.1462G>A	D488N	RNB	-	+	-
MMRF_2682	13	73336064	0,483871	0,39	MV	M	c.2339G>A	R780K	RNB	nd	-	+
	13	73346364	0,04	0,117	MV	M	c.1436A>C	D479A	RNB			
MMRF_2694	13	73346015	0,982759	0,913	MV	M	c.1523A>C	D508A	RNB	+	-	+

SAMPLE	CHR.	POS	RNA_ALT_FREQ	VAF	ANN[*].EFFECT °	ANN[*].IMPACT #	ANN[*].HGVS_DNA	ANN[*].HGVS_PT	DOM	del(13q)/RB1	DIS3 mt <20%	DIS3 mt >20%
MMRF_2711	13	73335837	0,928571	0,977	MV	M	c.2458C>T	R820W		nd	-	+
MMRF_2722	13	73337650	1	0,898	MV	M	c.2066G>A	R689Q	RNB	+	-	+
MMRF_2745	13	73337692	0,0923077	0,094	MV	M	c.2024C>T	A675V	RNB	+	+	-
MMRF_2754	13	73336064	0,26087	0,326	MV	M	c.2339G>A	R780K	RNB	-	-	+
	13	73346338	0,182796	0,071	MV	M	c.1462G>A	D488N	RNB			
MMRF_2761	13	73337650	1	0,882	MV	M	c.2066G>A	R689Q	RNB	+	-	+
MMRF_2762	13	73355907	0	0,105	MV	M	c.64G>A	Q22K	PIN	+	-	-
MMRF_2792	13	73346338	nd	0,367	MV	M	c.1462G>A	D488N	RNB	-	nd	nd
MMRF_2796	13	73335945	nd	0,152	MV	M	c.2350G>A	D784N	RNB	-	nd	nd
MMRF_2808	13	73346337	0,27957	0,279	MV	M	c.1463A>C	D488A	RNB	-	-	+
MMRF_2817	13	73346337	0,123457	0,081	MV	M	c.1463A>G	D488G	RNB	nd	+	-
MMRF_2819	13	73346364	nd	0,429	MV	M	c.1436A>G	D479G	RNB	-	nd	nd
MMRF_2826	13	73346364	0,492147	0,445	MV	M	c.1436A>G	D479G	RNB	-	-	+

° MV=missense_variant; SDV_IV= splice_donor_variant&intron_variant; SAV_IV=splice_acceptor_variant&intron_variant; SL=start_lost; MV_SRV=missense_variant&splice_region_variant; # M=moderate; H=high.

Supplementary Table 4. Fisher's exact test measuring the correlation between the occurrence of *DIS3* mutation and main IgH translocations (trx), copy number alterations (CNAs) and non-synonymous somatic mutations in recurrently mutated genes in CoMMpass MM cases. del(13q) refers to 13q14, 13q34 cytobands or *RB1* locus; 1q gain to 1q21 cytoband; del(1p) to 1p22 or *CDKN2C* locus; del(17p) to 17p13 or *TP53* locus; HD to hyperdiploid condition. The total number of MM samples analyzed for each kind of data is reported. Each set of p-value was adjusted by Benjamini-Hochberg method. Significant adjusted p-values (<0.05) were in bold.

IgH trx (724 MM)		<i>DIS3</i> WT N (%)	<i>DIS3</i> mts N (%)	P-value	adj. P-value
t(4;14)	neg	568 (87.8%)	56 (72.7%)	0,0008	0,0035
	pos	79 (12.2%)	21 (27.3%)		
MAF.trx	neg	609 (94.1%)	64 (83.1%)	0,0014	0,0035
	pos	38 (5.9%)	13 (16.9%)		
t(11;14)	neg	528 (81.6%)	56 (72.7%)	0,0677	0,1128
	pos	119 (18.4%)	21 (27.3%)		
t(6;14)	neg	637 (98.5%)	76 (98.7%)	1,0000	1,0000
	pos	10 (1.5%)	1 (1.3%)		
MYC.trx	neg	618 (95.5%)	73 (94.8%)	0,7709	0,9636
	pos	29 (4.5%)	4 (5.2%)		
CNA (847 MM)		<i>DIS3</i> WT N (%)	<i>DIS3</i> mts N (%)	P-value	adj. P-value
del(13q)/RB1_20%	neg	381 (50.1%)	24 (27.9%)	0,0001	0,0003
	pos	380 (49.9%)	62 (72.1%)		
1q21 gain_20%	neg	503 (66.1%)	41 (47.7%)	0,0012	0,0020
	pos	258 (33.9%)	45 (52.3%)		
del(1p)/CDKN2C_20%	neg	532 (69.9%)	71 (82.6%)	0,0164	0,0205
	pos	229 (30.1%)	15 (17.4%)		
del(17p)/TP53_20%	neg	677 (89.0%)	82 (95.3%)	0,0903	0,0903
	pos	84 (11.0%)	4 (4.7%)		
HD	neg	303 (39.8%)	59 (68.6%)	0,0001	0,0003
	pos	458 (60.2%)	27 (31.4%)		
Nonsyn. Somatic Mutation (930 MM)		<i>DIS3</i> WT N (%)	<i>DIS3</i> mts N (%)	P-value	adj. P-value
N-RAS	WT	651 (77.9%)	79 (84.0%)	0,1868	0,8406
	mut	185 (22.1%)	15 (16.0%)		
H-RAS	WT	836 (100%)	94 (100%)	1,0000	1,0000
	mut	0 (0%)	0 (0%)		
K-RAS	WT	625 (74.8%)	66 (70.2%)	0,3833	0,8624
	mut	211 (25.2%)	28 (29.8%)		
BRAF	WT	782 (93.5%)	75 (79.8%)	0,0014	0,0126
	mut	54 (6.5%)	19 (20.2%)		
TP53	WT	798 (95.5%)	91 (96.8%)	0,7905	1,0000
	mut	38 (4.5%)	3 (3.2%)		
FAM46C	WT	756 (90.4%)	85 (90.4%)	1,0000	1,0000
	mut	80 (9.6%)	9 (9.6%)		
TRAF3	WT	771 (92.2%)	88 (93.6%)	0,8373	1,0000
	mut	65 (7.8%)	6 (6.4%)		

Supplementary Table 5. Fisher's exact test measuring the correlation of DIS3 mutation as single alteration compared to DIS3mt/del(13) bi-allelic lesions, with main IgH translocations (trx), copy number alterations (CNAs) and non-synonymous somatic mutations in recurrently mutated genes in CoMMpass MM cases. del(13q) refers to 13q14, 13q34 cytobands or *RB1* locus; 1q gain to 1q21 cytoband; del(1p) to 1p22 or *CDKN2C* locus; del(17p) to 17p13 or *TP53* locus; HD to hyperdiploid condition. The total number of MM samples analyzed for each kind of data is reported. Each set of p-value was adjusted with BH correction method. Significant adjusted p-values (<0.05) were in bold.

IgH trx (651MM)	monoallelic lesion <i>DIS3</i> mt N (%)	bi-allelic lesion <i>DIS3</i> mt + del(13q) N (%)	P-value	adj. P-value
t(4;14)				
neg	17 (100%)	33 (63.5%)	0,0034	0,0170
pos	0 (0%)	19 (36.5%)		
MAF.trx				
neg	17 (100%)	43 (82.7%)	0,0998	0,1663
pos	0 (0%)	9 (17.3%)		
t(11;14)				
neg	9 (52.9%)	40 (76.9%)	0,0715	0,1663
pos	8 (47.1%)	12 (23.1%)		
t(6;14)				
neg	17 (100%)	51 (98.1%)	1,0000	1,0000
pos	0 (0%)	1 (1.9%)		
MYC.trx				
neg	16 (94.1%)	49 (94.2%)	1,0000	1,0000
pos	1 (5.9%)	3 (5.8%)		
CNA_Non syn. Somatic mut (847 MM)	monoallelic lesion <i>DIS3</i> mut N (%)	biallelic lesion <i>DIS3</i> mut + del(13q) N (%)	P-value	adj. P-value
1q gain				
neg	17 (70.8%)	24 (38.7%)	0,0089	0,1068
pos	7 (29.2%)	38 (61.3%)		
del(1p)/CDKN2C				
neg	21 (87.5%)	50 (80.6%)	0,5423	0,9297
pos	3 (12.5%)	12 (19.4%)		
del(17p)/TP53				
neg	23 (95.8%)	59 (95.2%)	1,0000	1,0000
pos	1 (4.2%)	3 (4.8%)		
HD				
neg	13 (54.2%)	46 (74.2%)	0,1186	0,3900
pos	11 (45.8%)	16 (25.8%)		
N-RAS				
WT	19 (79.2%)	53 (85.5%)	0,5216	0,9297
mut	5 (20.8%)	9 (14.1%)		
K-RAS				
WT	15 (62.5%)	49 (79.0%)	0,1672	0,4013
mut	9 (37.5%)	13 (21.0%)		
BRAF				
WT	21 (87.5%)	53 (85.5%)	1,0000	1,0000
mut	3 (12.5%)	9 (14.1%)		
TP53				
WT	23 (95.8%)	60 (96.8%)	1,0000	1,0000
mut	1 (4.2%)	2 (3.2%)		
FAM46C				
WT	19 (79.2%)	59 (95.2%)	0,0355	0,2130
mut	5 (20.8%)	3 (4.8%)		
TRAF3				
WT	21 (87.5%)	60 (96.8%)	0,1300	0,3900
mut	3 (12.5%)	2 (3.2%)		

Supplementary Table 6. List of 6564 differentially expressed transcripts in 56 DIS3 mutated compared to 582 DIS3 wild-type MM cases, by limma analysis at FDR<10%. Statistical parameters and Biomart Ensembl annotations are reported. Transcripts are ordered according to B-statistics value. Overlapping 1542 differentially expressed transcripts in DIS3 mutated compared to DIS3 wild-type MM cases carrying t(4;14) and 1q gain/amp or in HD subgroups are signed red-bold.

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000251497	PITPNM2-AS1	lncRNA	1,80	3,48	0,51	24,58	1,94E-94	5,51E-90	204,078
ENSG00000249483	AC026726.1	lncRNA	1,67	3,19	0,49	23,22	5,30E-87	7,51E-83	187,149
ENSG00000260589	STAM-AS1	lncRNA	1,25	2,38	0,37	22,83	7,21E-85	6,81E-81	182,290
ENSG00000272663	AC093635.1	lncRNA	2,03	4,09	1,00	21,08	2,71E-75	1,92E-71	160,478
ENSG00000261242	AL136038.5	lncRNA	1,03	2,04	0,28	20,19	1,73E-70	9,81E-67	149,532
ENSG00000261186	LINC01238	lncRNA	2,06	4,16	1,30	19,80	2,07E-68	9,77E-65	144,798
ENSG00000273139	AC007663.3	lncRNA	1,52	2,86	0,76	19,26	1,47E-65	5,94E-62	138,301
ENSG00000271991	AC013400.1	lncRNA	1,15	2,23	0,44	19,25	1,79E-65	6,34E-62	138,105
ENSG00000236206	AL356441.1	lncRNA	1,46	2,76	0,54	19,15	6,03E-65	1,90E-61	136,902
ENSG00000269961	AC010359.2	lncRNA	1,63	3,10	1,03	18,25	3,21E-60	8,26E-57	126,134
ENSG00000203804	ADAMTSL4-AS1	lncRNA	2,33	5,01	2,00	18,03	4,62E-59	1,09E-55	123,494
ENSG00000214273	AGGF1P1	PP	1,49	2,82	0,65	17,94	1,26E-58	2,74E-55	122,503
ENSG00000272735	AC007881.3	lncRNA	1,55	2,94	0,95	17,81	5,95E-58	1,20E-54	120,965
ENSG00000271427	AL358072.1	lncRNA	1,78	3,43	1,29	17,66	3,94E-57	7,45E-54	119,093
ENSG00000268471	MIR4453HG	lncRNA	1,88	3,68	3,02	17,55	1,42E-56	2,52E-53	117,822
ENSG00000272892	AL133551.1	lncRNA	0,83	1,78	0,69	17,42	6,21E-56	1,04E-52	116,364
ENSG00000260236	AC099778.1	lncRNA	1,32	2,49	1,32	17,40	8,62E-56	1,36E-52	116,039
ENSG00000234676	IFT74-AS1	lncRNA	1,68	3,21	1,07	17,27	3,71E-55	5,53E-52	114,595
ENSG00000233435	AGGF1P2	PP	1,66	3,15	0,78	17,27	4,04E-55	5,73E-52	114,510
ENSG00000273064	AC017083.1	lncRNA	0,98	1,97	0,61	17,22	7,14E-55	9,19E-52	113,948
ENSG00000232519	AL353807.2	lncRNA	2,16	4,47	2,05	17,11	2,39E-54	2,94E-51	112,752
ENSG00000255647	AC093510.1	lncRNA	1,10	2,15	0,71	17,02	7,11E-54	8,39E-51	111,673
ENSG00000268403	AC132192.2	lncRNA	2,15	4,44	3,96	17,01	8,42E-54	9,54E-51	111,505
ENSG00000273210	AP001437.1	lncRNA	1,67	3,18	1,66	16,99	1,02E-53	1,11E-50	111,320
ENSG00000226471	Z93930.2	lncRNA	1,87	3,67	4,21	16,93	2,10E-53	2,20E-50	110,602
ENSG00000272662	AC073352.1	lncRNA	1,02	2,03	0,74	16,92	2,29E-53	2,31E-50	110,517
ENSG00000229980	TOB1-AS1	lncRNA	1,45	2,73	1,87	16,85	5,10E-53	4,99E-50	109,722
ENSG00000234230	ZFX-AS1	lncRNA	1,19	2,27	0,74	16,79	1,13E-52	1,07E-49	108,937
ENSG00000267783	AC022098.3	lncRNA	1,68	3,20	1,35	16,78	1,25E-52	1,15E-49	108,833
ENSG00000260475	AL353719.1	lncRNA	1,14	2,21	1,02	16,69	3,28E-52	2,91E-49	107,880
ENSG00000213543	RARRES2P2	PP	1,59	3,02	0,80	16,67	4,40E-52	3,78E-49	107,589
ENSG00000231704	AC004895.1	lncRNA	1,25	2,38	0,93	16,48	4,21E-51	3,51E-48	105,356
ENSG00000273363	AL353801.3	lncRNA	1,01	2,01	0,49	16,41	9,54E-51	7,73E-48	104,545
ENSG00000265100	AC005332.1	lncRNA	1,24	2,37	1,58	16,37	1,46E-50	1,15E-47	104,125
ENSG00000272853	AC069544.1	lncRNA	1,25	2,38	1,19	16,31	2,83E-50	2,17E-47	103,470
ENSG00000205791	LOH12CR2	lncRNA	0,79	1,73	0,94	16,25	5,88E-50	4,39E-47	102,746
ENSG00000254678	AP005018.1	PP	1,03	2,05	0,27	16,17	1,47E-49	1,07E-46	101,836
ENSG00000188032	C19orf67	P coding	1,20	2,30	0,86	16,02	7,94E-49	5,62E-46	100,171
ENSG00000174721	FGFBP3	P coding	1,01	2,02	1,21	15,88	3,92E-48	2,71E-45	98,591
ENSG00000158887	MPZ	P coding	1,43	2,69	1,30	15,83	7,04E-48	4,75E-45	98,010
ENSG00000199036	MIR219A1	miRNA	3,04	8,22	4,17	15,83	7,37E-48	4,86E-45	97,965

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000226609	AL390067.1	lncRNA	1,11	2,16	0,75	15,72	2,63E-47	1,69E-44	96,706
ENSG00000239705	AL354710.2	lncRNA	0,96	1,95	0,44	15,70	3,16E-47	1,99E-44	96,526
ENSG00000197182	MIRLET7BHG	lncRNA	1,13	2,19	1,10	15,59	1,16E-46	7,15E-44	95,238
ENSG00000257809	AC034102.5	lncRNA	0,96	1,95	0,50	15,51	2,59E-46	1,56E-43	94,442
ENSG00000272716	AL121658.1	lncRNA	1,10	2,15	1,24	15,47	4,06E-46	2,40E-43	93,998
ENSG00000265683	SYPL1P2	PP	1,46	2,74	1,30	15,35	1,62E-45	9,35E-43	92,631
ENSG00000272906	AL353708.3	lncRNA	1,59	3,00	2,16	15,33	2,19E-45	1,24E-42	92,332
ENSG00000215347	SLC25A5P1	TPP	0,94	1,91	0,68	15,19	1,02E-44	5,59E-42	90,804
ENSG00000235919	ASH1L-AS1	lncRNA	1,48	2,79	2,58	15,14	1,74E-44	9,31E-42	90,281
ENSG00000244436	AC023050.1	PP	1,37	2,59	0,46	15,13	2,06E-44	1,08E-41	90,113
ENSG00000270638	AL023806.1	lncRNA	0,65	1,57	0,42	15,10	2,74E-44	1,41E-41	89,833
ENSG00000260625	AC026471.2	lncRNA	1,37	2,58	1,68	15,08	3,43E-44	1,74E-41	89,609
ENSG00000272426	BX284668.6	lncRNA	1,68	3,20	1,23	14,99	9,59E-44	4,77E-41	88,592
ENSG00000270332	SMC2-AS1	lncRNA	0,95	1,93	0,98	14,94	1,61E-43	7,87E-41	88,079
ENSG00000235319	AC012360.1	lncRNA	0,73	1,66	0,53	14,92	2,05E-43	9,87E-41	87,839
ENSG00000233122	CTAGE7P	PP	0,76	1,69	0,50	14,87	3,43E-43	1,62E-40	87,331
ENSG00000271387	AL445228.2	lncRNA	1,43	2,70	0,65	14,86	4,06E-43	1,89E-40	87,164
ENSG00000273289	AL121672.3	lncRNA	1,22	2,33	0,69	14,77	1,13E-42	5,15E-40	86,156
ENSG00000239468	RN75L569P	misc_RNA	0,78	1,72	0,23	14,74	1,44E-42	6,47E-40	85,913
ENSG00000260942	CAPN10-DT	lncRNA	1,13	2,20	1,27	14,73	1,76E-42	7,79E-40	85,715
ENSG00000272606	AC015982.2	lncRNA	1,33	2,52	2,96	14,64	4,54E-42	1,98E-39	84,777
ENSG00000269514	AC024257.3	lncRNA	0,61	1,53	0,60	14,61	6,50E-42	2,79E-39	84,422
ENSG00000272933	AL391121.1	lncRNA	1,34	2,52	1,68	14,50	2,11E-41	8,92E-39	83,258
ENSG00000270419	CAHM	lncRNA	1,35	2,55	1,99	14,48	2,50E-41	1,04E-38	83,090
ENSG00000273355	AP000894.4	lncRNA	1,41	2,65	1,22	14,42	5,06E-41	2,08E-38	82,392
ENSG00000273473	BX649601.1	lncRNA	0,87	1,82	0,49	14,35	1,04E-40	4,21E-38	81,678
ENSG00000235159	AL121672.2	lncRNA	0,71	1,63	0,40	14,35	1,11E-40	4,43E-38	81,616
ENSG00000227896	AL731569.1	lncRNA	0,65	1,57	0,58	14,25	3,09E-40	1,22E-37	80,602
ENSG00000267898	AC026803.2	lncRNA	1,08	2,11	1,50	14,16	8,74E-40	3,35E-37	79,574
ENSG00000272288	AL451165.2	lncRNA	1,45	2,74	3,95	14,13	1,21E-39	4,59E-37	79,249
ENSG00000273391	AC083880.1	lncRNA	1,17	2,25	1,39	14,08	1,99E-39	7,42E-37	78,760
ENSG00000259891	AC107375.1	lncRNA	0,89	1,86	1,20	14,04	3,08E-39	1,13E-36	78,329
ENSG00000259775	AL138976.2	lncRNA	1,12	2,17	0,74	13,99	5,17E-39	1,88E-36	77,815
ENSG00000248489	LINC02062	lncRNA	1,15	2,23	1,92	13,95	8,18E-39	2,93E-36	77,362
ENSG00000227527	AC096540.1	lncRNA	0,70	1,62	0,50	13,94	9,19E-39	3,26E-36	77,247
ENSG00000091844	RGS17	P coding	0,58	1,49	0,68	13,90	1,35E-38	4,72E-36	76,868
ENSG00000237436	CAMTA1-DT	lncRNA	1,34	2,53	1,43	13,89	1,58E-38	5,46E-36	76,712
ENSG00000257543	AC063948.1	lncRNA	1,36	2,56	1,53	13,86	2,25E-38	7,70E-36	76,360
ENSG00000260851	AC010542.3	P coding	1,14	2,20	0,78	13,82	3,31E-38	1,12E-35	75,979
ENSG00000231327	LINC01816	lncRNA	1,30	2,45	1,35	13,81	3,68E-38	1,23E-35	75,874
ENSG00000268584	AC073389.1	lncRNA	1,09	2,13	1,29	13,80	4,21E-38	1,39E-35	75,743
ENSG00000270673	YTHDF3-AS1	lncRNA	1,18	2,26	2,27	13,72	9,92E-38	3,23E-35	74,894
ENSG00000261071	AL441883.1	lncRNA	0,98	1,97	1,97	13,71	1,04E-37	3,36E-35	74,845
ENSG00000272145	NFYC-AS1	lncRNA	1,05	2,06	1,61	13,70	1,26E-37	4,00E-35	74,662
ENSG00000272449	AL139246.5	lncRNA	1,87	3,67	3,24	13,66	1,74E-37	5,49E-35	74,337
ENSG00000270964	AC016355.1	lncRNA	1,07	2,10	1,27	13,66	1,85E-37	5,75E-35	74,281
ENSG00000271551	AL355297.3	lncRNA	0,96	1,95	0,72	13,64	2,17E-37	6,70E-35	74,119
ENSG00000258940	AL132639.2	lncRNA	1,19	2,29	1,96	13,62	2,78E-37	8,46E-35	73,877

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000272764	AL596094.1	lncRNA	1,45	2,73	3,17	13,61	3,20E-37	9,66E-35	73,735
ENSG00000273329	AC078846.1	lncRNA	0,77	1,71	1,07	13,60	3,62E-37	1,08E-34	73,614
ENSG00000259826	AC072061.1	lncRNA	0,79	1,72	1,10	13,57	4,92E-37	1,45E-34	73,311
ENSG00000188002	AC026412.1	TUP	1,50	2,84	3,89	13,51	9,40E-37	2,72E-34	72,671
ENSG00000226853	AC010894.2	lncRNA	1,14	2,20	1,79	13,50	9,57E-37	2,74E-34	72,654
ENSG00000257496	AC025031.1	lncRNA	1,17	2,25	1,21	13,48	1,22E-36	3,46E-34	72,413
ENSG00000231050	AL109917.1	lncRNA	0,97	1,95	0,99	13,46	1,55E-36	4,34E-34	72,178
ENSG00000184786	TCTE3	P coding	0,80	1,74	0,93	13,43	2,13E-36	5,93E-34	71,861
ENSG00000272023	AC010240.4	lncRNA	0,79	1,73	0,55	13,36	4,45E-36	1,22E-33	71,135
ENSG00000208037	MIR320A	miRNA	2,52	5,73	1,71	13,32	6,66E-36	1,80E-33	70,736
ENSG00000270361	AL451085.2	lncRNA	0,97	1,96	0,86	13,32	6,78E-36	1,81E-33	70,717
ENSG00000187556	NANOS3	P coding	1,35	2,56	1,00	13,28	1,03E-35	2,74E-33	70,300
ENSG00000271855	AC073195.2	lncRNA	1,03	2,04	1,18	13,24	1,59E-35	4,18E-33	69,874
ENSG00000237605	DYRK3-AS1	lncRNA	1,36	2,56	1,46	13,19	2,56E-35	6,66E-33	69,404
ENSG00000272948	AP001412.1	lncRNA	0,93	1,90	0,94	13,16	3,53E-35	9,11E-33	69,086
ENSG00000196950	SLC39A10	P coding	1,42	2,68	3,65	13,15	3,81E-35	9,72E-33	69,012
ENSG00000249592	AC139887.2	lncRNA	1,46	2,75	4,00	13,07	8,94E-35	2,26E-32	68,168
ENSG00000255559	ZNF252P-AS1	lncRNA	0,45	1,37	0,64	13,05	1,09E-34	2,74E-32	67,970
ENSG00000257384	AC009779.1	PP	0,74	1,67	0,33	13,04	1,23E-34	3,06E-32	67,853
ENSG00000269038	AP001462.1	lncRNA	0,99	1,99	1,66	13,02	1,52E-34	3,76E-32	67,641
ENSG00000272195	AL356512.1	lncRNA	1,37	2,59	2,50	12,94	3,35E-34	8,18E-32	66,864
ENSG00000228015	AC074338.1	PP	0,69	1,61	0,12	12,93	3,71E-34	8,98E-32	66,763
ENSG00000239569	KMT2E-AS1	lncRNA	1,29	2,45	5,12	12,91	4,70E-34	1,13E-31	66,529
ENSG00000268129	AC026304.1	lncRNA	1,26	2,39	2,59	12,86	7,59E-34	1,81E-31	66,054
ENSG00000196741	LINC01560	lncRNA	0,98	1,97	1,03	12,84	9,77E-34	2,31E-31	65,805
ENSG00000265291	MIR4710	miRNA	1,63	3,10	0,53	12,83	1,13E-33	2,64E-31	65,661
ENSG00000273209	AC069148.1	lncRNA	1,20	2,30	0,64	12,82	1,19E-33	2,74E-31	65,612
ENSG00000262333	HNRNPA1P16	PP	1,08	2,12	1,55	12,74	2,59E-33	5,93E-31	64,841
ENSG00000260285	AL133367.1	lncRNA	0,91	1,88	1,28	12,73	2,91E-33	6,61E-31	64,725
ENSG00000272525	AC099522.2	lncRNA	1,03	2,04	1,18	12,71	3,54E-33	7,96E-31	64,533
ENSG00000263412	AC004477.1	lncRNA	1,06	2,09	1,07	12,67	5,57E-33	1,24E-30	64,084
ENSG00000259793	AC013726.2	lncRNA	0,58	1,49	0,62	12,66	6,40E-33	1,42E-30	63,947
ENSG00000271327	AC010201.2	lncRNA	0,72	1,65	0,41	12,65	6,80E-33	1,49E-30	63,887
ENSG00000272791	AC073389.3	lncRNA	0,95	1,94	1,05	12,63	8,11E-33	1,77E-30	63,713
ENSG00000273342	AP000553.3	lncRNA	0,69	1,62	0,50	12,62	8,80E-33	1,90E-30	63,633
ENSG00000273258	AC016737.2	lncRNA	0,80	1,74	0,42	12,51	2,77E-32	5,91E-30	62,500
ENSG00000271780	AL118558.3	lncRNA	1,19	2,28	1,36	12,51	2,93E-32	6,19E-30	62,446
ENSG00000261251	Z97055.2	lncRNA	0,58	1,50	0,37	12,50	3,11E-32	6,53E-30	62,385
ENSG00000247373	TMED2-DT	lncRNA	0,90	1,86	1,86	12,49	3,60E-32	7,45E-30	62,241
ENSG00000260805	AC092803.1	lncRNA	1,20	2,30	0,92	12,49	3,60E-32	7,45E-30	62,241
ENSG00000267275	AC020911.2	lncRNA	1,20	2,30	1,34	12,48	3,95E-32	8,09E-30	62,149
ENSG00000260572	AC069224.2	lncRNA	1,12	2,18	1,16	12,48	3,97E-32	8,09E-30	62,145
ENSG00000182676	PPP1R27	P coding	0,59	1,51	0,42	12,46	4,86E-32	9,84E-30	61,944
ENSG00000224358	TMCO1-AS1	lncRNA	0,81	1,75	1,06	12,40	8,90E-32	1,79E-29	61,346
ENSG00000243819	RN7SL832P	lncRNA	0,75	1,68	0,94	12,38	1,02E-31	2,03E-29	61,214
ENSG00000272768	AC004854.2	lncRNA	0,87	1,83	0,83	12,38	1,03E-31	2,05E-29	61,199
ENSG00000273008	AC010864.1	lncRNA	0,87	1,82	1,29	12,37	1,11E-31	2,19E-29	61,126
ENSG00000271185	AC007029.2	lncRNA	1,05	2,07	0,81	12,37	1,14E-31	2,23E-29	61,103

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000266852	MIR4482	miRNA	2,11	4,32	3,45	12,35	1,37E-31	2,66E-29	60,919
ENSG00000224934	AL391684.1	lncRNA	0,87	1,83	0,95	12,33	1,74E-31	3,36E-29	60,684
ENSG00000255568	BRWD1-AS2	lncRNA	0,66	1,58	0,58	12,32	1,95E-31	3,73E-29	60,572
ENSG00000261079	AC009053.3	lncRNA	0,67	1,59	0,72	12,31	2,11E-31	4,02E-29	60,492
ENSG00000207647	MIR153-1	miRNA	1,40	2,63	0,43	12,28	2,71E-31	5,11E-29	60,248
ENSG00000255867	DENND5B-AS1	lncRNA	1,13	2,19	2,20	12,24	4,10E-31	7,70E-29	59,838
ENSG00000231663	COA6-AS1	lncRNA	1,26	2,40	3,62	12,24	4,35E-31	8,11E-29	59,779
ENSG00000260233	ZNRD2-AS1	lncRNA	0,95	1,93	2,59	12,23	4,86E-31	9,00E-29	59,670
ENSG00000224418	STK24-AS1	lncRNA	0,55	1,46	0,40	12,21	5,65E-31	1,04E-28	59,521
ENSG00000273063	AC007250.1	lncRNA	0,67	1,59	0,39	12,20	6,46E-31	1,18E-28	59,389
ENSG00000236617	AC127070.1	lncRNA	1,43	2,70	1,54	12,20	6,53E-31	1,19E-28	59,378
ENSG00000260806	AL163051.1	lncRNA	0,79	1,73	1,00	12,14	1,10E-30	1,99E-28	58,862
ENSG00000231982	AC112907.2	unPP	1,70	3,25	1,53	12,09	1,93E-30	3,43E-28	58,305
ENSG00000272247	AC080013.5	lncRNA	0,57	1,49	0,45	12,09	1,97E-30	3,47E-28	58,287
ENSG00000204659	CBY3	P coding	0,95	1,93	0,94	12,07	2,28E-30	3,99E-28	58,143
ENSG00000272795	AC126283.1	lncRNA	0,81	1,75	0,54	12,04	3,02E-30	5,26E-28	57,864
ENSG00000241666	AL031733.2	lncRNA	0,98	1,98	0,67	12,04	3,23E-30	5,58E-28	57,799
ENSG00000258435	AC048337.1	lncRNA	0,65	1,57	0,43	12,03	3,28E-30	5,64E-28	57,783
ENSG00000265692	LINC01970	lncRNA	0,58	1,49	0,85	12,03	3,46E-30	5,90E-28	57,732
ENSG00000261360	AC010491.1	lncRNA	0,78	1,72	0,86	11,98	5,49E-30	9,32E-28	57,275
ENSG00000225945	AL121574.1	lncRNA	0,93	1,90	1,02	11,96	6,92E-30	1,17E-27	57,047
ENSG00000261431	AL023803.1	lncRNA	1,71	3,28	1,40	11,96	7,11E-30	1,19E-27	57,019
ENSG00000259172	AC023024.1	lncRNA	0,59	1,50	0,66	11,95	7,22E-30	1,20E-27	57,005
ENSG00000260260	SNHG19	lncRNA	1,63	3,10	5,37	11,95	7,30E-30	1,21E-27	56,994
ENSG00000270021	AC026691.1	lncRNA	0,66	1,58	0,69	11,93	8,76E-30	1,44E-27	56,814
ENSG00000272843	AC211476.4	lncRNA	0,84	1,79	1,08	11,93	9,50E-30	1,56E-27	56,733
ENSG00000269176	AP001160.3	lncRNA	0,95	1,93	2,27	11,92	1,02E-29	1,67E-27	56,659
ENSG00000272277	AL031963.3	lncRNA	1,09	2,13	2,34	11,91	1,13E-29	1,83E-27	56,563
ENSG00000273002	AL355388.1	lncRNA	0,95	1,93	0,97	11,90	1,25E-29	2,02E-27	56,459
ENSG00000238260	AL513320.1	lncRNA	1,07	2,10	0,89	11,82	2,80E-29	4,49E-27	55,666
ENSG00000255966	AC006064.3	lncRNA	0,59	1,50	0,35	11,78	3,81E-29	6,07E-27	55,362
ENSG00000272844	AC074044.1	lncRNA	0,78	1,72	0,88	11,78	3,86E-29	6,11E-27	55,349
ENSG00000212694	LINC01089	lncRNA	1,33	2,51	4,58	11,76	4,91E-29	7,73E-27	55,112
ENSG00000222020	HDAC4-AS1	lncRNA	1,35	2,55	3,15	11,76	5,05E-29	7,91E-27	55,084
ENSG00000179743	AL450998.2	lncRNA	0,97	1,96	2,32	11,74	5,80E-29	9,04E-27	54,947
ENSG00000235189	AL034405.1	lncRNA	0,54	1,46	0,40	11,69	9,58E-29	1,48E-26	54,452
ENSG00000250326	AC104596.1	lncRNA	0,95	1,93	1,73	11,68	1,07E-28	1,64E-26	54,346
ENSG00000224165	DNAJC27-AS1	lncRNA	1,31	2,47	2,70	11,67	1,13E-28	1,74E-26	54,286
ENSG00000252659	RNU6-1088P	snRNA	1,58	2,98	0,59	11,64	1,52E-28	2,31E-26	53,998
ENSG00000260924	LINC01311	lncRNA	0,84	1,79	1,02	11,64	1,57E-28	2,38E-26	53,966
ENSG00000271788	AC008875.1	lncRNA	0,57	1,48	0,62	11,63	1,71E-28	2,58E-26	53,880
ENSG00000273350	AC004832.5	lncRNA	0,67	1,59	0,44	11,60	2,21E-28	3,32E-26	53,625
ENSG00000267064	UXT-AS1	lncRNA	0,73	1,66	0,96	11,57	3,15E-28	4,67E-26	53,277
ENSG00000255200	PGAM1P8	TPP	0,58	1,49	0,83	11,54	3,91E-28	5,77E-26	53,063
ENSG00000273026	AL358472.3	lncRNA	0,99	1,98	1,49	11,52	5,02E-28	7,37E-26	52,817
ENSG00000226849	AL109811.1	lncRNA	0,74	1,67	1,03	11,50	6,13E-28	8,92E-26	52,618
ENSG00000219435	CATSPERZ	P coding	0,78	1,72	0,69	11,50	6,14E-28	8,92E-26	52,618
ENSG00000260278	AC098818.2	lncRNA	0,52	1,43	0,41	11,49	6,28E-28	9,08E-26	52,595

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000273015	AC008124.1	lncRNA	0,91	1,87	4,46	11,44	1,01E-27	1,45E-25	52,129
ENSG00000221639	AC053527.1	snoRNA	1,87	3,66	1,17	11,44	1,01E-27	1,45E-25	52,126
ENSG00000223305	RN7SKP30	misc_RNA	0,81	1,75	0,77	11,44	1,06E-27	1,50E-25	52,083
ENSG00000234134	AL158835.2	lncRNA	1,28	2,43	2,04	11,42	1,22E-27	1,73E-25	51,936
ENSG00000236153	AC104076.1	lncRNA	0,80	1,74	0,39	11,42	1,23E-27	1,74E-25	51,928
ENSG00000173567	ADGRF3	P coding	0,85	1,80	1,28	11,41	1,40E-27	1,97E-25	51,803
ENSG00000267100	ILF3-DT	lncRNA	1,18	2,27	4,67	11,39	1,72E-27	2,41E-25	51,598
ENSG00000273254	AF129075.3	lncRNA	0,71	1,63	1,02	11,39	1,77E-27	2,46E-25	51,574
ENSG00000269399	AC008764.6	lncRNA	0,63	1,54	1,06	11,38	1,87E-27	2,59E-25	51,517
ENSG00000236457	AC090617.1	lncRNA	0,78	1,72	0,40	11,38	1,88E-27	2,59E-25	51,511
ENSG00000240790	AC073934.1	lncRNA	0,85	1,81	0,90	11,37	2,04E-27	2,80E-25	51,431
ENSG00000261716	H2BC20P	TUP	1,32	2,49	2,88	11,35	2,47E-27	3,37E-25	51,242
ENSG00000162997	PRORSD1P	TUnP	0,88	1,84	2,05	11,32	3,17E-27	4,28E-25	50,998
ENSG00000258458	AL160314.2	lncRNA	1,18	2,27	2,19	11,32	3,32E-27	4,46E-25	50,951
ENSG00000269921	AC068620.1	lncRNA	0,90	1,87	1,81	11,32	3,46E-27	4,62E-25	50,912
ENSG00000235488	JARID2-AS1	lncRNA	1,07	2,11	1,92	11,30	3,90E-27	5,19E-25	50,792
ENSG00000273004	AL078644.2	lncRNA	0,56	1,48	0,58	11,30	3,95E-27	5,23E-25	50,780
ENSG00000272812	AC004908.2	lncRNA	1,10	2,14	1,99	11,28	5,06E-27	6,67E-25	50,536
ENSG00000248719	AC021127.1	lncRNA	0,87	1,83	0,45	11,27	5,20E-27	6,83E-25	50,509
ENSG00000220323	H2BC19P	TUP	1,51	2,85	2,72	11,24	7,20E-27	9,37E-25	50,187
ENSG00000220305	HNRNPH1P1	PP	0,49	1,40	0,43	11,24	7,28E-27	9,42E-25	50,177
ENSG00000259488	AC023355.2	lncRNA	0,90	1,87	1,70	11,17	1,36E-26	1,75E-24	49,560
ENSG00000261404	AC138627.1	lncRNA	0,63	1,55	0,58	11,15	1,67E-26	2,14E-24	49,358
ENSG00000258099	ATXN2-AS	lncRNA	0,58	1,50	0,60	11,14	1,77E-26	2,25E-24	49,302
ENSG00000231119	AL031666.1	lncRNA	0,72	1,65	0,73	11,13	1,98E-26	2,52E-24	49,189
ENSG00000229388	LINC01715	lncRNA	0,81	1,76	1,17	11,13	2,07E-26	2,62E-24	49,145
ENSG00000260879	AL359258.2	lncRNA	0,85	1,80	1,39	11,05	4,19E-26	5,28E-24	48,449
ENSG00000237766	GGTA2P	PP	0,46	1,38	0,42	11,04	4,69E-26	5,88E-24	48,340
ENSG00000271937	AC104187.1	lncRNA	0,59	1,51	0,58	11,03	5,12E-26	6,40E-24	48,251
ENSG00000263884	AP000845.1	lncRNA	0,45	1,37	0,78	11,01	6,13E-26	7,62E-24	48,074
ENSG00000232028	AC007391.1	lncRNA	0,65	1,57	0,43	11,00	7,00E-26	8,67E-24	47,943
ENSG00000224616	RTCA-AS1	lncRNA	1,06	2,08	1,62	10,99	7,18E-26	8,84E-24	47,919
ENSG00000261094	AC007066.2	lncRNA	0,86	1,81	2,32	10,99	7,40E-26	9,07E-24	47,889
ENSG00000270012	AC232271.1	lncRNA	0,98	1,98	1,32	10,98	8,29E-26	1,01E-23	47,777
ENSG00000271918	AC034236.2	lncRNA	0,85	1,81	1,47	10,96	9,39E-26	1,14E-23	47,654
ENSG00000225880	LINC00115	lncRNA	0,84	1,79	1,72	10,96	1,02E-25	1,23E-23	47,576
ENSG00000272686	AC006333.1	lncRNA	0,73	1,66	2,59	10,95	1,05E-25	1,27E-23	47,544
ENSG00000228417	AL360182.2	lncRNA	0,80	1,74	0,50	10,92	1,46E-25	1,75E-23	47,219
ENSG00000236519	LINC01424	lncRNA	0,69	1,61	1,11	10,90	1,72E-25	2,06E-23	47,054
ENSG00000228393	LINC01004	lncRNA	1,02	2,03	3,79	10,85	2,73E-25	3,25E-23	46,601
ENSG00000273181	AC131235.4	lncRNA	0,52	1,43	0,45	10,81	3,95E-25	4,68E-23	46,237
ENSG00000272444	AL118558.4	lncRNA	0,69	1,61	0,92	10,78	5,33E-25	6,27E-23	45,941
ENSG00000271888	AL136162.1	lncRNA	0,76	1,69	1,12	10,76	6,02E-25	7,05E-23	45,822
ENSG00000271869	AC026979.2	lncRNA	1,30	2,45	3,17	10,76	6,24E-25	7,28E-23	45,785
ENSG00000256658	AC008115.1	lncRNA	1,92	3,77	2,20	10,73	7,84E-25	9,11E-23	45,560
ENSG00000269246	AC011445.2	lncRNA	1,56	2,95	3,07	10,73	8,46E-25	9,79E-23	45,486
ENSG00000255135	AP002360.2	lncRNA	1,02	2,03	4,16	10,69	1,13E-24	1,30E-22	45,197
ENSG00000221949	LINC01465	lncRNA	0,78	1,72	1,31	10,62	2,21E-24	2,53E-22	44,537

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000261485	PAN3-AS1	lncRNA	0,84	1,79	0,91	10,61	2,36E-24	2,69E-22	44,473
ENSG00000259804	AC027682.1	lncRNA	0,68	1,60	0,88	10,61	2,56E-24	2,91E-22	44,392
ENSG00000251417	AC145285.2	lncRNA	0,63	1,55	1,25	10,60	2,67E-24	3,02E-22	44,350
ENSG00000214770	AL161756.1	lncRNA	0,59	1,50	1,28	10,58	3,24E-24	3,65E-22	44,161
ENSG00000258655	ARHGAP5-AS1	lncRNA	1,15	2,21	1,90	10,58	3,29E-24	3,69E-22	44,145
ENSG00000120055	C10orf95	P coding	0,78	1,71	1,08	10,58	3,34E-24	3,73E-22	44,131
ENSG00000237950	AL357079.1	lncRNA	1,05	2,07	2,07	10,55	4,31E-24	4,79E-22	43,879
ENSG00000272186	AP003392.5	lncRNA	0,99	1,99	1,96	10,50	6,45E-24	7,11E-22	43,483
ENSG00000261455	LINC01003	lncRNA	1,00	2,00	2,86	10,49	7,03E-24	7,72E-22	43,397
ENSG00000233220	LINC00167	lncRNA	0,51	1,43	0,84	10,49	7,15E-24	7,83E-22	43,380
ENSG00000227908	AC016596.1	lncRNA	0,69	1,61	1,33	10,48	7,64E-24	8,33E-22	43,316
ENSG00000202542	AC023355.1	misc_RNA	1,05	2,07	0,37	10,45	1,04E-23	1,13E-21	43,011
ENSG00000122432	SPATA1	P coding	0,84	1,79	2,03	10,42	1,33E-23	1,43E-21	42,769
ENSG00000204569	PPP1R10	P coding	1,00	1,99	5,53	10,41	1,44E-23	1,55E-21	42,688
ENSG00000229539	PANK2-AS1	lncRNA	0,86	1,81	1,89	10,41	1,50E-23	1,61E-21	42,649
ENSG00000236140	AC245014.1	lncRNA	1,03	2,04	0,90	10,40	1,68E-23	1,79E-21	42,541
ENSG00000244041	LINC01011	lncRNA	0,91	1,88	1,39	10,39	1,73E-23	1,83E-21	42,511
ENSG00000260563	AC132872.1	lncRNA	1,18	2,27	3,05	10,39	1,83E-23	1,94E-21	42,454
ENSG00000273382	AL356488.3	lncRNA	0,47	1,38	0,59	10,38	1,88E-23	1,99E-21	42,426
ENSG00000226174	TEX22	P coding	0,99	1,99	1,72	10,38	2,01E-23	2,11E-21	42,363
ENSG00000248358	AC243972.1	lncRNA	0,68	1,60	1,11	10,37	2,16E-23	2,26E-21	42,290
ENSG00000269403	AC008750.8	P coding	0,71	1,63	0,57	10,37	2,22E-23	2,31E-21	42,265
ENSG00000250220	AC053527.2	lncRNA	0,69	1,62	1,13	10,33	2,99E-23	3,11E-21	41,970
ENSG00000232860	SMG7-AS1	lncRNA	0,64	1,55	1,02	10,32	3,50E-23	3,62E-21	41,815
ENSG00000223446	AL451065.1	lncRNA	0,96	1,95	0,63	10,31	3,66E-23	3,78E-21	41,770
ENSG00000235078	AC231981.1	lncRNA	0,65	1,57	1,09	10,29	4,21E-23	4,32E-21	41,633
ENSG00000244952	AC123768.2	lncRNA	0,58	1,49	0,62	10,29	4,42E-23	4,52E-21	41,585
ENSG00000221944	TIGD1	P coding	0,71	1,63	3,92	10,28	4,78E-23	4,87E-21	41,508
ENSG00000265345	MIR5188	miRNA	2,24	4,73	2,81	10,28	4,94E-23	5,02E-21	41,476
ENSG00000180425	C11orf71	P coding	1,02	2,02	4,52	10,22	8,44E-23	8,53E-21	40,948
ENSG00000207124	RNU6-163P	snRNA	1,51	2,85	0,49	10,22	8,46E-23	8,53E-21	40,945
ENSG00000272562	AL512343.2	lncRNA	0,92	1,89	1,07	10,21	8,64E-23	8,68E-21	40,925
ENSG00000215912	TTC34	P coding	0,67	1,60	1,53	10,21	8,74E-23	8,76E-21	40,913
ENSG00000272831	AC027644.3	lncRNA	1,02	2,02	3,39	10,21	8,80E-23	8,79E-21	40,906
ENSG00000272523	LINC01023	lncRNA	1,03	2,04	5,22	10,20	9,82E-23	9,76E-21	40,799
ENSG00000233654	AC108047.1	lncRNA	0,85	1,80	1,80	10,20	9,94E-23	9,85E-21	40,787
ENSG00000214347	AC011491.1	TUnP	1,39	2,61	0,70	10,19	1,07E-22	1,05E-20	40,717
ENSG00000261135	AL137802.2	lncRNA	1,26	2,39	2,06	10,14	1,60E-22	1,57E-20	40,319
ENSG00000271151	AC016737.1	lncRNA	0,63	1,54	0,67	10,14	1,65E-22	1,62E-20	40,288
ENSG00000250734	AL391335.1	lncRNA	0,57	1,48	0,43	10,12	2,01E-22	1,96E-20	40,093
ENSG00000260493	AC011773.4	lncRNA	0,59	1,50	0,80	10,11	2,08E-22	2,03E-20	40,058
ENSG00000234222	LIX1L-AS1	lncRNA	0,85	1,80	3,03	10,11	2,12E-22	2,06E-20	40,039
ENSG00000266240	MIR5091	miRNA	1,63	3,10	0,96	10,11	2,19E-22	2,12E-20	40,007
ENSG00000224059	HSPA8P16	PP	0,77	1,71	0,61	10,10	2,36E-22	2,28E-20	39,933
ENSG00000260018	AC040169.1	lncRNA	1,09	2,13	2,61	10,09	2,57E-22	2,47E-20	39,849
ENSG00000260063	AL512408.1	lncRNA	0,48	1,40	0,62	10,08	2,80E-22	2,68E-20	39,766
ENSG00000247400	DNAJC3-DT	lncRNA	1,04	2,06	1,73	10,08	2,83E-22	2,70E-20	39,755
ENSG00000273249	BX649632.1	lncRNA	0,73	1,66	1,53	10,07	3,19E-22	3,03E-20	39,638

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000260339	HEXA-AS1	lncRNA	0,56	1,48	0,80	10,06	3,40E-22	3,22E-20	39,575
ENSG00000205794	AC098591.2	TPP	0,48	1,39	0,63	10,03	4,22E-22	3,99E-20	39,361
ENSG00000272817	AL359198.1	lncRNA	0,63	1,55	0,94	10,03	4,44E-22	4,18E-20	39,312
ENSG00000223599	AL513523.3	PP	0,50	1,42	0,47	10,02	4,58E-22	4,30E-20	39,282
ENSG00000228317	AL158070.1	lncRNA	0,63	1,54	0,75	10,02	4,73E-22	4,43E-20	39,249
ENSG00000261840	AC093249.6	lncRNA	0,89	1,85	2,28	10,01	4,97E-22	4,63E-20	39,201
ENSG00000273080	AC009309.2	lncRNA	0,84	1,79	1,54	9,99	6,06E-22	5,63E-20	39,006
ENSG00000232065	LINC01063	lncRNA	0,95	1,93	1,40	9,98	6,80E-22	6,30E-20	38,892
ENSG00000266947	AC022916.2	lncRNA	0,61	1,52	0,99	9,95	9,10E-22	8,40E-20	38,605
ENSG00000247728	AC091057.3	lncRNA	0,75	1,68	1,09	9,93	1,03E-21	9,48E-20	38,482
ENSG00000227698	AP001619.1	lncRNA	1,06	2,08	1,46	9,93	1,04E-21	9,58E-20	38,469
ENSG00000215014	AL645728.1	lncRNA	0,52	1,44	0,93	9,93	1,07E-21	9,77E-20	38,447
ENSG00000253194	AL137009.2	lncRNA	0,58	1,49	0,75	9,92	1,11E-21	1,01E-19	38,413
ENSG00000233230	AC079807.1	lncRNA	0,82	1,77	3,21	9,92	1,12E-21	1,02E-19	38,400
ENSG00000230679	ENO1-AS1	lncRNA	0,89	1,85	1,51	9,91	1,29E-21	1,16E-19	38,265
ENSG00000201643	SNORA14A	snoRNA	1,20	2,30	0,63	9,88	1,56E-21	1,41E-19	38,076
ENSG00000259943	AL050341.2	lncRNA	1,07	2,10	2,57	9,88	1,59E-21	1,43E-19	38,056
ENSG00000270761	AL355353.2	lncRNA	1,03	2,04	2,65	9,88	1,61E-21	1,45E-19	38,042
ENSG00000261220	AC103706.1	lncRNA	1,18	2,27	1,18	9,86	1,88E-21	1,68E-19	37,889
ENSG00000264207	AC239868.1	lncRNA	1,19	2,29	1,75	9,85	2,00E-21	1,78E-19	37,830
ENSG00000258591	PPIAP4	PP	0,64	1,56	0,59	9,81	2,86E-21	2,52E-19	37,478
ENSG00000240877	RN75L521P	misc_RNA	0,95	1,93	1,85	9,80	3,21E-21	2,83E-19	37,363
ENSG00000162415	ZSWIM5	P coding	0,78	1,71	1,68	9,79	3,41E-21	2,99E-19	37,303
ENSG00000271931	AL353135.1	lncRNA	0,70	1,63	0,64	9,79	3,45E-21	3,02E-19	37,292
ENSG00000270006	AC010531.6	lncRNA	1,28	2,42	2,08	9,78	3,69E-21	3,22E-19	37,227
ENSG00000229178	AC233280.1	lncRNA	0,52	1,44	0,73	9,76	4,44E-21	3,86E-19	37,043
ENSG00000272986	AC009570.1	lncRNA	0,95	1,93	1,05	9,76	4,53E-21	3,93E-19	37,023
ENSG00000178878	APOLD1	P coding	0,85	1,81	2,00	9,75	4,76E-21	4,11E-19	36,975
ENSG00000227540	AC016394.2	lncRNA	0,84	1,79	2,78	9,75	4,78E-21	4,12E-19	36,970
ENSG00000165752	STK32C	P coding	0,94	1,92	2,54	9,75	4,95E-21	4,25E-19	36,936
ENSG00000234072	AC074117.1	lncRNA	0,84	1,80	4,01	9,73	5,70E-21	4,88E-19	36,798
ENSG00000226889	AL359541.2	lncRNA	0,73	1,65	0,99	9,71	6,65E-21	5,68E-19	36,646
ENSG00000184083	FAM120C	P coding	0,96	1,94	2,36	9,71	6,93E-21	5,90E-19	36,606
ENSG00000258651	SEC23A-AS1	lncRNA	0,47	1,38	0,36	9,70	7,32E-21	6,21E-19	36,552
ENSG00000226963	AC078883.2	lncRNA	0,54	1,46	0,38	9,69	7,89E-21	6,68E-19	36,478
ENSG00000231473	RB1-DT	lncRNA	0,85	1,80	0,96	9,69	8,33E-21	7,03E-19	36,424
ENSG00000263681	MIR3197	miRNA	0,77	1,71	0,14	9,68	8,68E-21	7,30E-19	36,383
ENSG00000267801	AC087289.5	lncRNA	0,72	1,65	0,90	9,68	8,87E-21	7,44E-19	36,362
ENSG00000239377	AC073111.1	lncRNA	0,88	1,84	1,05	9,68	9,23E-21	7,71E-19	36,324
ENSG00000272097	AL024498.1	lncRNA	0,76	1,69	1,09	9,67	9,57E-21	7,98E-19	36,287
ENSG00000271380	AL451085.3	lncRNA	0,88	1,85	1,99	9,66	1,04E-20	8,66E-19	36,204
ENSG00000254208	AC011773.1	lncRNA	1,06	2,09	2,00	9,66	1,10E-20	9,09E-19	36,153
ENSG00000254614	AP003068.2	lncRNA	1,17	2,26	3,12	9,65	1,14E-20	9,38E-19	36,119
ENSG00000249637	AC008438.1	lncRNA	0,78	1,72	1,98	9,64	1,29E-20	1,07E-18	35,990
ENSG00000253669	GASAL1	lncRNA	0,76	1,69	1,20	9,62	1,46E-20	1,20E-18	35,873
ENSG00000273374	AC069222.1	lncRNA	0,49	1,41	1,02	9,62	1,51E-20	1,24E-18	35,838
ENSG00000240996	AL157400.4	lncRNA	0,55	1,47	0,50	9,60	1,70E-20	1,39E-18	35,723
ENSG00000272432	AL031432.3	lncRNA	0,68	1,61	1,47	9,60	1,73E-20	1,41E-18	35,707

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000223461	AC004471.1	lncRNA	0,58	1,50	0,72	9,59	1,90E-20	1,55E-18	35,610
ENSG00000179085	DPM3	P coding	1,20	2,29	7,14	9,59	1,94E-20	1,57E-18	35,592
ENSG00000225533	PAWRP1	PP	0,70	1,62	0,59	9,58	2,07E-20	1,67E-18	35,530
ENSG00000229728	AL136531.1	lncRNA	0,75	1,69	1,16	9,57	2,37E-20	1,91E-18	35,395
ENSG00000259802	AC012640.4	lncRNA	0,76	1,69	1,64	9,56	2,45E-20	1,97E-18	35,362
ENSG00000264456	AC138207.4	lncRNA	0,69	1,61	1,55	9,55	2,80E-20	2,25E-18	35,229
ENSG00000226380	AC016831.1	lncRNA	1,35	2,55	2,36	9,54	2,93E-20	2,34E-18	35,185
ENSG00000257167	TMPO-AS1	lncRNA	0,69	1,62	1,00	9,50	4,00E-20	3,18E-18	34,881
ENSG00000272829	AC002470.1	lncRNA	0,86	1,81	1,61	9,49	4,39E-20	3,49E-18	34,787
ENSG00000100003	SEC14L2	P coding	0,65	1,57	0,98	9,49	4,42E-20	3,50E-18	34,781
ENSG00000256442	AC010186.1	lncRNA	0,62	1,54	0,48	9,49	4,65E-20	3,67E-18	34,732
ENSG00000259138	AL049780.2	lncRNA	0,70	1,63	0,93	9,48	4,73E-20	3,73E-18	34,714
ENSG00000255224	AC109322.1	lncRNA	0,70	1,62	1,65	9,46	5,65E-20	4,44E-18	34,539
ENSG00000273305	AC009237.15	lncRNA	0,66	1,58	0,47	9,46	5,82E-20	4,56E-18	34,511
ENSG00000237343	AC246785.3	lncRNA	0,97	1,96	0,82	9,45	6,02E-20	4,70E-18	34,478
ENSG00000233975	LINC02574	lncRNA	0,48	1,40	0,30	9,45	6,20E-20	4,83E-18	34,448
ENSG00000221821	C6orf226	P coding	0,86	1,82	4,62	9,45	6,50E-20	5,05E-18	34,402
ENSG00000176401	EID2B	P coding	0,72	1,65	2,40	9,44	7,09E-20	5,49E-18	34,316
ENSG00000272994	AC012360.3	lncRNA	0,71	1,64	2,50	9,43	7,16E-20	5,53E-18	34,306
ENSG00000273270	AC090114.2	lncRNA	0,67	1,59	1,68	9,43	7,46E-20	5,75E-18	34,266
ENSG00000129535	NRL	P coding	0,67	1,59	1,73	9,42	8,03E-20	6,17E-18	34,194
ENSG00000156097	GPR61	P coding	0,49	1,40	0,49	9,41	8,41E-20	6,45E-18	34,148
ENSG00000272240	AC004908.1	lncRNA	0,88	1,84	1,96	9,41	8,46E-20	6,46E-18	34,143
ENSG00000230844	ZNF674-AS1	lncRNA	0,78	1,71	2,65	9,39	1,08E-19	8,23E-18	33,902
ENSG00000273129	PACERR	lncRNA	0,86	1,81	0,68	9,38	1,13E-19	8,62E-18	33,854
ENSG00000272931	AC099568.2	lncRNA	0,90	1,87	2,12	9,38	1,17E-19	8,87E-18	33,823
ENSG00000272721	AC131235.3	lncRNA	0,82	1,76	1,41	9,37	1,20E-19	9,10E-18	33,795
ENSG00000236431	AC009237.8	PP	0,79	1,73	0,61	9,37	1,21E-19	9,15E-18	33,787
ENSG00000224292	AF196972.1	lncRNA	0,66	1,58	1,51	9,36	1,29E-19	9,72E-18	33,725
ENSG00000214188	ST7-OT4	lncRNA	0,51	1,43	0,75	9,36	1,32E-19	9,93E-18	33,701
ENSG00000271267	AL353807.4	PP	1,01	2,02	1,42	9,36	1,36E-19	1,02E-17	33,674
ENSG00000271966	AC021321.1	lncRNA	0,44	1,36	0,54	9,35	1,45E-19	1,08E-17	33,613
ENSG00000256894	AC022509.3	lncRNA	1,17	2,25	3,38	9,33	1,68E-19	1,25E-17	33,468
ENSG00000270933	AC010719.1	lncRNA	1,57	2,97	4,28	9,30	2,13E-19	1,58E-17	33,236
ENSG00000271737	AC008608.2	lncRNA	0,75	1,69	1,55	9,30	2,15E-19	1,59E-17	33,223
ENSG00000213939	AC091153.1	PP	0,66	1,58	0,90	9,28	2,55E-19	1,88E-17	33,059
ENSG00000256073	URB1-AS1	lncRNA	1,08	2,11	2,43	9,28	2,55E-19	1,88E-17	33,057
ENSG00000272273	IER3-AS1	lncRNA	0,94	1,92	1,40	9,28	2,55E-19	1,88E-17	33,055
ENSG00000213888	LINC01521	lncRNA	0,51	1,43	1,26	9,28	2,60E-19	1,91E-17	33,036
ENSG00000271555	AC113139.1	lncRNA	0,82	1,76	0,52	9,27	2,88E-19	2,10E-17	32,938
ENSG00000234707	AC074351.1	lncRNA	0,51	1,43	0,46	9,26	2,98E-19	2,17E-17	32,905
ENSG00000231010	AL121672.1	lncRNA	0,49	1,40	0,59	9,26	3,08E-19	2,24E-17	32,871
ENSG00000257221	AC007569.1	lncRNA	1,42	2,67	3,95	9,25	3,22E-19	2,33E-17	32,828
ENSG00000238063	LINC01685	lncRNA	0,80	1,74	0,63	9,25	3,44E-19	2,49E-17	32,763
ENSG00000273456	AC064836.2	lncRNA	0,63	1,55	1,08	9,24	3,48E-19	2,51E-17	32,752
ENSG00000271646	AC099343.4	lncRNA	0,96	1,94	2,64	9,21	4,51E-19	3,24E-17	32,497
ENSG00000272667	AC012306.2	lncRNA	0,63	1,55	2,74	9,21	4,72E-19	3,39E-17	32,452
ENSG00000231507	LINC01353	lncRNA	1,15	2,23	3,39	9,20	4,91E-19	3,51E-17	32,413

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000267213	AC007773.1	lncRNA	0,65	1,56	1,33	9,20	4,94E-19	3,52E-17	32,407
ENSG00000214309	MBLAC1	P coding	0,65	1,57	1,72	9,20	4,94E-19	3,52E-17	32,406
ENSG00000235760	MSH2-OT1	lncRNA	0,84	1,79	0,71	9,19	5,50E-19	3,91E-17	32,300
ENSG00000180626	ZNF594	P coding	1,02	2,03	1,93	9,17	6,19E-19	4,38E-17	32,185
ENSG00000241544	LINC02029	lncRNA	0,54	1,46	0,47	9,14	7,86E-19	5,54E-17	31,949
ENSG00000261519	AC010542.4	lncRNA	0,48	1,40	1,03	9,14	7,98E-19	5,61E-17	31,935
ENSG00000234917	AC098484.2	lncRNA	0,47	1,38	0,84	9,14	8,13E-19	5,70E-17	31,917
ENSG00000271821	AL662844.3	lncRNA	0,92	1,89	1,25	9,14	8,27E-19	5,79E-17	31,899
ENSG00000271662	AC233280.2	PP	0,42	1,34	0,37	9,12	9,46E-19	6,60E-17	31,768
ENSG00000267231	AC005786.2	lncRNA	0,59	1,51	0,64	9,12	9,53E-19	6,64E-17	31,760
ENSG00000149609	C20orf144	P coding	0,41	1,33	0,77	9,11	1,02E-18	7,09E-17	31,692
ENSG00000183784	DOCK8-AS1	lncRNA	0,72	1,65	1,51	9,10	1,13E-18	7,86E-17	31,589
ENSG00000223837	AL645941.1	lncRNA	1,00	2,00	3,13	9,09	1,19E-18	8,23E-17	31,541
ENSG00000272969	AC024243.1	lncRNA	0,50	1,41	0,69	9,08	1,29E-18	8,90E-17	31,462
ENSG00000262420	AC007613.1	lncRNA	0,59	1,50	1,14	9,07	1,48E-18	1,02E-16	31,325
ENSG00000273344	PAXIP1-AS1	lncRNA	0,73	1,66	3,67	9,07	1,50E-18	1,03E-16	31,316
ENSG00000206974	RNU6-1144P	snRNA	0,55	1,47	0,11	9,06	1,60E-18	1,09E-16	31,251
ENSG00000261420	AL022069.1	lncRNA	0,53	1,44	1,15	9,05	1,64E-18	1,12E-16	31,228
ENSG00000242876	RN7SL812P	misc_RNA	0,68	1,61	0,56	9,05	1,65E-18	1,12E-16	31,220
ENSG00000235629	AC090952.1	lncRNA	0,53	1,44	0,40	9,04	1,77E-18	1,20E-16	31,150
ENSG00000260526	AC109347.1	lncRNA	0,67	1,59	1,04	9,03	1,95E-18	1,32E-16	31,056
ENSG00000270426	AC099343.3	lncRNA	1,20	2,31	2,72	9,02	2,14E-18	1,45E-16	30,966
ENSG00000254531	AP001816.1	lncRNA	0,97	1,96	4,54	9,01	2,45E-18	1,65E-16	30,832
ENSG00000163738	MTHFD2L	P coding	0,63	1,55	3,91	9,00	2,51E-18	1,69E-16	30,809
ENSG00000246067	RAB30-DT	lncRNA	0,85	1,80	4,95	8,99	2,66E-18	1,79E-16	30,752
ENSG00000247934	AC022364.1	lncRNA	0,68	1,61	1,42	8,97	3,17E-18	2,12E-16	30,579
ENSG00000237840	FAM21FP	TUP	0,66	1,57	1,49	8,94	4,01E-18	2,68E-16	30,348
ENSG00000243224	AC006252.1	lncRNA	0,71	1,63	1,11	8,94	4,09E-18	2,73E-16	30,328
ENSG00000244502	HDAC11-AS1	lncRNA	0,43	1,34	0,41	8,93	4,41E-18	2,94E-16	30,253
ENSG00000265855	MIR4514	miRNA	1,37	2,59	0,92	8,93	4,42E-18	2,94E-16	30,251
ENSG00000224977	LINC02776	lncRNA	0,70	1,63	0,79	8,92	4,74E-18	3,14E-16	30,183
ENSG00000250486	FAM218A	P coding	0,61	1,52	0,41	8,92	4,82E-18	3,18E-16	30,167
ENSG00000272146	ARF4-AS1	lncRNA	0,68	1,60	2,47	8,92	4,89E-18	3,22E-16	30,153
ENSG00000232850	AL590708.1	lncRNA	0,46	1,37	0,63	8,91	5,19E-18	3,41E-16	30,094
ENSG00000251988	RNU4ATAC18P	snRNA	1,67	3,19	2,59	8,90	5,56E-18	3,64E-16	30,027
ENSG00000165972	CCDC38	P coding	0,60	1,52	1,16	8,90	5,56E-18	3,64E-16	30,027
ENSG00000227071	FOCAD-AS1	lncRNA	0,77	1,71	1,49	8,90	5,57E-18	3,64E-16	30,024
ENSG00000183891	TTC32	P coding	0,75	1,68	5,18	8,89	5,99E-18	3,90E-16	29,953
ENSG00000125944	HNRNPR	P coding	0,55	1,47	6,35	8,89	6,03E-18	3,92E-16	29,947
ENSG00000260708	AL118516.1	lncRNA	1,06	2,08	4,82	8,89	6,41E-18	4,16E-16	29,887
ENSG00000270019	AC110769.2	lncRNA	0,43	1,35	0,63	8,88	6,71E-18	4,34E-16	29,842
ENSG00000272455	AL391244.2	lncRNA	0,59	1,51	2,15	8,86	7,60E-18	4,91E-16	29,719
ENSG00000236859	NIFK-AS1	lncRNA	0,70	1,63	2,24	8,85	8,49E-18	5,47E-16	29,610
ENSG00000270147	AC068620.2	lncRNA	0,74	1,67	1,29	8,83	9,89E-18	6,36E-16	29,460
ENSG00000263843	AC022211.3	lncRNA	0,58	1,49	1,13	8,82	1,11E-17	7,10E-16	29,349
ENSG00000135951	TSGA10	P coding	0,71	1,64	3,45	8,81	1,15E-17	7,34E-16	29,314
ENSG00000272008	AL139274.2	lncRNA	0,44	1,36	0,74	8,81	1,17E-17	7,47E-16	29,294
ENSG00000263816	MIR548AW	miRNA	0,78	1,72	0,25	8,81	1,20E-17	7,62E-16	29,274

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000273117	AC144652.1	lncRNA	0,67	1,59	1,01	8,79	1,33E-17	8,42E-16	29,172
ENSG00000257557	PPP1R12A-AS1	lncRNA	0,43	1,35	0,69	8,79	1,33E-17	8,42E-16	29,170
ENSG00000228201	AL022341.1	lncRNA	0,99	1,98	2,44	8,79	1,33E-17	8,43E-16	29,167
ENSG00000116544	DLGAP3	P coding	0,60	1,52	0,94	8,79	1,34E-17	8,46E-16	29,161
ENSG00000272787	AC253536.6	lncRNA	0,67	1,59	1,15	8,78	1,43E-17	9,01E-16	29,097
ENSG00000130377	ACSBG2	P coding	0,43	1,35	0,48	8,78	1,49E-17	9,37E-16	29,057
ENSG00000213529	AL359073.1	PP	0,53	1,45	0,54	8,77	1,55E-17	9,71E-16	29,020
ENSG00000172425	TTC36	P coding	0,54	1,46	1,17	8,76	1,78E-17	1,11E-15	28,885
ENSG00000272106	AL691432.2	lncRNA	0,77	1,71	2,63	8,76	1,81E-17	1,13E-15	28,866
ENSG00000249087	ZNF436-AS1	lncRNA	0,84	1,79	1,48	8,74	2,08E-17	1,29E-15	28,731
ENSG00000267355	RPL9P29	PP	0,76	1,69	1,58	8,73	2,22E-17	1,38E-15	28,667
ENSG00000271751	AP003392.4	lncRNA	0,66	1,58	1,19	8,72	2,30E-17	1,43E-15	28,629
ENSG00000221990	EXOC3-AS1	lncRNA	0,66	1,58	1,79	8,72	2,42E-17	1,50E-15	28,579
ENSG00000261526	AC012615.1	lncRNA	0,84	1,79	2,98	8,72	2,46E-17	1,52E-15	28,565
ENSG00000252919	AL139099.1	misc_RNA	0,82	1,77	0,27	8,71	2,62E-17	1,61E-15	28,503
ENSG00000262049	AC139530.1	lncRNA	0,73	1,66	2,84	8,70	2,74E-17	1,68E-15	28,459
ENSG00000271265	AL355297.2	lncRNA	0,56	1,48	0,56	8,69	2,96E-17	1,81E-15	28,383
ENSG00000273424	AL008582.1	lncRNA	0,55	1,46	0,84	8,67	3,49E-17	2,13E-15	28,222
ENSG00000272677	AC124016.2	lncRNA	0,81	1,76	2,13	8,67	3,49E-17	2,13E-15	28,221
ENSG00000231871	IPO9-AS1	lncRNA	0,53	1,44	1,29	8,66	3,69E-17	2,24E-15	28,166
ENSG00000225331	LINC01678	lncRNA	1,02	2,03	2,48	8,65	4,26E-17	2,58E-15	28,025
ENSG00000272858	Z93930.3	lncRNA	0,63	1,55	1,26	8,64	4,56E-17	2,76E-15	27,959
ENSG00000267670	AC022098.2	lncRNA	0,81	1,76	0,79	8,64	4,64E-17	2,80E-15	27,940
ENSG00000227946	AC007383.1	lncRNA	0,73	1,66	3,70	8,62	5,28E-17	3,17E-15	27,815
ENSG00000261366	MANEA-DT	lncRNA	0,86	1,82	1,69	8,62	5,36E-17	3,21E-15	27,800
ENSG00000176422	SPRYD4	P coding	0,72	1,65	2,95	8,61	5,69E-17	3,40E-15	27,742
ENSG00000231443	AC124944.1	PP	0,51	1,42	0,57	8,61	5,69E-17	3,40E-15	27,741
ENSG00000260329	AC007541.1	lncRNA	0,66	1,58	1,12	8,61	5,73E-17	3,41E-15	27,734
ENSG00000272447	AL135925.1	lncRNA	0,52	1,44	2,04	8,58	7,38E-17	4,37E-15	27,486
ENSG00000232070	TMEM253	P coding	0,83	1,77	1,06	8,56	8,37E-17	4,94E-15	27,362
ENSG00000227113	AC073210.1	unPP	1,07	2,09	2,40	8,56	8,56E-17	5,03E-15	27,340
ENSG00000180209	MYLPF	P coding	0,73	1,66	1,42	8,54	9,72E-17	5,70E-15	27,215
ENSG00000258446	AL133153.1	PP	0,98	1,98	2,07	8,53	1,05E-16	6,14E-15	27,136
ENSG00000270424	AC145285.5	PP	0,72	1,64	1,05	8,52	1,18E-16	6,85E-15	27,027
ENSG00000267394	AC004596.1	lncRNA	0,48	1,40	0,67	8,47	1,64E-16	9,49E-15	26,703
ENSG00000250455	AC117532.1	unPP	0,43	1,34	0,24	8,47	1,72E-16	9,93E-15	26,657
ENSG00000257258	AC012150.1	lncRNA	0,91	1,88	1,27	8,46	1,76E-16	1,02E-14	26,633
ENSG00000236545	AP001619.2	lncRNA	0,37	1,29	0,36	8,46	1,78E-16	1,03E-14	26,620
ENSG00000232442	MHENCN	lncRNA	0,94	1,92	4,09	8,45	1,91E-16	1,10E-14	26,550
ENSG00000203711	C6orf99	lncRNA	0,84	1,79	1,80	8,42	2,43E-16	1,39E-14	26,316
ENSG00000199085	MIR148A	miRNA	1,58	3,00	1,50	8,41	2,72E-16	1,56E-14	26,204
ENSG00000251661	AC136475.1	lncRNA	0,86	1,82	2,93	8,39	3,09E-16	1,75E-14	26,080
ENSG00000196550	FAM72A	P coding	1,08	2,12	2,83	8,38	3,28E-16	1,86E-14	26,022
ENSG00000273010	AL360270.3	lncRNA	0,42	1,34	0,81	8,38	3,36E-16	1,90E-14	25,998
ENSG00000250132	AC004803.1	lncRNA	0,61	1,52	1,71	8,38	3,43E-16	1,94E-14	25,977
ENSG00000235121	AL645504.1	lncRNA	0,53	1,44	0,47	8,37	3,52E-16	1,98E-14	25,951
ENSG00000204366	ZBTB12	P coding	0,77	1,71	2,17	8,37	3,54E-16	1,99E-14	25,947
ENSG00000230758	SNAP23P1	PP	0,66	1,58	0,56	8,37	3,60E-16	2,02E-14	25,931

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000270362	HMGN3-AS1	lncRNA	0,37	1,29	0,78	8,35	4,16E-16	2,33E-14	25,789
ENSG00000225793	AL080250.1	lncRNA	0,61	1,53	1,66	8,35	4,19E-16	2,34E-14	25,780
ENSG00000253878	AC087752.3	lncRNA	1,04	2,05	3,21	8,35	4,23E-16	2,36E-14	25,772
ENSG00000258325	ITFG2-AS1	lncRNA	0,63	1,54	2,77	8,34	4,58E-16	2,55E-14	25,693
ENSG00000260000	AL133338.1	lncRNA	0,74	1,67	2,07	8,33	4,76E-16	2,65E-14	25,656
ENSG00000257341	AL928654.3	P coding	1,02	2,03	1,26	8,33	4,91E-16	2,73E-14	25,625
ENSG00000273175	BX323046.1	lncRNA	0,85	1,80	1,09	8,33	4,99E-16	2,76E-14	25,609
ENSG00000258957	AL359317.2	lncRNA	0,39	1,31	0,53	8,31	5,57E-16	3,08E-14	25,501
ENSG00000244184	AC091153.3	lncRNA	0,66	1,58	1,00	8,31	5,81E-16	3,21E-14	25,460
ENSG00000270482	AC026367.1	lncRNA	0,59	1,51	0,95	8,31	5,88E-16	3,24E-14	25,448
ENSG00000227933	AL357874.1	lncRNA	0,41	1,33	0,46	8,30	6,19E-16	3,40E-14	25,398
ENSG00000206344	HCG27	lncRNA	1,03	2,04	2,21	8,29	6,62E-16	3,63E-14	25,332
ENSG00000263823	AC009831.1	lncRNA	0,50	1,41	1,31	8,28	6,96E-16	3,81E-14	25,283
ENSG00000221886	ZBED8	P coding	0,85	1,80	1,48	8,28	7,07E-16	3,86E-14	25,268
ENSG00000260352	AC092287.1	lncRNA	0,84	1,78	1,90	8,28	7,24E-16	3,94E-14	25,245
ENSG00000141642	ELAC1	P coding	0,70	1,63	3,73	8,27	7,93E-16	4,31E-14	25,155
ENSG00000227627	AL080276.2	lncRNA	0,86	1,81	2,03	8,25	8,75E-16	4,74E-14	25,058
ENSG00000235530	AC087294.1	lncRNA	0,41	1,33	0,50	8,24	9,59E-16	5,19E-14	24,969
ENSG00000221514	SNORD111B	snoRNA	0,81	1,75	0,29	8,24	1,00E-15	5,41E-14	24,925
ENSG00000163576	EFHB	P coding	0,60	1,52	0,83	8,23	1,08E-15	5,79E-14	24,855
ENSG00000261575	AC005829.1	TUP	1,01	2,01	2,82	8,21	1,21E-15	6,49E-14	24,741
ENSG00000235527	HIPK1-AS1	lncRNA	0,57	1,48	0,95	8,21	1,25E-15	6,71E-14	24,707
ENSG00000213057	C1orf220	lncRNA	1,05	2,07	1,67	8,19	1,40E-15	7,48E-14	24,598
ENSG00000259642	ST20-AS1	lncRNA	0,60	1,52	2,11	8,19	1,47E-15	7,84E-14	24,551
ENSG00000272092	AC087623.2	lncRNA	0,88	1,84	2,65	8,18	1,53E-15	8,16E-14	24,509
ENSG00000272205	AL451050.2	lncRNA	0,60	1,51	0,72	8,17	1,64E-15	8,72E-14	24,442
ENSG00000262481	TMEM256-PLSCR3	P coding	0,35	1,27	0,46	8,17	1,66E-15	8,80E-14	24,431
ENSG00000270050	AL035427.1	lncRNA	0,55	1,47	0,53	8,16	1,75E-15	9,26E-14	24,380
ENSG00000231916	AC006033.1	PP	1,56	2,95	1,91	8,16	1,77E-15	9,34E-14	24,369
ENSG00000226179	LINC00685	lncRNA	0,78	1,72	2,47	8,15	1,97E-15	1,04E-13	24,264
ENSG00000234183	LINC01952	lncRNA	0,89	1,85	2,37	8,13	2,18E-15	1,15E-13	24,163
ENSG00000270115	AL513327.2	lncRNA	0,51	1,43	0,59	8,12	2,43E-15	1,27E-13	24,057
ENSG00000233937	AC008443.1	lncRNA	0,70	1,62	3,16	8,12	2,48E-15	1,30E-13	24,035
ENSG00000180066	LINC02870	lncRNA	0,46	1,37	0,40	8,10	2,76E-15	1,44E-13	23,931
ENSG00000270996	AC005034.5	lncRNA	0,35	1,28	0,45	8,09	3,01E-15	1,57E-13	23,848
ENSG00000264249	MIR3912	miRNA	0,66	1,58	0,19	8,06	3,75E-15	1,95E-13	23,632
ENSG00000240474	RN7SL116P	misc_RNA	0,50	1,41	0,33	8,06	3,76E-15	1,95E-13	23,627
ENSG00000272462	U91328.1	lncRNA	0,51	1,42	2,03	8,05	3,98E-15	2,06E-13	23,572
ENSG00000180777	ANKRD308	P coding	0,47	1,38	0,49	8,05	4,01E-15	2,07E-13	23,565
ENSG00000234043	NUDT9P1	PP	0,59	1,51	0,90	8,05	4,03E-15	2,08E-13	23,560
ENSG00000185837	HDHD5-AS1	lncRNA	0,69	1,61	0,71	8,03	4,85E-15	2,49E-13	23,379
ENSG00000242290	ZBTB20-AS5	lncRNA	0,64	1,56	0,48	8,02	4,90E-15	2,52E-13	23,369
ENSG00000237424	FOXO2-AS1	lncRNA	0,51	1,42	0,68	8,01	5,36E-15	2,75E-13	23,281
ENSG00000232995	AL592435.1	lncRNA	0,90	1,86	2,49	7,99	6,11E-15	3,13E-13	23,152
ENSG00000261187	AC079322.1	lncRNA	0,43	1,35	1,11	7,99	6,17E-15	3,15E-13	23,142
ENSG00000230163	AL122010.1	lncRNA	0,65	1,57	2,31	7,99	6,20E-15	3,16E-13	23,138
ENSG00000247317	LY6E-DT	lncRNA	0,74	1,67	1,14	7,99	6,41E-15	3,26E-13	23,105
ENSG00000215271	HOMEZ	P coding	0,67	1,59	3,37	7,99	6,45E-15	3,27E-13	23,100

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000261118	AC092123.1	lncRNA	0,59	1,51	1,01	7,99	6,45E-15	3,27E-13	23,099
ENSG00000266705	MIR4437	miRNA	1,62	3,07	2,07	7,98	6,88E-15	3,48E-13	23,036
ENSG00000273145	BX537318.1	lncRNA	0,51	1,42	1,04	7,97	7,11E-15	3,59E-13	23,003
ENSG00000272689	AC004832.4	lncRNA	0,61	1,52	0,66	7,95	8,51E-15	4,29E-13	22,828
ENSG00000212302	AL135998.2	snRNA	0,58	1,49	0,17	7,94	8,92E-15	4,48E-13	22,782
ENSG00000165494	PCF11	P coding	0,72	1,65	6,86	7,94	9,09E-15	4,56E-13	22,763
ENSG00000264300	AC090616.3	TPP	0,93	1,90	1,16	7,93	9,49E-15	4,75E-13	22,721
ENSG00000228013	IL6R-AS1	lncRNA	0,59	1,50	0,88	7,93	9,61E-15	4,80E-13	22,709
ENSG00000267321	SNHG30	lncRNA	0,60	1,52	3,24	7,93	9,69E-15	4,84E-13	22,701
ENSG00000199705	AL591583.1	misc_RNA	0,50	1,41	0,11	7,91	1,11E-14	5,54E-13	22,566
ENSG00000179902	C1orf194	P coding	0,37	1,30	0,35	7,91	1,17E-14	5,83E-13	22,513
ENSG00000246705	H2AJ	P coding	1,04	2,06	4,77	7,86	1,62E-14	8,02E-13	22,199
ENSG00000206573	THUMP3-AS1	lncRNA	0,58	1,50	6,00	7,85	1,73E-14	8,58E-13	22,132
ENSG00000204301	NOTCH4	P coding	0,56	1,47	1,41	7,85	1,73E-14	8,58E-13	22,130
ENSG00000118137	APOA1	P coding	0,42	1,34	0,52	7,85	1,76E-14	8,69E-13	22,116
ENSG00000257243	AC020612.1	PP	0,35	1,27	0,42	7,85	1,81E-14	8,93E-13	22,088
ENSG00000237846	AL773545.3	PP	0,83	1,77	2,46	7,84	1,89E-14	9,29E-13	22,047
ENSG00000204406	MBD5	P coding	0,51	1,42	4,04	7,83	1,98E-14	9,73E-13	22,001
ENSG00000173451	THAP2	P coding	0,77	1,71	3,73	7,83	2,06E-14	1,01E-12	21,963
ENSG00000250938	AC073475.1	lncRNA	0,47	1,38	1,63	7,83	2,08E-14	1,02E-12	21,952
ENSG00000226913	BSN-DT	lncRNA	0,36	1,29	0,63	7,82	2,14E-14	1,04E-12	21,926
ENSG00000221552	MIR1303	miRNA	0,99	1,98	0,63	7,82	2,20E-14	1,07E-12	21,896
ENSG00000205018	AC092384.1	lncRNA	0,53	1,45	0,72	7,81	2,28E-14	1,11E-12	21,862
ENSG00000268996	MAN1B1-DT	lncRNA	0,87	1,83	2,45	7,81	2,34E-14	1,14E-12	21,837
ENSG00000251535	AC079140.4	PP	0,49	1,40	0,36	7,79	2,67E-14	1,30E-12	21,706
ENSG00000270557	AC013731.1	lncRNA	0,50	1,42	1,02	7,79	2,70E-14	1,31E-12	21,697
ENSG00000234006	DDX39B-AS1	lncRNA	0,46	1,38	0,89	7,79	2,79E-14	1,35E-12	21,665
ENSG00000249626	AC024560.2	PP	0,78	1,71	1,30	7,78	2,86E-14	1,38E-12	21,640
ENSG00000228506	AL513550.1	lncRNA	0,57	1,49	1,56	7,78	2,93E-14	1,41E-12	21,616
ENSG00000273141	AP001269.4	lncRNA	1,01	2,02	0,97	7,77	3,09E-14	1,49E-12	21,563
ENSG00000266446	AL449423.1	lncRNA	0,54	1,46	0,64	7,77	3,23E-14	1,55E-12	21,521
ENSG00000255153	TOLLIP-AS1	lncRNA	0,98	1,98	1,56	7,76	3,45E-14	1,65E-12	21,458
ENSG00000246089	AC016065.1	lncRNA	0,79	1,73	2,68	7,74	3,83E-14	1,83E-12	21,355
ENSG00000272115	AC233992.3	lncRNA	0,58	1,50	0,99	7,72	4,39E-14	2,09E-12	21,222
ENSG00000235560	AC002310.1	lncRNA	0,60	1,51	1,72	7,72	4,39E-14	2,09E-12	21,221
ENSG00000248693	LINC02100	lncRNA	0,98	1,97	2,25	7,71	4,77E-14	2,26E-12	21,138
ENSG00000245149	RNF139-AS1	lncRNA	0,70	1,62	2,94	7,70	5,32E-14	2,52E-12	21,032
ENSG00000171489	SPACA5	P coding	0,39	1,31	0,47	7,69	5,48E-14	2,59E-12	21,003
ENSG00000203684	IBA57-DT	lncRNA	0,69	1,62	1,51	7,68	6,16E-14	2,91E-12	20,888
ENSG00000270175	AC023509.3	lncRNA	0,56	1,47	1,55	7,66	6,84E-14	3,22E-12	20,787
ENSG00000105245	NUMBL	P coding	0,78	1,72	1,89	7,66	7,11E-14	3,34E-12	20,748
ENSG00000273077	AC110609.1	lncRNA	0,65	1,57	0,99	7,64	7,81E-14	3,67E-12	20,656
ENSG00000230992	FAM201B	PP	0,79	1,73	1,67	7,63	8,48E-14	3,97E-12	20,576
ENSG00000226423	AC093642.1	lncRNA	0,72	1,64	1,57	7,58	1,18E-13	5,51E-12	20,254
ENSG00000273253	AL022328.4	lncRNA	0,89	1,85	2,95	7,58	1,20E-13	5,59E-12	20,239
ENSG00000224992	AL445645.1	lncRNA	0,64	1,56	0,63	7,58	1,26E-13	5,86E-12	20,190
ENSG00000212330	RNU6-244P	snRNA	0,77	1,70	0,25	7,57	1,35E-13	6,28E-12	20,121
ENSG00000227403	LINC01806	lncRNA	0,65	1,57	3,14	7,56	1,45E-13	6,70E-12	20,053

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000260100	AL512604.4	lncRNA	0,36	1,29	0,36	7,55	1,45E-13	6,73E-12	20,047
ENSG00000240005	STIM2-AS1	lncRNA	0,97	1,96	3,26	7,55	1,54E-13	7,12E-12	19,991
ENSG00000189149	CRYM-AS1	TUnP	0,47	1,39	0,53	7,54	1,66E-13	7,64E-12	19,920
ENSG00000226969	AL391845.1	lncRNA	0,42	1,34	0,40	7,52	1,80E-13	8,29E-12	19,838
ENSG00000272057	AC016575.1	lncRNA	0,53	1,44	0,57	7,52	1,83E-13	8,39E-12	19,825
ENSG00000262810	AC090617.4	lncRNA	0,49	1,40	1,52	7,52	1,84E-13	8,43E-12	19,819
ENSG00000245330	AP005717.1	lncRNA	0,68	1,61	1,02	7,51	2,02E-13	9,24E-12	19,727
ENSG00000200390	AC006011.1	misc_RNA	1,49	2,82	1,62	7,50	2,11E-13	9,64E-12	19,684
ENSG00000236307	EEF1E1P1	PP	0,52	1,43	0,69	7,50	2,11E-13	9,64E-12	19,683
ENSG00000163645	ERIC6	P coding	0,46	1,38	1,10	7,50	2,17E-13	9,89E-12	19,656
ENSG00000229869	AL359878.2	lncRNA	0,47	1,39	0,54	7,49	2,34E-13	1,06E-11	19,582
ENSG00000245685	FRG1-DT	lncRNA	0,78	1,72	1,39	7,47	2,57E-13	1,17E-11	19,489
ENSG00000232648	AC107214.1	lncRNA	0,48	1,39	1,03	7,45	2,95E-13	1,34E-11	19,356
ENSG00000228801	AC064807.1	lncRNA	0,59	1,50	3,86	7,45	3,00E-13	1,36E-11	19,338
ENSG00000202415	RN7SKP269	misc_RNA	0,45	1,37	0,54	7,45	3,04E-13	1,37E-11	19,325
ENSG00000264575	LINC00526	lncRNA	0,50	1,41	1,70	7,45	3,11E-13	1,40E-11	19,305
ENSG00000184898	RBM43	P coding	0,68	1,60	2,56	7,43	3,58E-13	1,61E-11	19,166
ENSG00000270820	AC016727.1	lncRNA	0,68	1,60	3,73	7,42	3,80E-13	1,71E-11	19,109
ENSG00000258620	AL135838.1	lncRNA	0,34	1,27	0,27	7,42	3,83E-13	1,72E-11	19,100
ENSG00000236866	AL157902.1	lncRNA	0,70	1,62	1,34	7,41	3,95E-13	1,77E-11	19,072
ENSG00000259615	AC013391.1	lncRNA	0,37	1,30	0,63	7,41	4,01E-13	1,79E-11	19,057
ENSG00000267549	AC006116.9	lncRNA	0,30	1,23	0,49	7,40	4,27E-13	1,90E-11	18,995
ENSG00000236514	AL135791.1	lncRNA	0,68	1,60	2,24	7,39	4,63E-13	2,06E-11	18,916
ENSG00000261737	AL049597.2	lncRNA	0,48	1,39	1,49	7,38	4,81E-13	2,14E-11	18,877
ENSG00000201725	RNU6-304P	snRNA	0,94	1,92	0,51	7,37	5,32E-13	2,36E-11	18,779
ENSG00000263105	AC009171.2	lncRNA	0,58	1,50	0,53	7,37	5,47E-13	2,43E-11	18,752
ENSG00000254682	AP002387.2	lncRNA	0,89	1,85	3,88	7,36	5,74E-13	2,54E-11	18,704
ENSG00000201659	RNU12-2P	snRNA	0,71	1,64	0,42	7,34	6,43E-13	2,84E-11	18,594
ENSG00000255283	AP005597.3	unPP	0,53	1,44	0,35	7,34	6,74E-13	2,97E-11	18,549
ENSG00000131558	EXOC4	P coding	0,42	1,34	4,85	7,33	7,21E-13	3,18E-11	18,481
ENSG00000215878	MARCKSL1P2	PP	0,32	1,25	0,73	7,32	7,26E-13	3,19E-11	18,476
ENSG00000236204	LINC01376	lncRNA	0,50	1,41	1,44	7,32	7,45E-13	3,27E-11	18,450
ENSG00000248367	AC008610.1	lncRNA	0,81	1,75	1,95	7,32	7,53E-13	3,30E-11	18,439
ENSG00000206559	ZCWPW2	P coding	0,45	1,37	1,32	7,31	8,17E-13	3,57E-11	18,360
ENSG00000269609	RPARP-AS1	lncRNA	0,69	1,62	3,68	7,30	8,84E-13	3,86E-11	18,283
ENSG00000224699	LAMTOR5-AS1	lncRNA	0,60	1,51	2,50	7,28	9,86E-13	4,30E-11	18,176
ENSG00000251000	GGCTP1	PP	0,68	1,60	2,78	7,27	1,02E-12	4,46E-11	18,139
ENSG00000207639	MIR193B	miRNA	1,35	2,55	1,21	7,27	1,04E-12	4,53E-11	18,122
ENSG00000254489	MPPED2-AS1	lncRNA	0,57	1,48	0,24	7,27	1,06E-12	4,60E-11	18,105
ENSG00000049769	PPP1R3F	P coding	0,82	1,77	2,21	7,26	1,12E-12	4,86E-11	18,051
ENSG00000272412	RN7SL778P	misc_RNA	0,53	1,45	0,85	7,26	1,14E-12	4,94E-11	18,032
ENSG00000229689	AC009237.3	TUP	0,51	1,42	0,75	7,24	1,25E-12	5,42E-11	17,941
ENSG00000253085	AL359771.2	scaRNA	0,93	1,91	0,64	7,23	1,34E-12	5,77E-11	17,878
ENSG00000197980	LEKR1	P coding	0,63	1,54	1,77	7,23	1,39E-12	5,99E-11	17,840
ENSG00000270076	AF131215.7	lncRNA	0,72	1,65	1,31	7,22	1,50E-12	6,47E-11	17,764
ENSG00000227195	MIR663AHG	lncRNA	1,18	2,27	5,47	7,22	1,51E-12	6,49E-11	17,758
ENSG00000272695	GAS6-DT	lncRNA	0,64	1,56	1,32	7,21	1,62E-12	6,95E-11	17,690
ENSG00000273247	AC097376.3	lncRNA	0,48	1,39	2,83	7,19	1,76E-12	7,51E-11	17,612

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000260796	AC145285.3	lncRNA	0,39	1,31	0,86	7,19	1,84E-12	7,86E-11	17,566
ENSG00000244380	AC134772.1	lncRNA	0,39	1,31	0,96	7,17	2,07E-12	8,81E-11	17,452
ENSG00000203668	CHML	P coding	0,91	1,88	3,01	7,16	2,17E-12	9,24E-11	17,405
ENSG00000238934	AL591806.3	snRNA	1,13	2,19	1,02	7,16	2,20E-12	9,35E-11	17,392
ENSG00000228906	AL353804.1	lncRNA	0,50	1,42	1,31	7,16	2,21E-12	9,39E-11	17,386
ENSG00000272973	AP000350.5	lncRNA	0,49	1,40	0,89	7,16	2,22E-12	9,39E-11	17,385
ENSG00000225806	AL121917.1	lncRNA	0,68	1,60	1,65	7,16	2,22E-12	9,40E-11	17,382
ENSG00000260081	AF274858.1	TPP	0,71	1,63	1,56	7,15	2,35E-12	9,94E-11	17,326
ENSG00000232973	CYP1B1-AS1	lncRNA	0,40	1,32	0,96	7,15	2,45E-12	1,04E-10	17,285
ENSG00000269293	ZSCAN16-AS1	lncRNA	0,50	1,41	3,21	7,14	2,49E-12	1,05E-10	17,270
ENSG00000228327	AL669831.1	TUP unitary_pseudogene	0,70	1,62	2,83	7,14	2,52E-12	1,06E-10	17,259
ENSG00000230086	VN1R96P		0,47	1,38	0,48	7,14	2,62E-12	1,10E-10	17,221
ENSG00000259877	AC009113.1	lncRNA	0,66	1,58	1,62	7,13	2,70E-12	1,13E-10	17,190
ENSG00000232504	ST3GAL5-AS1	lncRNA	0,56	1,48	0,95	7,13	2,75E-12	1,15E-10	17,175
ENSG00000234694	AL139289.1	lncRNA	0,54	1,45	0,95	7,13	2,77E-12	1,16E-10	17,167
ENSG00000271225	BNIP3P4	PP	0,84	1,79	0,86	7,12	2,83E-12	1,18E-10	17,145
ENSG00000162188	GNG3	P coding	0,38	1,30	0,54	7,12	2,93E-12	1,22E-10	17,110
ENSG00000235092	ID2-AS1	lncRNA	0,42	1,34	0,36	7,12	2,96E-12	1,23E-10	17,103
ENSG00000249142	AC074134.1	PP	0,36	1,29	0,31	7,11	3,13E-12	1,30E-10	17,049
ENSG00000263327	TAPT1-AS1	lncRNA	0,65	1,57	1,86	7,11	3,18E-12	1,32E-10	17,031
ENSG00000265399	AP005329.2	lncRNA	0,45	1,37	1,34	7,10	3,34E-12	1,38E-10	16,984
ENSG00000270049	AC009061.2	lncRNA	0,63	1,55	1,96	7,10	3,35E-12	1,38E-10	16,981
ENSG00000223570	AL592045.1	PP	0,42	1,33	0,32	7,08	3,72E-12	1,53E-10	16,880
ENSG00000264349	MIR4258	miRNA	1,28	2,43	3,44	7,07	4,01E-12	1,65E-10	16,805
ENSG00000237036	ZEB1-AS1	lncRNA	0,53	1,45	3,16	7,06	4,40E-12	1,81E-10	16,716
ENSG00000256030	CBX3P4	TPP	0,34	1,26	0,39	7,06	4,46E-12	1,83E-10	16,702
ENSG00000229766	AL021396.1	lncRNA	0,81	1,75	1,24	7,04	5,09E-12	2,09E-10	16,572
ENSG00000258760	AL355076.2	lncRNA	0,82	1,76	1,27	7,03	5,31E-12	2,17E-10	16,531
ENSG00000131848	ZSCAN5A	P coding	0,53	1,44	3,26	7,02	5,58E-12	2,27E-10	16,484
ENSG00000227252	AC012063.1	lncRNA	0,36	1,28	1,06	7,00	6,29E-12	2,56E-10	16,367
ENSG00000261798	AL033527.3	lncRNA	0,77	1,70	1,79	7,00	6,35E-12	2,58E-10	16,357
ENSG00000269938	AC068790.2	lncRNA	0,34	1,26	0,43	7,00	6,53E-12	2,65E-10	16,329
ENSG00000213033	AURKAP1	TPP	0,78	1,72	1,69	6,99	6,71E-12	2,72E-10	16,302
ENSG00000234807	LINC01135	lncRNA	0,36	1,29	0,49	6,97	7,72E-12	3,13E-10	16,166
ENSG00000185065	AC000068.1	lncRNA	0,46	1,37	1,35	6,97	7,96E-12	3,22E-10	16,136
ENSG00000222915	RNU6-564P	snRNA	1,09	2,13	0,85	6,97	8,17E-12	3,30E-10	16,111
ENSG00000124593	AL365205.1	P coding	0,87	1,82	2,23	6,96	8,18E-12	3,30E-10	16,110
ENSG00000247151	CSTF3-DT	lncRNA	0,33	1,26	0,90	6,96	8,27E-12	3,33E-10	16,099
ENSG00000264920	AC018521.5	lncRNA	0,67	1,59	3,62	6,96	8,38E-12	3,37E-10	16,086
ENSG00000271335	AL117336.2	lncRNA	0,53	1,45	2,37	6,96	8,60E-12	3,45E-10	16,061
ENSG00000172748	ZNF596	P coding	0,65	1,57	2,28	6,96	8,69E-12	3,48E-10	16,050
ENSG00000243284	VSIG8	P coding	0,53	1,44	0,45	6,96	8,70E-12	3,48E-10	16,049
ENSG00000215067	ALOX12-AS1	lncRNA	0,56	1,47	3,08	6,95	8,87E-12	3,55E-10	16,030
ENSG00000228146	CASP16P	TUnP	0,33	1,25	0,60	6,94	9,37E-12	3,74E-10	15,977
ENSG00000172530	BANP	P coding	0,53	1,44	3,63	6,94	9,41E-12	3,75E-10	15,973
ENSG00000258001	AC126614.1	lncRNA	0,40	1,32	0,85	6,94	9,88E-12	3,93E-10	15,925
ENSG00000262693	AC012146.3	lncRNA	0,36	1,28	0,35	6,92	1,08E-11	4,28E-10	15,842
ENSG00000176593	AC008969.1	lncRNA	0,83	1,78	2,21	6,92	1,10E-11	4,37E-10	15,819

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000233223	AC016876.2	lncRNA	0,66	1,58	4,46	6,92	1,12E-11	4,46E-10	15,799
ENSG00000257596	SCAT2	lncRNA	0,51	1,43	1,01	6,91	1,17E-11	4,61E-10	15,764
ENSG00000249572	AC034231.1	lncRNA	0,71	1,63	2,25	6,91	1,19E-11	4,70E-10	15,745
ENSG00000272501	AL662844.4	lncRNA	0,62	1,54	3,12	6,90	1,27E-11	5,01E-10	15,681
ENSG00000228878	SEPTIN7-DT	lncRNA	0,51	1,43	1,45	6,89	1,33E-11	5,24E-10	15,635
ENSG00000270066	AL356488.2	lncRNA	0,77	1,70	1,79	6,89	1,35E-11	5,32E-10	15,620
ENSG00000232412	AL121601.1	lncRNA	0,70	1,63	1,39	6,88	1,41E-11	5,54E-10	15,578
ENSG00000139725	RHOF	P coding	0,86	1,81	3,28	6,87	1,48E-11	5,81E-10	15,530
ENSG00000273062	AL449106.1	lncRNA	1,10	2,15	3,35	6,87	1,50E-11	5,89E-10	15,515
ENSG00000264169	RN75L665P	misc_RNA	0,51	1,42	1,01	6,87	1,51E-11	5,90E-10	15,512
ENSG00000113525	IL5	P coding	0,32	1,25	0,33	6,87	1,52E-11	5,92E-10	15,505
ENSG00000228084	AC118553.1	lncRNA	0,44	1,35	1,56	6,87	1,52E-11	5,92E-10	15,504
ENSG00000259081	AF111169.3	lncRNA	0,88	1,84	1,43	6,87	1,52E-11	5,92E-10	15,504
ENSG00000247121	AC009126.1	lncRNA	0,47	1,39	1,54	6,86	1,59E-11	6,20E-10	15,458
ENSG00000169242	EFNA1	P coding	0,68	1,61	0,99	6,86	1,61E-11	6,24E-10	15,451
ENSG00000227598	Z94721.1	lncRNA	0,34	1,26	0,38	6,86	1,67E-11	6,47E-10	15,413
ENSG00000175497	DPP10	P coding	0,44	1,35	0,51	6,84	1,83E-11	7,09E-10	15,322
ENSG00000267559	AL158154.3	lncRNA	0,44	1,36	1,47	6,83	1,97E-11	7,59E-10	15,254
ENSG00000107614	TRDMT1	P coding	0,63	1,55	2,71	6,83	1,98E-11	7,64E-10	15,246
ENSG00000238058	AL355574.1	lncRNA	0,70	1,63	3,06	6,81	2,26E-11	8,71E-10	15,116
ENSG00000254165	AC090739.1	lncRNA	0,54	1,45	1,65	6,81	2,32E-11	8,92E-10	15,092
ENSG00000131771	PPP1R1B	P coding	0,28	1,21	0,39	6,80	2,37E-11	9,08E-10	15,073
ENSG00000204802	AL590399.1	lncRNA	0,87	1,82	2,66	6,78	2,67E-11	1,02E-09	14,955
ENSG00000264278	ZNF236-DT	lncRNA	0,43	1,35	1,17	6,78	2,76E-11	1,06E-09	14,922
ENSG00000270061	AC068790.5	lncRNA	0,47	1,39	0,76	6,77	2,83E-11	1,08E-09	14,899
ENSG00000224349	FAM135A-AS1	lncRNA	0,32	1,25	0,31	6,77	2,90E-11	1,11E-09	14,874
ENSG00000267959	MIR3188	miRNA	1,47	2,76	2,89	6,77	2,96E-11	1,13E-09	14,856
ENSG00000206964	AC012358.2	misc_RNA	1,18	2,27	1,16	6,76	3,07E-11	1,17E-09	14,819
ENSG00000252552	RNU6-307P	snRNA	1,19	2,29	1,22	6,76	3,10E-11	1,18E-09	14,811
ENSG00000185442	FAM174B	P coding	0,89	1,85	4,19	6,76	3,18E-11	1,21E-09	14,784
ENSG00000245317	AC008393.1	lncRNA	0,58	1,50	1,87	6,76	3,19E-11	1,21E-09	14,782
ENSG00000251013	GAPDHP62	PP	0,39	1,31	0,76	6,75	3,28E-11	1,24E-09	14,754
ENSG00000205078	SYCE1L	P coding	1,03	2,04	3,19	6,75	3,35E-11	1,26E-09	14,735
ENSG00000211451	GNRHR2	TUnP	0,61	1,53	3,35	6,73	3,74E-11	1,41E-09	14,626
ENSG00000231407	GORAB-AS1	lncRNA	0,49	1,41	1,14	6,72	4,03E-11	1,52E-09	14,553
ENSG00000170270	GON7	P coding	0,64	1,55	3,85	6,71	4,21E-11	1,58E-09	14,511
ENSG00000255156	RNY1P9	misc_RNA	1,16	2,23	1,27	6,71	4,31E-11	1,62E-09	14,488
ENSG00000264408	MIR4470	miRNA	0,67	1,59	0,34	6,70	4,47E-11	1,68E-09	14,452
ENSG00000227518	AL928970.1	lncRNA	0,65	1,57	2,90	6,70	4,52E-11	1,69E-09	14,443
ENSG00000261188	Z95115.1	lncRNA	0,58	1,50	1,68	6,70	4,64E-11	1,73E-09	14,416
ENSG00000160318	CLDND2	P coding	0,97	1,96	2,06	6,69	4,79E-11	1,79E-09	14,385
ENSG00000181798	LINC00471	lncRNA	0,52	1,44	1,51	6,68	5,17E-11	1,93E-09	14,311
ENSG00000207501	RNVU1-14	snRNA	1,45	2,73	8,00	6,66	5,81E-11	2,16E-09	14,199
ENSG00000267114	AC011481.1	lncRNA	0,61	1,53	1,75	6,65	6,48E-11	2,41E-09	14,092
ENSG00000273314	AC005229.4	lncRNA	0,45	1,36	1,31	6,64	6,81E-11	2,53E-09	14,042
ENSG00000237753	AC079922.2	lncRNA	0,45	1,36	1,14	6,64	6,84E-11	2,53E-09	14,039
ENSG00000257954	AC125611.2	PP	0,61	1,53	1,66	6,63	6,97E-11	2,58E-09	14,020
ENSG00000245888	NSMCE1-DT	lncRNA	0,33	1,26	0,98	6,63	7,01E-11	2,59E-09	14,015

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000135423	GLS2	P coding	0,65	1,57	3,45	6,63	7,36E-11	2,72E-09	13,968
ENSG00000227256	MIS18A-AS1	lncRNA	0,31	1,24	0,58	6,62	7,40E-11	2,73E-09	13,962
ENSG00000164296	TIGD6	P coding	0,38	1,30	2,58	6,62	7,76E-11	2,86E-09	13,916
ENSG00000224152	AC009506.2	lncRNA	0,63	1,55	2,42	6,61	7,85E-11	2,89E-09	13,904
ENSG00000157168	NRG1	P coding	0,53	1,45	0,32	6,61	7,88E-11	2,89E-09	13,901
ENSG00000263627	PPP4R1-AS1	lncRNA	0,37	1,29	0,43	6,61	8,17E-11	3,00E-09	13,865
ENSG00000260274	AC068338.2	lncRNA	0,48	1,39	2,58	6,61	8,20E-11	3,00E-09	13,863
ENSG00000089163	SIRT4	P coding	0,52	1,43	1,26	6,61	8,23E-11	3,01E-09	13,859
ENSG00000258798	AL133153.2	lncRNA	0,58	1,49	1,61	6,60	8,54E-11	3,12E-09	13,822
ENSG00000222503	AL121929.1	misc_RNA	1,26	2,39	1,62	6,60	8,76E-11	3,19E-09	13,798
ENSG00000232750	AL139132.1	PP	0,33	1,26	0,36	6,59	9,30E-11	3,38E-09	13,740
ENSG00000250344	AC105254.1	lncRNA	0,78	1,72	1,07	6,58	9,69E-11	3,52E-09	13,699
ENSG00000247137	AP000873.2	lncRNA	0,54	1,45	3,98	6,58	9,74E-11	3,54E-09	13,694
ENSG00000233799	AC139887.1	lncRNA	0,78	1,72	1,97	6,58	9,89E-11	3,59E-09	13,679
ENSG00000245975	AC090515.3	lncRNA	0,38	1,30	1,91	6,58	9,91E-11	3,59E-09	13,678
ENSG00000183921	SDR42E2	P coding	0,80	1,74	1,07	6,57	1,03E-10	3,71E-09	13,645
ENSG00000126005	MMP24O5	P coding	0,44	1,36	5,25	6,55	1,17E-10	4,24E-09	13,512
ENSG00000266232	MIR3178	miRNA	1,18	2,27	2,44	6,55	1,18E-10	4,26E-09	13,506
ENSG00000140479	PCSK6	P coding	0,58	1,49	1,06	6,55	1,19E-10	4,28E-09	13,501
ENSG00000252128	AL158032.1	snoRNA	1,20	2,30	1,23	6,55	1,22E-10	4,37E-09	13,479
ENSG00000233912	AC026202.2	lncRNA	0,92	1,89	3,44	6,54	1,26E-10	4,52E-09	13,445
ENSG00000247877	AC021086.1	lncRNA	0,35	1,28	0,77	6,54	1,27E-10	4,54E-09	13,439
ENSG00000234639	AC009263.1	PP	0,48	1,39	0,48	6,53	1,33E-10	4,75E-09	13,392
ENSG00000260083	MIR762HG	lncRNA	0,46	1,37	2,09	6,53	1,36E-10	4,87E-09	13,367
ENSG00000248932	AC046134.2	lncRNA	0,51	1,42	3,13	6,53	1,38E-10	4,92E-09	13,356
ENSG00000239335	LLPH-DT	lncRNA	0,55	1,46	1,05	6,52	1,39E-10	4,95E-09	13,349
ENSG00000262587	AC133552.2	TUP	0,54	1,45	1,03	6,50	1,62E-10	5,75E-09	13,201
ENSG00000229348	HYI-AS1	lncRNA	0,47	1,39	1,46	6,50	1,63E-10	5,78E-09	13,194
ENSG00000254662	AP000781.1	lncRNA	0,50	1,42	1,55	6,50	1,64E-10	5,82E-09	13,187
ENSG00000261173	AC018845.3	lncRNA	0,51	1,42	2,43	6,50	1,66E-10	5,87E-09	13,177
ENSG00000201916	AC007731.1	misc_RNA	0,78	1,71	0,49	6,49	1,69E-10	5,97E-09	13,159
ENSG00000231705	AL451069.2	lncRNA	0,77	1,71	0,81	6,49	1,77E-10	6,27E-09	13,111
ENSG00000225693	LAGE3P1	PP	0,35	1,27	0,52	6,48	1,78E-10	6,27E-09	13,109
ENSG00000234684	SDCBP2-AS1	lncRNA	0,54	1,45	2,69	6,48	1,80E-10	6,35E-09	13,096
ENSG00000230969	LINC02090	lncRNA	1,03	2,04	2,29	6,48	1,82E-10	6,41E-09	13,086
ENSG00000119906	SLF2	P coding	0,65	1,57	3,54	6,48	1,83E-10	6,42E-09	13,083
ENSG00000206836	RNU6-1029P	snRNA	0,61	1,53	0,26	6,48	1,88E-10	6,60E-09	13,055
ENSG00000159792	PSKH1	P coding	0,50	1,42	3,67	6,47	1,93E-10	6,76E-09	13,030
ENSG00000176054	RPL23P2	PP	0,64	1,56	3,13	6,47	1,98E-10	6,93E-09	13,005
ENSG00000272654	AL358472.2	lncRNA	0,55	1,47	1,55	6,47	2,00E-10	6,99E-09	12,995
ENSG00000228126	FALEC	lncRNA	0,48	1,39	1,42	6,46	2,03E-10	7,09E-09	12,980
ENSG00000231154	MORF4L2-AS1	lncRNA	0,48	1,40	1,17	6,46	2,04E-10	7,11E-09	12,976
ENSG00000203288	TDRKH-AS1	lncRNA	0,54	1,45	2,45	6,46	2,08E-10	7,26E-09	12,955
ENSG00000161610	HCRT	P coding	0,36	1,28	0,37	6,46	2,09E-10	7,26E-09	12,953
ENSG00000183260	ABHD16B	P coding	0,64	1,55	2,60	6,46	2,09E-10	7,27E-09	12,951
ENSG00000245498	AP000866.1	lncRNA	0,40	1,32	1,63	6,46	2,12E-10	7,36E-09	12,938
ENSG00000166359	WDR88	P coding	0,39	1,31	0,89	6,45	2,25E-10	7,78E-09	12,880
ENSG00000102003	SYN	P coding	0,42	1,34	1,07	6,45	2,26E-10	7,81E-09	12,876

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000268670	AC016586.1	lncRNA	0,44	1,35	1,00	6,44	2,28E-10	7,88E-09	12,866
ENSG00000272758	AC083798.2	lncRNA	0,40	1,32	4,50	6,44	2,29E-10	7,90E-09	12,861
ENSG00000212385	RNU6-817P	snRNA	1,21	2,32	2,03	6,43	2,42E-10	8,34E-09	12,808
ENSG00000233008	LINC01725	lncRNA	0,60	1,52	1,22	6,43	2,43E-10	8,36E-09	12,804
ENSG00000184619	KRBA2	P coding	0,60	1,51	1,15	6,43	2,44E-10	8,38E-09	12,802
ENSG00000267677	AC016229.2	lncRNA	0,50	1,41	0,90	6,43	2,50E-10	8,57E-09	12,778
ENSG00000188542	DUSP28	P coding	0,39	1,31	3,75	6,43	2,57E-10	8,80E-09	12,751
ENSG00000229320	KRT8P12	TPP	0,66	1,58	3,08	6,43	2,57E-10	8,80E-09	12,750
ENSG00000223576	AL355001.1	lncRNA	0,42	1,34	1,15	6,42	2,59E-10	8,85E-09	12,743
ENSG00000235084	CHCHD2P6	PP	0,39	1,31	0,46	6,41	2,84E-10	9,69E-09	12,654
ENSG00000272588	AC139887.4	lncRNA	0,68	1,60	1,58	6,41	2,85E-10	9,71E-09	12,651
ENSG00000221883	ARIH2OS	P coding	0,40	1,32	2,52	6,41	2,89E-10	9,85E-09	12,635
ENSG00000263305	AP005530.1	lncRNA	0,44	1,36	0,38	6,40	3,06E-10	1,04E-08	12,582
ENSG00000261386	AC027682.4	lncRNA	0,57	1,48	1,38	6,39	3,19E-10	1,08E-08	12,539
ENSG00000175773	ZBTB44-DT	lncRNA	0,46	1,38	1,35	6,39	3,25E-10	1,10E-08	12,523
ENSG00000242042	LINC01743	lncRNA	0,36	1,28	1,26	6,38	3,35E-10	1,13E-08	12,492
ENSG00000269997	AC068790.3	lncRNA	0,31	1,24	0,44	6,38	3,47E-10	1,17E-08	12,459
ENSG00000270659	AC079610.1	lncRNA	0,72	1,65	1,78	6,38	3,50E-10	1,18E-08	12,450
ENSG00000184925	LCN12	P coding	0,94	1,91	2,63	6,37	3,67E-10	1,24E-08	12,405
ENSG00000255726	AL662844.1	unPP	0,38	1,30	0,19	6,37	3,71E-10	1,25E-08	12,392
ENSG00000203865	ATP1A1-AS1	lncRNA	0,48	1,40	1,88	6,36	3,77E-10	1,27E-08	12,379
ENSG00000183066	WBP2NL	P coding	0,52	1,43	1,88	6,36	3,77E-10	1,27E-08	12,378
ENSG00000236358	AL355472.2	lncRNA	0,83	1,78	0,67	6,36	3,78E-10	1,27E-08	12,375
ENSG00000264229	RNU4ATAC	snRNA	1,30	2,46	6,87	6,36	3,81E-10	1,28E-08	12,368
ENSG00000271914	AL139286.1	lncRNA	0,61	1,53	2,05	6,35	4,13E-10	1,38E-08	12,288
ENSG00000230489	VAV3-AS1	lncRNA	0,45	1,36	0,43	6,35	4,17E-10	1,40E-08	12,279
ENSG00000100479	POLE2	P coding	0,78	1,72	2,41	6,34	4,32E-10	1,44E-08	12,245
ENSG00000269821	KCNQ1OT1	lncRNA	0,27	1,21	0,97	6,34	4,35E-10	1,45E-08	12,239
ENSG00000271659	AL161729.4	lncRNA	0,35	1,28	0,35	6,34	4,36E-10	1,45E-08	12,237
ENSG00000227431	CSE1L-AS1	lncRNA	0,70	1,62	1,52	6,34	4,40E-10	1,47E-08	12,227
ENSG00000267547	AC060766.4	lncRNA	0,73	1,66	3,44	6,33	4,50E-10	1,50E-08	12,206
ENSG00000227268	KLLN	P coding	0,26	1,20	0,83	6,33	4,52E-10	1,50E-08	12,201
ENSG00000258284	POLR2KP1	PP	0,74	1,68	0,93	6,32	4,80E-10	1,59E-08	12,143
ENSG00000182327	GLTPD2	P coding	0,53	1,44	1,47	6,32	4,90E-10	1,62E-08	12,122
ENSG00000244998	AC100803.2	lncRNA	0,34	1,26	0,58	6,32	4,99E-10	1,65E-08	12,105
ENSG00000235204	AL162724.2	lncRNA	1,17	2,24	1,77	6,30	5,66E-10	1,87E-08	11,983
ENSG00000227373	RABGAP1L-DT	lncRNA	0,52	1,44	1,56	6,30	5,70E-10	1,88E-08	11,976
ENSG00000246731	AC100786.1	lncRNA	0,28	1,21	0,42	6,29	5,78E-10	1,91E-08	11,961
ENSG00000243959	RN7SL684P	misc_RNA	0,32	1,25	0,31	6,29	5,84E-10	1,92E-08	11,952
ENSG00000229422	AL512625.2	lncRNA	0,84	1,79	2,47	6,29	5,84E-10	1,92E-08	11,951
ENSG00000271742	AL121992.2	lncRNA	0,62	1,53	0,62	6,29	5,98E-10	1,97E-08	11,930
ENSG00000099866	MADCAM1	P coding	0,35	1,28	0,73	6,28	6,22E-10	2,04E-08	11,891
ENSG00000237232	ZNF295-AS1	lncRNA	0,44	1,36	1,24	6,28	6,41E-10	2,10E-08	11,862
ENSG00000272459	AC139795.3	lncRNA	0,55	1,47	1,53	6,27	6,61E-10	2,17E-08	11,832
ENSG00000258704	SRP54-AS1	TUnP	0,48	1,39	1,92	6,27	6,81E-10	2,23E-08	11,802
ENSG00000269578	AC008764.7	lncRNA	0,47	1,39	1,00	6,27	6,84E-10	2,24E-08	11,798
ENSG00000213462	ERV3-1	P coding	0,61	1,53	4,33	6,26	7,08E-10	2,31E-08	11,764
ENSG00000235618	FAM21EP	TUP	0,29	1,22	0,69	6,26	7,15E-10	2,33E-08	11,755

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000261324	AC010168.2	lncRNA	0,68	1,60	2,74	6,25	7,71E-10	2,51E-08	11,682
ENSG00000273148	LINC00653	lncRNA	0,71	1,63	3,43	6,24	7,88E-10	2,56E-08	11,661
ENSG00000224613	AC095032.1	lncRNA	0,29	1,23	0,40	6,24	7,90E-10	2,57E-08	11,658
ENSG00000257964	AC020612.3	lncRNA	0,32	1,25	0,49	6,23	8,24E-10	2,67E-08	11,618
ENSG00000269220	LINC00528	lncRNA	0,63	1,54	2,91	6,23	8,29E-10	2,69E-08	11,612
ENSG00000272688	AP005329.3	lncRNA	0,53	1,44	1,96	6,23	8,30E-10	2,69E-08	11,610
ENSG00000257556	LINC02298	lncRNA	0,53	1,45	0,45	6,22	8,81E-10	2,85E-08	11,552
ENSG00000175793	SFN	P coding	0,75	1,68	1,08	6,22	8,85E-10	2,86E-08	11,548
ENSG00000260158	AC137761.1	lncRNA	0,50	1,41	0,73	6,22	9,12E-10	2,94E-08	11,519
ENSG00000140993	TIGD7	P coding	0,76	1,70	3,25	6,21	9,42E-10	3,04E-08	11,488
ENSG00000235522	AC010978.1	lncRNA	0,33	1,26	0,66	6,21	9,48E-10	3,05E-08	11,482
ENSG00000264070	DND1P1	PP	0,57	1,49	1,86	6,20	1,02E-09	3,27E-08	11,414
ENSG00000260360	AL353708.1	lncRNA	0,33	1,26	0,92	6,19	1,06E-09	3,40E-08	11,375
ENSG00000258920	FOXN3-AS1	lncRNA	0,66	1,58	2,74	6,19	1,07E-09	3,42E-08	11,368
ENSG00000235258	NDUFB4P6	PP	0,35	1,28	0,47	6,19	1,10E-09	3,52E-08	11,339
ENSG00000222043	AC079305.2	lncRNA	0,76	1,69	3,39	6,18	1,13E-09	3,61E-08	11,314
ENSG00000262454	MIR193BHG	lncRNA	0,79	1,73	2,81	6,18	1,17E-09	3,74E-08	11,279
ENSG00000272366	AL158211.3	lncRNA	1,07	2,10	1,79	6,18	1,17E-09	3,74E-08	11,277
ENSG00000258572	AL133467.1	lncRNA	1,19	2,28	3,82	6,17	1,20E-09	3,83E-08	11,252
ENSG00000247950	SEC24B-AS1	lncRNA	0,41	1,33	1,60	6,17	1,21E-09	3,86E-08	11,242
ENSG00000214870	AC004540.1	lncRNA	0,80	1,74	1,46	6,16	1,26E-09	4,02E-08	11,202
ENSG00000231563	AL139288.1	lncRNA	0,66	1,58	1,45	6,16	1,28E-09	4,05E-08	11,193
ENSG00000236778	INTS6-AS1	lncRNA	0,50	1,42	3,50	6,16	1,30E-09	4,13E-08	11,173
ENSG00000271576	AL359504.1	lncRNA	0,59	1,50	1,74	6,15	1,38E-09	4,37E-08	11,118
ENSG00000236021	AL591043.2	lncRNA	0,42	1,33	1,19	6,13	1,54E-09	4,87E-08	11,009
ENSG00000177337	DLGAP1-AS1	lncRNA	0,78	1,72	0,88	6,13	1,55E-09	4,91E-08	11,001
ENSG00000267710	EDDM13	P coding	0,51	1,43	1,87	6,11	1,68E-09	5,31E-08	10,924
ENSG00000267308	LINC01764	lncRNA	0,55	1,46	1,63	6,11	1,68E-09	5,31E-08	10,923
ENSG00000177721	ANXA2R	P coding	0,63	1,54	2,96	6,11	1,69E-09	5,33E-08	10,917
ENSG00000270195	AC016773.2	lncRNA	0,66	1,58	1,99	6,11	1,74E-09	5,46E-08	10,893
ENSG00000268573	AC011815.1	lncRNA	0,32	1,25	1,04	6,10	1,83E-09	5,75E-08	10,842
ENSG00000254509	AP000866.3	PP	0,52	1,43	1,46	6,09	1,96E-09	6,15E-08	10,776
ENSG00000250012	AC079848.1	lncRNA	0,55	1,47	1,97	6,09	1,97E-09	6,17E-08	10,771
ENSG00000245275	SAP30L-AS1	lncRNA	0,47	1,38	1,77	6,08	2,03E-09	6,34E-08	10,744
ENSG00000207696	MIR659	miRNA	1,07	2,10	1,48	6,08	2,10E-09	6,57E-08	10,709
ENSG00000198468	FLVCR1-DT	lncRNA	0,61	1,53	2,21	6,07	2,19E-09	6,85E-08	10,667
ENSG00000162878	PKDCC	P coding	0,83	1,78	0,65	6,07	2,22E-09	6,93E-08	10,654
ENSG00000259094	AC013457.1	lncRNA	0,33	1,26	0,31	6,07	2,25E-09	7,02E-08	10,640
ENSG00000242531	AC083798.1	unPP	1,03	2,04	1,89	6,06	2,30E-09	7,15E-08	10,622
ENSG00000242622	AC092910.3	lncRNA	0,49	1,40	2,63	6,06	2,32E-09	7,21E-08	10,612
ENSG00000239710	RN7SL692P	misc_RNA	0,40	1,32	0,29	6,06	2,36E-09	7,34E-08	10,595
ENSG00000254034	INTS9-AS1	lncRNA	0,26	1,20	0,60	6,05	2,42E-09	7,50E-08	10,572
ENSG00000256280	AP006289.1	PP	0,39	1,31	0,43	6,05	2,53E-09	7,83E-08	10,529
ENSG00000226696	LENG8-AS1	lncRNA	0,60	1,52	3,90	6,05	2,54E-09	7,84E-08	10,526
ENSG00000273387	AC005005.3	lncRNA	0,48	1,39	1,26	6,04	2,58E-09	7,97E-08	10,510
ENSG00000259924	AC011939.1	PP	0,38	1,30	0,58	6,04	2,61E-09	8,04E-08	10,500
ENSG00000255503	AP001767.3	lncRNA	0,53	1,44	0,97	6,03	2,71E-09	8,37E-08	10,461
ENSG00000199335	RNU6-204P	snRNA	1,26	2,40	1,15	6,03	2,74E-09	8,43E-08	10,451

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000168071	CCDC88B	P coding	-0,63	-1,55	6,18	-6,03	2,76E-09	8,49E-08	10,443
ENSG00000255121	CCDC84-DT	lncRNA	0,58	1,49	1,58	6,03	2,79E-09	8,56E-08	10,434
ENSG00000266533	MIR3619	miRNA	0,36	1,28	0,11	6,02	2,87E-09	8,81E-08	10,405
ENSG00000206813	AL023879.1	misc_RNA	0,80	1,74	0,52	6,02	2,89E-09	8,85E-08	10,400
ENSG00000255306	AC004923.4	lncRNA	0,44	1,36	1,00	6,02	2,92E-09	8,95E-08	10,388
ENSG00000222438	RNU6-1077P	snRNA	0,37	1,29	0,11	6,02	2,97E-09	9,09E-08	10,372
ENSG00000255517	AP002748.4	lncRNA	0,48	1,39	3,37	6,02	2,99E-09	9,12E-08	10,368
ENSG00000239930	AP001625.3	lncRNA	0,43	1,35	0,64	6,02	3,01E-09	9,20E-08	10,358
ENSG00000206918	RNU6-1181P	snRNA	0,75	1,68	0,41	6,01	3,03E-09	9,23E-08	10,354
ENSG00000228264	PSMD8P1	PP	0,37	1,29	0,43	6,01	3,08E-09	9,39E-08	10,336
ENSG00000258984	UBE2F-SCLY	P coding	0,29	1,22	0,83	6,01	3,10E-09	9,44E-08	10,330
ENSG00000260167	AC093249.2	lncRNA	0,37	1,29	1,01	6,01	3,14E-09	9,53E-08	10,319
ENSG00000251131	AC025171.3	lncRNA	0,61	1,53	3,54	6,01	3,15E-09	9,56E-08	10,315
ENSG00000138162	TACC2	P coding	0,35	1,28	1,07	6,00	3,22E-09	9,76E-08	10,293
ENSG00000199237	RNU6-834P	snRNA	1,05	2,08	1,28	5,99	3,49E-09	1,05E-07	10,217
ENSG00000264577	AC010761.1	lncRNA	0,51	1,42	3,62	5,99	3,51E-09	1,06E-07	10,210
ENSG00000207359	RNU6-925P	snRNA	1,08	2,11	1,34	5,99	3,53E-09	1,07E-07	10,204
ENSG00000266405	AP005061.2	TPP	0,50	1,42	1,99	5,99	3,53E-09	1,07E-07	10,204
ENSG00000072195	SPEG	P coding	0,86	1,82	1,46	5,98	3,61E-09	1,09E-07	10,185
ENSG00000183111	ARHGEF37	P coding	0,63	1,55	1,71	5,98	3,71E-09	1,11E-07	10,158
ENSG00000266983	AC011444.1	lncRNA	0,31	1,24	0,62	5,98	3,75E-09	1,13E-07	10,147
ENSG00000244268	AC117394.2	lncRNA	0,43	1,35	0,91	5,97	3,85E-09	1,16E-07	10,122
ENSG00000231770	TMEM44-AS1	lncRNA	0,59	1,50	3,91	5,97	3,85E-09	1,16E-07	10,120
ENSG00000205744	DENND1C	P coding	-0,79	-1,73	4,82	-5,97	3,97E-09	1,19E-07	10,092
ENSG00000231212	AL590399.3	lncRNA	0,71	1,63	1,13	5,96	4,28E-09	1,28E-07	10,018
ENSG00000273265	CNNM3-DT	lncRNA	0,54	1,45	1,49	5,95	4,42E-09	1,32E-07	9,987
ENSG00000125652	ALKBH7	P coding	-0,43	-1,35	7,03	-5,94	4,75E-09	1,42E-07	9,918
ENSG00000198125	MB	P coding	0,33	1,26	0,28	5,93	4,92E-09	1,47E-07	9,884
ENSG00000271581	AL671883.2	unPP	0,69	1,61	2,77	5,92	5,13E-09	1,53E-07	9,842
ENSG00000252739	RNU7-151P	snRNA	0,67	1,59	0,42	5,92	5,23E-09	1,56E-07	9,824
ENSG00000241155	ARHGAP31-AS1	lncRNA	0,54	1,46	2,03	5,90	5,76E-09	1,71E-07	9,731
ENSG00000227848	SUCLA2-AS1	lncRNA	0,28	1,21	0,64	5,90	5,77E-09	1,71E-07	9,728
ENSG00000211575	MIR760	miRNA	1,00	2,00	1,50	5,90	5,87E-09	1,74E-07	9,713
ENSG00000243738	RN75L181P	misc_RNA	0,52	1,43	2,19	5,90	5,91E-09	1,75E-07	9,706
ENSG00000241634	AC069499.2	PP	1,12	2,17	2,82	5,90	5,93E-09	1,75E-07	9,703
ENSG00000224281	SLC25A5-AS1	lncRNA	0,36	1,28	1,14	5,90	5,98E-09	1,77E-07	9,694
ENSG00000254602	AP000662.1	lncRNA	0,37	1,29	1,40	5,90	6,06E-09	1,79E-07	9,682
ENSG00000135365	PHF21A	P coding	0,50	1,42	4,89	5,89	6,14E-09	1,81E-07	9,668
ENSG00000269646	AC010487.1	lncRNA	0,62	1,53	1,00	5,89	6,19E-09	1,82E-07	9,662
ENSG00000108839	ALOX12	P coding	0,37	1,29	1,03	5,89	6,35E-09	1,87E-07	9,636
ENSG00000271554	AL138787.2	lncRNA	0,76	1,69	1,60	5,89	6,35E-09	1,87E-07	9,636
ENSG00000260657	AC107871.2	lncRNA	0,52	1,44	0,72	5,89	6,36E-09	1,87E-07	9,635
ENSG00000215840	AL592295.1	PP	0,25	1,19	0,49	5,88	6,59E-09	1,93E-07	9,600
ENSG00000248240	AC114956.1	lncRNA	0,40	1,32	0,96	5,87	6,90E-09	2,02E-07	9,556
ENSG00000237773	AC073332.1	lncRNA	0,48	1,39	0,56	5,87	6,93E-09	2,03E-07	9,551
ENSG00000100266	PACSLN2	P coding	0,48	1,40	3,51	5,86	7,21E-09	2,11E-07	9,513
ENSG00000224790	AP000704.2	lncRNA	0,47	1,39	1,21	5,85	7,83E-09	2,29E-07	9,433
ENSG00000273162	AL133215.2	lncRNA	0,29	1,22	0,39	5,83	8,59E-09	2,51E-07	9,343

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000253944	AC027117.2	lncRNA	0,49	1,41	0,99	5,83	8,76E-09	2,55E-07	9,324
ENSG00000268650	AC005759.1	lncRNA	0,70	1,62	1,66	5,83	8,86E-09	2,58E-07	9,313
ENSG00000260261	AC124944.2	TUP	0,55	1,47	2,54	5,83	8,97E-09	2,61E-07	9,301
ENSG00000226386	PARD3-AS1	lncRNA	0,91	1,88	1,19	5,82	9,17E-09	2,66E-07	9,281
ENSG00000197361	FBXL22	P coding	0,31	1,24	0,95	5,82	9,47E-09	2,75E-07	9,249
ENSG00000244270	RPL32P29	PP	-1,01	-2,01	3,55	-5,81	9,91E-09	2,87E-07	9,205
ENSG00000257058	AP001363.2	lncRNA	0,89	1,85	1,55	5,81	1,00E-08	2,90E-07	9,193
ENSG00000168575	SLC20A2	P coding	0,47	1,38	4,02	5,79	1,10E-08	3,17E-07	9,105
ENSG00000229896	AL157373.2	lncRNA	0,78	1,72	1,94	5,79	1,10E-08	3,18E-07	9,100
ENSG00000200351	AC022121.1	misc_RNA	0,84	1,79	0,71	5,78	1,17E-08	3,37E-07	9,043
ENSG00000156110	ADK	P coding	0,39	1,31	4,21	5,78	1,17E-08	3,37E-07	9,043
ENSG00000121797	CCRL2	P coding	-1,02	-2,02	2,36	-5,77	1,21E-08	3,48E-07	9,012
ENSG00000224157	HCG14	lncRNA	0,32	1,25	0,57	5,77	1,25E-08	3,58E-07	8,982
ENSG00000238158	AL391422.3	lncRNA	0,36	1,29	0,79	5,77	1,25E-08	3,58E-07	8,982
ENSG00000005889	ZFX	P coding	0,44	1,36	3,97	5,77	1,26E-08	3,62E-07	8,970
ENSG00000233850	AC103563.7	lncRNA	0,95	1,93	0,70	5,77	1,27E-08	3,62E-07	8,967
ENSG00000244468	AC093001.1	lncRNA	0,51	1,43	1,27	5,76	1,28E-08	3,65E-07	8,959
ENSG00000183808	RBM12B	P coding	0,64	1,56	3,46	5,76	1,28E-08	3,67E-07	8,954
ENSG00000251445	AC021151.1	lncRNA	0,71	1,64	0,92	5,76	1,30E-08	3,70E-07	8,945
ENSG00000272192	AC100812.1	lncRNA	0,45	1,37	0,79	5,76	1,30E-08	3,70E-07	8,943
ENSG00000251468	AC135352.1	unPP	0,33	1,26	0,25	5,76	1,34E-08	3,81E-07	8,915
ENSG00000139890	REM2	P coding	0,59	1,51	1,89	5,75	1,38E-08	3,92E-07	8,885
ENSG00000271971	AC120053.1	lncRNA	0,52	1,43	1,59	5,75	1,38E-08	3,93E-07	8,882
ENSG00000174015	CBY2	P coding	0,81	1,75	1,07	5,75	1,39E-08	3,95E-07	8,876
ENSG00000182518	FAM104B	P coding	0,40	1,32	3,72	5,75	1,41E-08	3,99E-07	8,864
ENSG00000224846	NQO2-AS1	lncRNA	0,31	1,24	0,27	5,74	1,45E-08	4,09E-07	8,839
ENSG00000168303	MPLKIP	P coding	0,34	1,27	2,28	5,74	1,49E-08	4,21E-07	8,813
ENSG00000167107	ACSF2	P coding	-0,59	-1,51	3,90	-5,73	1,56E-08	4,40E-07	8,768
ENSG00000179362	HMGN2P46	TPP	0,48	1,39	2,02	5,73	1,57E-08	4,43E-07	8,760
ENSG00000197921	HES5	P coding	0,53	1,44	0,64	5,73	1,57E-08	4,43E-07	8,758
ENSG00000271993	AC126118.1	lncRNA	0,28	1,21	0,33	5,73	1,58E-08	4,43E-07	8,756
ENSG00000228150	AL357140.2	lncRNA	0,33	1,25	1,47	5,73	1,59E-08	4,47E-07	8,748
ENSG00000228043	AC114763.1	lncRNA	0,31	1,24	1,11	5,72	1,59E-08	4,48E-07	8,745
ENSG00000262001	DLGAP1-AS2	lncRNA	0,31	1,24	0,53	5,72	1,60E-08	4,50E-07	8,740
ENSG00000235154	FP325330.1	lncRNA	0,33	1,26	0,23	5,72	1,64E-08	4,60E-07	8,718
ENSG00000258096	AC025031.2	lncRNA	0,34	1,27	0,77	5,72	1,66E-08	4,64E-07	8,708
ENSG00000215973	MIR933	miRNA	0,90	1,87	1,07	5,71	1,78E-08	4,97E-07	8,640
ENSG00000176998	HCG4	unPP	0,41	1,33	0,87	5,71	1,78E-08	4,97E-07	8,639
ENSG00000261136	AC023908.3	lncRNA	0,52	1,44	0,99	5,69	1,91E-08	5,33E-07	8,569
ENSG00000269559	AC093677.2	lncRNA	0,24	1,18	0,44	5,69	1,92E-08	5,36E-07	8,563
ENSG00000231671	LINC01307	lncRNA	0,22	1,16	0,52	5,69	1,93E-08	5,38E-07	8,558
ENSG00000244879	GABPB1-AS1	lncRNA	0,66	1,58	3,97	5,69	1,98E-08	5,51E-07	8,534
ENSG00000172053	QARS1	P coding	-0,30	-1,23	7,44	-5,68	1,99E-08	5,54E-07	8,528
ENSG00000235641	LINC00484	lncRNA	0,53	1,44	0,38	5,68	2,06E-08	5,71E-07	8,499
ENSG00000074276	CDHR2	P coding	0,39	1,31	0,70	5,68	2,07E-08	5,73E-07	8,494
ENSG00000230702	AC107081.1	PP	0,29	1,23	0,40	5,68	2,08E-08	5,75E-07	8,489
ENSG00000228323	MYADM-AS1	lncRNA	1,21	2,32	1,66	5,68	2,08E-08	5,76E-07	8,487
ENSG00000250616	AC012645.1	lncRNA	0,33	1,26	1,01	5,67	2,22E-08	6,13E-07	8,426

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000226310	AL022157.1	lncRNA	0,31	1,24	0,92	5,66	2,24E-08	6,17E-07	8,418
ENSG00000184068	SREBF2-AS1	lncRNA	0,43	1,35	2,70	5,66	2,24E-08	6,17E-07	8,417
ENSG00000266053	NDUFV2-AS1	lncRNA	0,54	1,45	2,78	5,66	2,25E-08	6,21E-07	8,410
ENSG00000225721	AL592166.1	lncRNA	0,35	1,27	1,40	5,66	2,32E-08	6,38E-07	8,384
ENSG00000260778	AC009065.5	lncRNA	0,50	1,42	2,13	5,65	2,35E-08	6,48E-07	8,368
ENSG00000200693	AL136038.1	snoRNA	0,63	1,55	4,35	5,65	2,39E-08	6,58E-07	8,352
ENSG00000259605	AC074212.1	lncRNA	0,74	1,67	3,83	5,65	2,42E-08	6,64E-07	8,342
ENSG00000233586	AC246785.2	PP	0,32	1,25	0,34	5,65	2,45E-08	6,72E-07	8,330
ENSG00000272128	AP006545.2	lncRNA	0,38	1,30	0,56	5,65	2,47E-08	6,77E-07	8,322
ENSG00000164304	CAGE1	P coding	0,27	1,21	0,53	5,64	2,49E-08	6,82E-07	8,314
ENSG00000270095	AC068790.6	lncRNA	0,46	1,38	0,78	5,64	2,50E-08	6,83E-07	8,311
ENSG00000259952	AC009133.2	lncRNA	0,84	1,79	0,68	5,64	2,58E-08	7,05E-07	8,279
ENSG00000160752	FDPS	P coding	0,43	1,34	7,16	5,63	2,76E-08	7,54E-07	8,213
ENSG00000083845	RP55	P coding	-0,54	-1,46	10,98	-5,62	2,81E-08	7,67E-07	8,195
ENSG00000268603	AC053503.4	lncRNA	0,34	1,27	0,67	5,62	2,89E-08	7,87E-07	8,169
ENSG00000228436	AL139260.1	lncRNA	0,35	1,27	0,91	5,62	2,91E-08	7,93E-07	8,162
ENSG00000171425	ZNF581	P coding	-0,60	-1,51	4,65	-5,62	2,92E-08	7,94E-07	8,159
ENSG00000196511	TPK1	P coding	0,49	1,41	3,05	5,61	2,95E-08	8,01E-07	8,149
ENSG00000257815	PRANCR	lncRNA	0,58	1,50	3,93	5,61	3,03E-08	8,21E-07	8,124
ENSG00000165996	HACD1	P coding	0,33	1,25	1,00	5,61	3,09E-08	8,36E-07	8,105
ENSG00000217862	H4C10P	PP	0,50	1,41	0,54	5,60	3,12E-08	8,43E-07	8,096
ENSG00000226989	AL049758.1	PP	0,31	1,24	0,51	5,60	3,15E-08	8,51E-07	8,085
ENSG00000165828	PRAP1	P coding	0,40	1,32	0,81	5,60	3,15E-08	8,51E-07	8,085
ENSG00000239480	AC073517.1	lncRNA	0,39	1,31	1,06	5,60	3,17E-08	8,55E-07	8,080
ENSG00000231081	AL078587.1	lncRNA	0,53	1,44	1,18	5,60	3,19E-08	8,59E-07	8,074
ENSG00000253671	AC027117.1	lncRNA	0,50	1,41	1,39	5,60	3,20E-08	8,60E-07	8,072
ENSG00000227799	AC012358.3	PP	0,23	1,18	0,74	5,60	3,21E-08	8,61E-07	8,069
ENSG00000130749	ZC3H4	P coding	0,41	1,32	3,51	5,60	3,27E-08	8,77E-07	8,051
ENSG00000259349	AC011921.1	lncRNA	0,31	1,24	0,73	5,59	3,42E-08	9,16E-07	8,007
ENSG00000255020	AF131216.3	lncRNA	0,47	1,38	0,75	5,59	3,42E-08	9,16E-07	8,006
ENSG00000158014	SLC30A2	P coding	0,18	1,13	0,77	5,59	3,42E-08	9,16E-07	8,006
ENSG00000186153	WWOX	P coding	0,48	1,40	4,09	5,58	3,50E-08	9,35E-07	7,986
ENSG00000143401	ANP32E	P coding	0,58	1,49	5,12	5,58	3,55E-08	9,48E-07	7,971
ENSG00000237188	AC242426.2	lncRNA	0,54	1,45	1,80	5,57	3,71E-08	9,90E-07	7,929
ENSG00000267212	AC018761.3	lncRNA	0,46	1,37	0,97	5,57	3,72E-08	9,93E-07	7,925
ENSG00000181938	GIN53	P coding	0,49	1,40	2,77	5,57	3,73E-08	9,95E-07	7,922
ENSG00000249061	AC109492.1	lncRNA	0,48	1,40	0,47	5,57	3,75E-08	9,98E-07	7,918
ENSG00000247746	USP51	P coding	0,37	1,30	0,74	5,57	3,77E-08	1,00E-06	7,913
ENSG00000261423	TMEM202-AS1	lncRNA	0,45	1,37	1,98	5,57	3,77E-08	1,00E-06	7,912
ENSG00000271122	AC018647.2	lncRNA	0,47	1,38	2,32	5,56	3,88E-08	1,03E-06	7,885
ENSG00000260224	UBL5P4	PP	0,67	1,59	1,04	5,56	4,06E-08	1,08E-06	7,841
ENSG00000240915	AC120042.1	lncRNA	0,30	1,24	0,84	5,55	4,08E-08	1,08E-06	7,836
ENSG00000160691	SHC1	P coding	0,71	1,64	6,83	5,55	4,10E-08	1,08E-06	7,833
ENSG00000262089	AC040977.1	lncRNA	0,58	1,50	1,90	5,55	4,15E-08	1,10E-06	7,820
ENSG00000271002	AC129492.5	PP	0,27	1,21	0,37	5,55	4,22E-08	1,11E-06	7,804
ENSG00000109118	PHF12	P coding	0,42	1,34	5,23	5,55	4,27E-08	1,13E-06	7,792
ENSG00000262728	AC123768.3	lncRNA	0,39	1,31	1,17	5,54	4,45E-08	1,17E-06	7,753
ENSG00000204947	ZNF425	P coding	0,42	1,34	1,69	5,54	4,45E-08	1,17E-06	7,753

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000233306	TRGV2	TR_V_gene	0,68	1,61	1,12	5,54	4,47E-08	1,17E-06	7,749
ENSG00000243926	TIPARP-AS1	lncRNA	0,58	1,49	1,49	5,54	4,49E-08	1,18E-06	7,744
ENSG00000173349	SFT2D3	P coding	0,89	1,86	1,45	5,53	4,62E-08	1,21E-06	7,716
ENSG00000271538	LINC02427	lncRNA	0,56	1,47	1,62	5,53	4,63E-08	1,21E-06	7,715
ENSG00000143376	SNX27	P coding	0,47	1,39	2,91	5,53	4,80E-08	1,25E-06	7,680
ENSG00000231261	HMGN2P10	PP	0,70	1,63	0,95	5,52	4,82E-08	1,26E-06	7,675
ENSG00000232645	LINC01431	lncRNA	0,57	1,48	2,39	5,51	5,12E-08	1,34E-06	7,617
ENSG00000253232	AC091144.1	PP	0,60	1,52	0,44	5,50	5,38E-08	1,40E-06	7,569
ENSG00000270177	AC104109.2	lncRNA	0,30	1,23	0,95	5,50	5,51E-08	1,43E-06	7,547
ENSG00000243176	AC092944.1	lncRNA	0,34	1,27	1,39	5,50	5,51E-08	1,43E-06	7,546
ENSG00000224807	DUX4L9	unPP	0,51	1,43	0,83	5,49	5,66E-08	1,47E-06	7,521
ENSG00000234494	SP2-AS1	lncRNA	0,43	1,35	2,06	5,49	5,79E-08	1,50E-06	7,498
ENSG00000266174	MIR4666A	miRNA	0,63	1,55	0,26	5,49	5,86E-08	1,52E-06	7,486
ENSG00000207062	SNORA15B-1	snoRNA	0,80	1,74	3,06	5,49	5,94E-08	1,54E-06	7,474
ENSG00000206785	SNORA15B-2	snoRNA	0,80	1,74	3,06	5,49	5,94E-08	1,54E-06	7,474
ENSG00000230424	EMC1-AS1	lncRNA	0,45	1,36	2,53	5,48	5,98E-08	1,54E-06	7,467
ENSG00000226200	SGMS1-AS1	lncRNA	0,42	1,33	1,50	5,47	6,37E-08	1,64E-06	7,407
ENSG00000120555	SEPTIN7P9	TUP	0,47	1,38	1,23	5,47	6,37E-08	1,64E-06	7,406
ENSG00000234772	LINC00412	lncRNA	0,31	1,24	0,53	5,47	6,40E-08	1,65E-06	7,402
ENSG00000159723	AGRP	P coding	0,26	1,20	0,31	5,47	6,47E-08	1,66E-06	7,392
ENSG00000232940	HCG25	lncRNA	0,51	1,42	3,89	5,46	6,92E-08	1,78E-06	7,326
ENSG00000178852	EFCAB13	P coding	0,59	1,51	3,53	5,45	7,09E-08	1,82E-06	7,302
ENSG00000267414	AC120049.1	lncRNA	0,45	1,37	2,96	5,45	7,18E-08	1,84E-06	7,290
ENSG00000260141	AC145350.2	lncRNA	0,64	1,56	1,73	5,45	7,28E-08	1,87E-06	7,277
ENSG00000127955	GNAI1	P coding	0,66	1,58	0,63	5,45	7,31E-08	1,87E-06	7,274
ENSG00000131941	RHPN2	P coding	0,66	1,58	2,49	5,45	7,33E-08	1,88E-06	7,270
ENSG00000240241	AC108752.1	lncRNA	0,76	1,69	2,32	5,44	7,45E-08	1,91E-06	7,255
ENSG00000225766	DHRS4L1	TUP	0,41	1,33	1,71	5,44	7,53E-08	1,92E-06	7,244
ENSG00000250853	RNF138P1	PP	0,26	1,20	0,35	5,44	7,57E-08	1,93E-06	7,240
ENSG00000226661	AC004973.1	lncRNA	0,33	1,26	1,06	5,44	7,62E-08	1,94E-06	7,234
ENSG00000178636	AC092656.1	TPP	0,25	1,19	0,89	5,44	7,65E-08	1,95E-06	7,230
ENSG00000227388	AL133410.1	lncRNA	0,49	1,40	1,45	5,44	7,74E-08	1,97E-06	7,218
ENSG00000163257	DCAF16	P coding	0,43	1,35	5,05	5,43	7,88E-08	2,00E-06	7,201
ENSG00000160654	CD3G	P coding	0,25	1,19	0,69	5,43	7,94E-08	2,02E-06	7,194
ENSG00000260669	AL096870.2	lncRNA	0,32	1,24	1,67	5,43	7,94E-08	2,02E-06	7,193
ENSG00000126709	IFI6	P coding	1,46	2,75	7,28	5,43	7,95E-08	2,02E-06	7,192
ENSG00000176236	RPP38-DT	lncRNA	0,30	1,23	0,76	5,43	8,16E-08	2,07E-06	7,167
ENSG00000115268	RPS15	P coding	-0,47	-1,38	10,89	-5,42	8,25E-08	2,09E-06	7,157
ENSG00000260798	AC099314.1	lncRNA	0,22	1,17	0,72	5,42	8,41E-08	2,13E-06	7,138
ENSG00000259424	IRAIN	lncRNA	0,64	1,56	0,62	5,41	8,82E-08	2,23E-06	7,093
ENSG00000267288	AC138150.2	lncRNA	-0,31	-1,24	0,98	-5,41	8,87E-08	2,24E-06	7,086
ENSG00000251992	SCARNA17	scaRNA	0,93	1,90	3,89	5,41	9,11E-08	2,30E-06	7,061
ENSG00000180019	AC079741.1	PP	0,60	1,51	1,35	5,40	9,28E-08	2,34E-06	7,043
ENSG00000230648	AL138831.1	lncRNA	0,54	1,45	1,08	5,40	9,32E-08	2,34E-06	7,039
ENSG00000273107	AL512598.1	lncRNA	0,69	1,61	1,26	5,40	9,60E-08	2,41E-06	7,010
ENSG00000266226	MIR4323	miRNA	0,84	1,79	1,11	5,40	9,62E-08	2,42E-06	7,008
ENSG00000227331	RPL7AP22	PP	0,36	1,28	0,55	5,38	1,03E-07	2,59E-06	6,940
ENSG00000246982	Z84485.1	lncRNA	0,48	1,39	2,60	5,38	1,06E-07	2,65E-06	6,916

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000254811	AP002001.1	TUP	0,32	1,25	0,48	5,37	1,11E-07	2,77E-06	6,873
ENSG00000200750	AC091038.1	misc_RNA	0,48	1,39	0,23	5,37	1,13E-07	2,83E-06	6,853
ENSG00000231028	LINC00271	lncRNA	0,37	1,29	1,18	5,36	1,14E-07	2,86E-06	6,843
ENSG00000122257	RBBP6	P coding	0,45	1,37	6,81	5,36	1,15E-07	2,86E-06	6,840
ENSG00000271614	ATP2B1-AS1	lncRNA	0,68	1,60	2,53	5,36	1,15E-07	2,88E-06	6,834
ENSG00000230590	FTX	lncRNA	0,47	1,39	3,17	5,36	1,15E-07	2,88E-06	6,833
ENSG00000254910	AC136475.2	lncRNA	0,94	1,91	4,34	5,36	1,17E-07	2,92E-06	6,818
ENSG00000261766	AC133550.3	lncRNA	0,32	1,25	0,91	5,35	1,20E-07	2,98E-06	6,797
ENSG00000272267	AC021242.3	lncRNA	0,55	1,46	1,36	5,35	1,21E-07	3,00E-06	6,791
ENSG00000144741	SLC25A26	P coding	-0,31	-1,24	4,66	-5,35	1,21E-07	3,01E-06	6,786
ENSG00000231711	LINC00899	lncRNA	0,62	1,54	1,19	5,35	1,23E-07	3,04E-06	6,774
ENSG00000087903	RFX2	P coding	0,45	1,37	1,67	5,35	1,24E-07	3,08E-06	6,762
ENSG00000179131	AC073335.1	PP	0,25	1,19	0,37	5,34	1,32E-07	3,27E-06	6,704
ENSG00000273320	AC007032.1	lncRNA	0,63	1,55	2,65	5,34	1,32E-07	3,28E-06	6,701
ENSG00000249988	AC092546.1	lncRNA	0,93	1,91	3,25	5,33	1,33E-07	3,29E-06	6,695
ENSG00000256742	KDM2B-DT	lncRNA	0,40	1,32	0,55	5,33	1,34E-07	3,31E-06	6,689
ENSG00000273361	AC021016.2	lncRNA	0,65	1,57	1,20	5,33	1,34E-07	3,32E-06	6,687
ENSG00000174748	RPL15	P coding	-0,39	-1,31	11,01	-5,33	1,37E-07	3,38E-06	6,668
ENSG00000267159	AC005379.1	lncRNA	0,38	1,30	0,82	5,33	1,38E-07	3,40E-06	6,662
ENSG00000242516	LINC00960	lncRNA	0,76	1,69	2,59	5,33	1,39E-07	3,43E-06	6,651
ENSG00000223797	ENTPD3-AS1	lncRNA	0,48	1,39	2,58	5,32	1,44E-07	3,54E-06	6,622
ENSG00000272143	FGF14-AS2	lncRNA	0,50	1,42	0,52	5,32	1,46E-07	3,58E-06	6,608
ENSG00000253948	VPS13B-DT	lncRNA	0,52	1,43	3,62	5,32	1,46E-07	3,58E-06	6,608
ENSG00000260651	AF213884.3	lncRNA	0,48	1,40	1,27	5,32	1,47E-07	3,61E-06	6,599
ENSG00000182774	RPS17	P coding	-0,53	-1,44	11,91	-5,31	1,51E-07	3,69E-06	6,575
ENSG00000161939	RNASEK-C17orf49	P coding	0,50	1,41	1,37	5,31	1,54E-07	3,76E-06	6,557
ENSG00000132005	RFX1	P coding	0,40	1,32	3,66	5,30	1,56E-07	3,82E-06	6,541
ENSG00000254648	AP000911.1	lncRNA	0,25	1,19	0,73	5,30	1,56E-07	3,82E-06	6,540
ENSG00000163633	C4orf36	P coding	0,42	1,33	3,23	5,30	1,57E-07	3,84E-06	6,535
ENSG00000268366	AC010271.1	lncRNA	0,48	1,39	1,42	5,30	1,58E-07	3,85E-06	6,532
ENSG00000263753	LINC00667	lncRNA	0,47	1,38	4,81	5,29	1,68E-07	4,09E-06	6,473
ENSG00000273218	AC005776.2	lncRNA	0,22	1,16	1,05	5,29	1,70E-07	4,14E-06	6,459
ENSG00000174990	CASA	P coding	0,48	1,40	1,13	5,29	1,72E-07	4,18E-06	6,449
ENSG00000268683	AC020910.2	lncRNA	0,47	1,39	1,94	5,29	1,72E-07	4,19E-06	6,447
ENSG00000272476	AL024507.3	lncRNA	0,33	1,26	1,26	5,28	1,73E-07	4,20E-06	6,444
ENSG00000235358	AC093151.2	lncRNA	0,26	1,20	0,43	5,28	1,74E-07	4,22E-06	6,439
ENSG00000141371	C17orf64	P coding	0,34	1,27	0,41	5,28	1,75E-07	4,24E-06	6,432
ENSG00000163463	KRTCAP2	P coding	0,62	1,54	9,35	5,28	1,77E-07	4,28E-06	6,422
ENSG00000250635	CXXC5-AS1	lncRNA	0,43	1,34	0,81	5,28	1,77E-07	4,29E-06	6,419
ENSG00000114942	EEF1B2	P coding	-0,47	-1,39	10,72	-5,28	1,78E-07	4,31E-06	6,414
ENSG00000273308	AC024560.3	lncRNA	0,73	1,65	2,61	5,28	1,79E-07	4,33E-06	6,409
ENSG00000247092	SNHG10	lncRNA	0,47	1,38	3,76	5,28	1,79E-07	4,33E-06	6,409
ENSG00000230470	AL078645.1	lncRNA	0,39	1,31	0,30	5,27	1,82E-07	4,40E-06	6,393
ENSG00000176909	MAMSTR	P coding	0,30	1,23	0,60	5,27	1,90E-07	4,59E-06	6,350
ENSG00000257267	ZNF271P	TUnP	0,49	1,41	3,27	5,27	1,91E-07	4,60E-06	6,347
ENSG00000111305	GSG1	P coding	0,21	1,16	0,67	5,26	1,94E-07	4,65E-06	6,334
ENSG00000251609	SETP12	PP	0,36	1,28	0,47	5,26	1,94E-07	4,66E-06	6,332
ENSG00000189143	CLDN4	P coding	0,35	1,28	0,55	5,26	1,95E-07	4,67E-06	6,330

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000254772	EEF1G	P coding	-0,42	-1,34	11,17	-5,26	1,95E-07	4,67E-06	6,328
ENSG00000235101	SETP9	TPP	0,49	1,40	1,09	5,26	1,96E-07	4,68E-06	6,323
ENSG00000232969	AP001062.2	lncRNA	0,88	1,84	1,80	5,25	2,05E-07	4,89E-06	6,281
ENSG00000253719	ATXN7L3B	P coding	0,37	1,29	5,23	5,25	2,05E-07	4,90E-06	6,278
ENSG00000270504	AL391422.4	lncRNA	0,36	1,28	0,45	5,25	2,07E-07	4,93E-06	6,271
ENSG00000170889	RPS9	P coding	-0,42	-1,33	10,88	-5,25	2,11E-07	5,02E-06	6,253
ENSG00000174206	C12orf66	P coding	0,41	1,33	3,01	5,25	2,11E-07	5,02E-06	6,252
ENSG00000260207	DUX4L47	PP	0,36	1,29	0,33	5,24	2,14E-07	5,08E-06	6,240
ENSG00000167658	EEF2	P coding	-0,50	-1,41	10,43	-5,24	2,14E-07	5,08E-06	6,240
ENSG00000259687	LINC01220	lncRNA	0,79	1,73	1,64	5,24	2,20E-07	5,22E-06	6,213
ENSG00000255198	SNHG9	lncRNA	0,54	1,46	6,57	5,23	2,27E-07	5,38E-06	6,183
ENSG00000153498	SPACA7	P coding	0,24	1,18	0,65	5,23	2,28E-07	5,41E-06	6,176
ENSG00000234215	CT66	lncRNA	0,27	1,20	0,15	5,23	2,31E-07	5,47E-06	6,164
ENSG00000256092	SBN01-AS1	lncRNA	0,47	1,38	1,99	5,23	2,35E-07	5,55E-06	6,150
ENSG00000231160	KLF3-AS1	lncRNA	0,66	1,58	2,96	5,23	2,36E-07	5,57E-06	6,146
ENSG00000253854	AC010834.3	lncRNA	0,38	1,30	1,22	5,22	2,37E-07	5,61E-06	6,139
ENSG00000207275	RNU6-441P	snRNA	0,51	1,43	0,25	5,22	2,43E-07	5,74E-06	6,115
ENSG00000230454	U73166.1	lncRNA	0,44	1,36	1,65	5,22	2,45E-07	5,77E-06	6,110
ENSG00000258465	AL139011.2	P coding	0,25	1,19	0,75	5,22	2,45E-07	5,77E-06	6,108
ENSG00000240250	RN7SL541P	misc_RNA	0,36	1,28	1,01	5,22	2,47E-07	5,82E-06	6,100
ENSG00000237765	FAM200B	P coding	0,50	1,41	2,88	5,21	2,56E-07	6,02E-06	6,066
ENSG00000273367	AL355472.3	lncRNA	0,41	1,33	0,45	5,21	2,58E-07	6,07E-06	6,057
ENSG00000271200	AC099791.2	lncRNA	0,31	1,24	0,39	5,21	2,59E-07	6,08E-06	6,054
ENSG00000108786	HSD17B1	P coding	0,26	1,20	1,21	5,21	2,59E-07	6,08E-06	6,054
ENSG00000229372	SZT2-AS1	lncRNA	0,29	1,22	0,51	5,21	2,61E-07	6,13E-06	6,046
ENSG00000184260	H2AC20	P coding	0,96	1,95	5,22	5,20	2,65E-07	6,22E-06	6,031
ENSG00000197768	STPG3	P coding	0,44	1,35	0,86	5,20	2,66E-07	6,23E-06	6,027
ENSG00000260238	PMF1-BGLAP	P coding	0,42	1,34	2,43	5,20	2,67E-07	6,23E-06	6,027
ENSG00000231970	AL355490.3	lncRNA	0,41	1,33	1,58	5,20	2,70E-07	6,31E-06	6,014
ENSG00000272519	AC079610.2	lncRNA	0,67	1,59	0,73	5,20	2,71E-07	6,33E-06	6,009
ENSG00000125827	TMX4	P coding	0,72	1,65	4,21	5,19	2,76E-07	6,44E-06	5,993
ENSG00000261476	AC009163.4	lncRNA	0,25	1,19	0,61	5,19	2,81E-07	6,55E-06	5,975
ENSG00000167371	PRRT2	P coding	0,39	1,31	1,03	5,19	2,82E-07	6,57E-06	5,972
ENSG00000135776	ABCB10	P coding	0,43	1,35	3,74	5,19	2,88E-07	6,69E-06	5,953
ENSG00000185885	IFITM1	P coding	1,07	2,09	8,27	5,19	2,88E-07	6,70E-06	5,951
ENSG00000259066	AL110118.2	P coding	0,30	1,23	0,56	5,18	2,95E-07	6,84E-06	5,930
ENSG00000269892	AC125494.2	lncRNA	0,29	1,23	1,41	5,18	2,98E-07	6,91E-06	5,920
ENSG00000253515	AC018682.2	lncRNA	0,37	1,29	2,43	5,18	3,01E-07	6,98E-06	5,910
ENSG00000272221	AL645933.3	lncRNA	0,53	1,44	2,19	5,17	3,10E-07	7,17E-06	5,882
ENSG00000267270	PARD6G-AS1	lncRNA	0,74	1,67	1,75	5,17	3,16E-07	7,31E-06	5,863
ENSG00000185650	ZFP36L1	P coding	0,76	1,69	5,79	5,17	3,20E-07	7,41E-06	5,850
ENSG00000226396	AL031727.1	PP	0,59	1,51	2,57	5,16	3,24E-07	7,48E-06	5,840
ENSG00000206957	AC025270.1	misc_RNA	0,96	1,95	1,43	5,16	3,25E-07	7,50E-06	5,837
ENSG00000213062	Z99572.1	lncRNA	0,43	1,35	1,07	5,16	3,32E-07	7,67E-06	5,814
ENSG00000143409	MINDY1	P coding	0,54	1,46	4,24	5,15	3,44E-07	7,93E-06	5,781
ENSG00000137818	RPLP1	P coding	-0,47	-1,39	12,40	-5,15	3,51E-07	8,07E-06	5,763
ENSG00000226419	SLC16A1-AS1	lncRNA	0,35	1,27	2,38	5,15	3,53E-07	8,12E-06	5,757
ENSG00000236829	Z97634.1	TPP	0,29	1,22	1,40	5,14	3,57E-07	8,19E-06	5,747

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000232480	TGFB2-AS1	lncRNA	0,66	1,58	0,68	5,14	3,57E-07	8,19E-06	5,747
ENSG00000183935	HTR7P1	TPP	0,33	1,25	0,67	5,14	3,61E-07	8,28E-06	5,735
ENSG00000221916	C19orf73	P coding	0,41	1,33	2,37	5,14	3,61E-07	8,28E-06	5,734
ENSG00000180867	PDIA3P1	TPP	0,52	1,44	2,05	5,14	3,74E-07	8,57E-06	5,700
ENSG00000164620	RELL2	P coding	-0,71	-1,63	3,84	-5,13	3,75E-07	8,58E-06	5,698
ENSG00000241622	RARRES2P1	PP	0,47	1,39	0,36	5,13	3,75E-07	8,58E-06	5,698
ENSG00000253582	AC090579.1	lncRNA	0,40	1,32	1,54	5,13	3,79E-07	8,67E-06	5,687
ENSG00000233893	EZR-AS1	lncRNA	0,69	1,62	2,85	5,13	3,80E-07	8,68E-06	5,685
ENSG00000136895	GARNL3	P coding	-0,60	-1,52	3,26	-5,13	3,90E-07	8,90E-06	5,660
ENSG00000254859	AC067930.3	lncRNA	0,51	1,43	1,23	5,13	3,90E-07	8,90E-06	5,660
ENSG00000177917	ARL6IP6	P coding	0,50	1,42	4,34	5,13	3,91E-07	8,91E-06	5,658
ENSG00000248101	AC002116.1	lncRNA	-0,51	-1,42	1,87	-5,12	3,97E-07	9,03E-06	5,644
ENSG00000007341	ST7L	P coding	0,35	1,28	4,05	5,12	3,99E-07	9,07E-06	5,639
ENSG00000250053	RARRES2P4	PP	0,37	1,29	0,39	5,12	4,06E-07	9,23E-06	5,621
ENSG00000105373	NOP53	P coding	-0,58	-1,49	8,91	-5,12	4,13E-07	9,38E-06	5,605
ENSG00000230010	AL049646.1	lncRNA	0,27	1,21	1,11	5,11	4,16E-07	9,43E-06	5,599
ENSG00000149273	RPS3	P coding	-0,49	-1,40	11,55	-5,11	4,25E-07	9,63E-06	5,577
ENSG00000164404	GDF9	P coding	0,40	1,32	1,59	5,11	4,25E-07	9,63E-06	5,577
ENSG00000144026	ZNF514	P coding	0,60	1,51	3,43	5,10	4,38E-07	9,90E-06	5,550
ENSG00000206921	RNU6-481P	snRNA	0,95	1,93	3,93	5,10	4,38E-07	9,90E-06	5,549
ENSG00000256712	AC134349.1	lncRNA	0,34	1,26	2,68	5,10	4,55E-07	1,03E-05	5,513
ENSG00000237491	LINC01409	lncRNA	0,52	1,43	4,99	5,10	4,56E-07	1,03E-05	5,510
ENSG00000140451	PIF1	P coding	-0,87	-1,83	4,55	-5,09	4,64E-07	1,05E-05	5,494
ENSG00000176933	TOB2P1	PP	0,48	1,39	0,97	5,09	4,69E-07	1,06E-05	5,484
ENSG00000188343	FAM92A	P coding	0,54	1,45	2,42	5,09	4,72E-07	1,06E-05	5,478
ENSG00000266507	MIR4479	miRNA	0,75	1,69	0,88	5,08	4,84E-07	1,09E-05	5,453
ENSG00000157653	C9orf43	P coding	0,35	1,28	1,37	5,08	4,90E-07	1,10E-05	5,440
ENSG00000227097	RPS28P7	PP	-0,48	-1,39	11,59	-5,08	4,91E-07	1,10E-05	5,439
ENSG00000221102	SNORA11B	snRNA	0,53	1,44	0,41	5,08	4,96E-07	1,11E-05	5,430
ENSG00000166478	ZNF143	P coding	0,38	1,30	3,86	5,08	4,97E-07	1,11E-05	5,428
ENSG00000197837	H4-16	P coding	0,67	1,59	4,27	5,08	5,07E-07	1,14E-05	5,408
ENSG00000250848	AC021087.2	PP	0,24	1,18	0,54	5,07	5,18E-07	1,16E-05	5,388
ENSG00000197296	FITM2	P coding	0,49	1,41	2,78	5,07	5,26E-07	1,18E-05	5,374
ENSG00000227109	CRIP1P3	PP	0,34	1,27	0,27	5,07	5,30E-07	1,18E-05	5,366
ENSG00000171222	SCAND1	P coding	0,36	1,28	6,41	5,07	5,31E-07	1,19E-05	5,364
ENSG00000272121	AC006058.3	lncRNA	0,75	1,69	1,57	5,06	5,36E-07	1,19E-05	5,356
ENSG00000224046	AC005076.2	lncRNA	0,38	1,30	2,37	5,05	5,66E-07	1,26E-05	5,302
ENSG00000204860	FAM201A	lncRNA	0,42	1,33	0,63	5,05	5,70E-07	1,27E-05	5,297
ENSG00000188846	RPL14	P coding	-0,43	-1,35	10,42	-5,05	5,84E-07	1,30E-05	5,273
ENSG00000265778	AC018413.1	lncRNA	0,33	1,26	0,22	5,05	5,84E-07	1,30E-05	5,273
ENSG00000108107	RPL28	P coding	-0,47	-1,39	11,09	-5,05	5,86E-07	1,30E-05	5,270
ENSG00000216915	GPR89P	PP	0,27	1,21	0,23	5,05	5,86E-07	1,30E-05	5,269
ENSG00000214900	LINC01588	lncRNA	0,33	1,26	1,03	5,04	5,93E-07	1,31E-05	5,258
ENSG00000160783	PMF1	P coding	0,37	1,30	5,56	5,04	6,11E-07	1,35E-05	5,229
ENSG00000235852	AC005540.1	lncRNA	0,56	1,48	3,41	5,04	6,13E-07	1,36E-05	5,226
ENSG00000152061	RABGAP1L	P coding	0,45	1,37	5,61	5,03	6,34E-07	1,40E-05	5,194
ENSG00000152763	WDR78	P coding	0,40	1,32	1,51	5,03	6,50E-07	1,43E-05	5,170
ENSG00000158428	CATIP	P coding	0,21	1,16	0,63	5,03	6,52E-07	1,44E-05	5,168

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000186184	POLR1D	P coding	-0,41	-1,33	6,60	-5,02	6,55E-07	1,44E-05	5,163
ENSG00000261089	CDC37P2	PP	0,57	1,48	1,35	5,02	6,69E-07	1,47E-05	5,143
ENSG00000236935	AP003774.2	lncRNA	-0,60	-1,51	2,24	-5,02	6,72E-07	1,48E-05	5,138
ENSG00000272049	AC091965.4	lncRNA	0,39	1,31	1,21	5,02	6,77E-07	1,49E-05	5,132
ENSG00000231858	AC067945.2	lncRNA	0,69	1,62	2,02	5,01	7,03E-07	1,54E-05	5,095
ENSG00000273402	AC004908.3	lncRNA	0,46	1,37	1,28	5,00	7,31E-07	1,60E-05	5,057
ENSG00000160710	ADAR	P coding	0,48	1,39	7,39	5,00	7,37E-07	1,62E-05	5,049
ENSG00000254635	WAC-AS1	lncRNA	0,44	1,35	3,66	4,99	7,72E-07	1,69E-05	5,004
ENSG00000267226	AC104971.1	lncRNA	0,43	1,35	1,20	4,99	7,84E-07	1,72E-05	4,990
ENSG00000182625	AC091046.1	PP	0,27	1,21	0,22	4,99	7,90E-07	1,73E-05	4,983
ENSG00000247271	ZBED5-AS1	lncRNA	0,47	1,39	3,86	4,99	7,94E-07	1,73E-05	4,979
ENSG00000234492	RPL34-AS1	lncRNA	0,21	1,16	0,60	4,98	8,00E-07	1,75E-05	4,971
ENSG00000250950	AC093752.2	lncRNA	0,54	1,46	3,34	4,98	8,01E-07	1,75E-05	4,970
ENSG00000234181	AL353795.2	lncRNA	0,28	1,22	0,62	4,98	8,09E-07	1,76E-05	4,960
ENSG00000259467	NDUF4F4P1	PP	0,31	1,24	0,88	4,98	8,13E-07	1,77E-05	4,956
ENSG00000267811	AP001160.2	lncRNA	0,33	1,25	1,10	4,98	8,13E-07	1,77E-05	4,955
ENSG00000261291	AC007906.1	lncRNA	0,24	1,18	0,49	4,98	8,23E-07	1,79E-05	4,943
ENSG00000249487	LINC01586	lncRNA	0,30	1,23	0,98	4,98	8,26E-07	1,80E-05	4,940
ENSG00000232671	ZNF687-AS1	lncRNA	0,44	1,36	2,12	4,98	8,27E-07	1,80E-05	4,939
ENSG00000272103	AC026741.1	lncRNA	0,33	1,25	0,49	4,98	8,32E-07	1,80E-05	4,934
ENSG0000030419	IKZF2	P coding	0,51	1,43	1,69	4,98	8,35E-07	1,81E-05	4,929
ENSG00000101608	MYL12A	P coding	0,47	1,39	8,15	4,98	8,36E-07	1,81E-05	4,929
ENSG00000166046	TCP11L2	P coding	0,63	1,55	4,52	4,97	8,48E-07	1,84E-05	4,915
ENSG00000206815	RNU6-483P	snRNA	0,90	1,87	1,39	4,96	8,82E-07	1,91E-05	4,877
ENSG00000238754	SCARNA18B	snoRNA	0,71	1,64	0,87	4,96	8,86E-07	1,91E-05	4,873
ENSG00000225579	EDNRB-AS1	lncRNA	-0,74	-1,67	2,02	-4,96	8,87E-07	1,91E-05	4,872
ENSG00000229671	LINC01150	lncRNA	0,50	1,42	1,89	4,96	8,89E-07	1,92E-05	4,870
ENSG00000273394	AC128687.2	lncRNA	0,49	1,41	1,66	4,96	8,95E-07	1,93E-05	4,863
ENSG00000265386	RN7SL219P	misc_RNA	0,29	1,22	0,42	4,96	9,20E-07	1,98E-05	4,837
ENSG00000132481	TRIM47	P coding	0,73	1,66	3,87	4,96	9,27E-07	1,99E-05	4,830
ENSG00000120333	MRPS14	P coding	0,50	1,41	4,61	4,95	9,33E-07	2,00E-05	4,824
ENSG00000110811	P3H3	P coding	-1,18	-2,26	3,18	-4,95	9,38E-07	2,01E-05	4,818
ENSG00000233393	AP000688.2	lncRNA	0,28	1,21	0,93	4,95	9,43E-07	2,02E-05	4,813
ENSG00000162722	TRIM58	P coding	0,52	1,44	0,72	4,95	9,49E-07	2,03E-05	4,807
ENSG00000223820	CFL1P1	TUP	0,33	1,26	1,88	4,95	9,56E-07	2,05E-05	4,800
ENSG00000273243	Z82243.1	lncRNA	0,37	1,29	1,03	4,94	9,79E-07	2,09E-05	4,778
ENSG00000162191	UBXN1	P coding	-0,37	-1,30	6,49	-4,94	9,86E-07	2,11E-05	4,771
ENSG00000265148	TSPOAP1-AS1	lncRNA	0,44	1,36	1,70	4,94	1,00E-06	2,15E-05	4,752
ENSG00000116584	ARHGEF2	P coding	0,63	1,55	6,45	4,93	1,02E-06	2,18E-05	4,735
ENSG00000215859	PDZK1P1	TUP	0,21	1,16	0,56	4,93	1,05E-06	2,24E-05	4,712
ENSG00000265451	AC012447.1	lncRNA	0,53	1,45	2,31	4,93	1,06E-06	2,27E-05	4,698
ENSG00000240771	ARHGEF25	P coding	-0,73	-1,65	2,92	-4,93	1,07E-06	2,27E-05	4,694
ENSG00000261873	SMIM36	P coding	0,24	1,18	0,73	4,92	1,08E-06	2,30E-05	4,681
ENSG00000241333	RN7SL385P	misc_RNA	0,32	1,25	0,47	4,92	1,09E-06	2,31E-05	4,677
ENSG00000231566	LINC02595	lncRNA	0,31	1,24	0,80	4,92	1,10E-06	2,34E-05	4,663
ENSG00000228037	AL139246.3	lncRNA	0,46	1,38	1,84	4,92	1,10E-06	2,34E-05	4,662
ENSG00000168264	IRF2BP2	P coding	0,69	1,62	7,14	4,91	1,14E-06	2,41E-05	4,633
ENSG00000251867	AC009812.1	lncRNA	0,61	1,53	2,49	4,91	1,14E-06	2,42E-05	4,629

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000112031	MTRF1L	P coding	0,39	1,31	4,08	4,90	1,19E-06	2,52E-05	4,590
ENSG00000006638	TBXA2R	P coding	0,21	1,16	0,64	4,90	1,20E-06	2,54E-05	4,579
ENSG00000258820	AF111167.1	lncRNA	0,33	1,26	1,43	4,90	1,21E-06	2,55E-05	4,577
ENSG00000235413	KRT18P63	PP	0,28	1,21	0,88	4,90	1,21E-06	2,56E-05	4,572
ENSG00000235145	RPSAP16	PP	0,38	1,30	0,61	4,90	1,22E-06	2,57E-05	4,568
ENSG00000144659	SLC25A38	P coding	-0,29	-1,22	5,47	-4,90	1,23E-06	2,60E-05	4,555
ENSG00000225342	LRRK2-DT	lncRNA	0,83	1,78	1,86	4,90	1,24E-06	2,62E-05	4,547
ENSG00000234174	AC016683.1	lncRNA	0,33	1,25	0,72	4,89	1,25E-06	2,62E-05	4,546
ENSG00000254762	AP001107.7	lncRNA	0,35	1,28	0,54	4,89	1,25E-06	2,62E-05	4,544
ENSG00000224728	IMPDH1P8	PP	0,30	1,23	0,63	4,89	1,26E-06	2,65E-05	4,534
ENSG00000239122	RNU2-11P	snRNA	0,50	1,41	0,61	4,89	1,27E-06	2,66E-05	4,530
ENSG00000229922	LINC02865	lncRNA	0,60	1,52	1,09	4,89	1,28E-06	2,69E-05	4,519
ENSG00000272173	U47924.2	lncRNA	0,62	1,53	3,34	4,88	1,31E-06	2,74E-05	4,498
ENSG00000099326	MZF1	P coding	-0,50	-1,42	5,59	-4,88	1,31E-06	2,74E-05	4,497
ENSG00000090863	GLG1	P coding	0,49	1,41	6,51	4,88	1,32E-06	2,77E-05	4,489
ENSG00000167749	KLK4	P coding	0,33	1,26	0,94	4,88	1,33E-06	2,78E-05	4,484
ENSG00000264910	RN75L525P	misc_RNA	0,42	1,34	1,78	4,88	1,33E-06	2,78E-05	4,483
ENSG00000116497	S100BPB	P coding	0,55	1,46	5,14	4,88	1,35E-06	2,82E-05	4,466
ENSG00000137404	NRM	P coding	0,49	1,41	3,24	4,88	1,36E-06	2,84E-05	4,461
ENSG00000187187	ZNF546	P coding	0,40	1,32	2,67	4,88	1,37E-06	2,85E-05	4,455
ENSG00000183032	SLC25A21	P coding	0,44	1,36	1,89	4,87	1,39E-06	2,89E-05	4,442
ENSG00000123427	EEF1AKMT3	P coding	0,44	1,36	3,13	4,87	1,41E-06	2,92E-05	4,430
ENSG00000105640	RPL18A	P coding	-0,44	-1,36	11,73	-4,87	1,41E-06	2,92E-05	4,430
ENSG00000252045	AP000272.1	snRNA	0,65	1,57	0,99	4,87	1,42E-06	2,95E-05	4,419
ENSG00000259177	AC018946.1	lncRNA	0,35	1,27	1,10	4,87	1,44E-06	2,98E-05	4,409
ENSG00000174891	RSRC1	P coding	-0,39	-1,31	4,21	-4,86	1,46E-06	3,01E-05	4,396
ENSG00000269911	FAM226B	lncRNA	0,59	1,51	2,20	4,86	1,49E-06	3,07E-05	4,376
ENSG00000168028	RPSA	P coding	-0,42	-1,34	10,69	-4,86	1,49E-06	3,08E-05	4,373
ENSG00000262583	TMEM231P1	TUP	0,34	1,26	0,68	4,85	1,52E-06	3,14E-05	4,355
ENSG00000198034	RPS4X	P coding	-0,41	-1,33	10,83	-4,85	1,54E-06	3,17E-05	4,344
ENSG00000162819	BROX	P coding	0,46	1,37	4,47	4,85	1,57E-06	3,24E-05	4,323
ENSG00000180998	GPR137C	P coding	0,27	1,21	1,03	4,85	1,58E-06	3,25E-05	4,317
ENSG00000198358	AL354714.1	lncRNA	0,24	1,18	0,96	4,84	1,61E-06	3,31E-05	4,300
ENSG00000238098	ABCA17P	TUnP	0,35	1,28	0,83	4,84	1,62E-06	3,32E-05	4,297
ENSG00000168743	NPNT	P coding	0,78	1,72	1,02	4,84	1,62E-06	3,33E-05	4,292
ENSG00000228382	ITPKB-IT1	lncRNA	0,35	1,28	0,60	4,84	1,63E-06	3,34E-05	4,289
ENSG00000182899	RPL35A	P coding	-0,41	-1,32	11,24	-4,84	1,66E-06	3,40E-05	4,269
ENSG00000161544	CYGB	P coding	0,43	1,35	0,71	4,84	1,67E-06	3,41E-05	4,266
ENSG00000182195	LDOC1	P coding	1,22	2,33	1,11	4,83	1,70E-06	3,48E-05	4,247
ENSG00000148303	RPL7A	P coding	-0,46	-1,37	11,77	-4,83	1,72E-06	3,51E-05	4,237
ENSG00000222790	RNU4-14P	snRNA	0,47	1,38	0,29	4,83	1,72E-06	3,52E-05	4,235
ENSG00000267565	AC011477.2	lncRNA	0,56	1,47	3,05	4,82	1,78E-06	3,63E-05	4,203
ENSG00000173080	RXFP4	P coding	0,26	1,20	0,50	4,82	1,82E-06	3,71E-05	4,182
ENSG00000231441	DST-AS1	lncRNA	0,38	1,30	0,69	4,81	1,85E-06	3,77E-05	4,165
ENSG00000156384	SFR1	P coding	0,50	1,41	3,03	4,81	1,86E-06	3,77E-05	4,164
ENSG00000012061	ERCC1	P coding	-0,32	-1,25	6,13	-4,81	1,86E-06	3,79E-05	4,160
ENSG00000198081	ZBTB14	P coding	0,47	1,38	3,02	4,81	1,88E-06	3,81E-05	4,153
ENSG00000174444	RPL4	P coding	-0,44	-1,36	11,90	-4,81	1,91E-06	3,87E-05	4,137

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000184307	ZDHC23	P coding	-0,50	-1,42	3,62	-4,81	1,91E-06	3,88E-05	4,134
ENSG00000002586	CD99	P coding	1,50	2,83	3,30	4,80	1,94E-06	3,93E-05	4,123
ENSG00000078295	ADCY2	P coding	0,26	1,20	0,55	4,80	1,94E-06	3,94E-05	4,120
ENSG00000243910	TUBA4B	P coding	0,33	1,25	0,98	4,80	1,96E-06	3,96E-05	4,113
ENSG00000196668	LINC00173	lncRNA	0,83	1,77	1,98	4,80	1,97E-06	3,98E-05	4,106
ENSG00000105372	RPS19	P coding	-0,49	-1,41	12,42	-4,80	2,00E-06	4,03E-05	4,094
ENSG00000204954	C12orf73	P coding	0,56	1,47	3,74	4,80	2,01E-06	4,05E-05	4,090
ENSG00000261856	LINC02186	lncRNA	0,23	1,17	0,88	4,79	2,03E-06	4,08E-05	4,080
ENSG00000176058	TPRN	P coding	-0,37	-1,30	3,09	-4,79	2,04E-06	4,11E-05	4,074
ENSG00000204556	AL450124.1	unPP	0,74	1,67	1,80	4,79	2,05E-06	4,12E-05	4,071
ENSG00000204628	RACK1	P coding	-0,44	-1,36	11,13	-4,79	2,05E-06	4,13E-05	4,069
ENSG00000117479	SLC19A2	P coding	0,53	1,45	2,73	4,79	2,06E-06	4,15E-05	4,063
ENSG00000213262	VDAC2P3	PP	0,91	1,88	2,98	4,79	2,07E-06	4,15E-05	4,062
ENSG00000265727	RN7SL648P	misc_RNA	0,26	1,20	0,36	4,79	2,08E-06	4,17E-05	4,057
ENSG00000226944	AL031847.1	lncRNA	0,80	1,74	1,57	4,79	2,08E-06	4,17E-05	4,055
ENSG00000265828	MIR3939	miRNA	0,63	1,55	0,54	4,79	2,09E-06	4,18E-05	4,053
ENSG00000267575	AC006504.5	lncRNA	0,52	1,44	3,11	4,79	2,10E-06	4,20E-05	4,047
ENSG00000231890	DARS-AS1	lncRNA	0,36	1,28	3,07	4,79	2,10E-06	4,20E-05	4,047
ENSG00000166557	TMED3	P coding	-0,46	-1,37	6,52	-4,79	2,11E-06	4,23E-05	4,039
ENSG00000243187	CCDC39-AS1	lncRNA	0,29	1,23	0,42	4,78	2,14E-06	4,27E-05	4,029
ENSG00000266559	MIR4530	miRNA	0,87	1,83	2,53	4,78	2,21E-06	4,41E-05	3,998
ENSG00000215146	BX322639.1	TUP	0,35	1,28	0,69	4,78	2,23E-06	4,45E-05	3,989
ENSG00000255435	AP001267.3	lncRNA	0,41	1,33	1,87	4,77	2,23E-06	4,46E-05	3,987
ENSG00000206660	AL161932.1	misc_RNA	0,67	1,59	0,64	4,77	2,24E-06	4,46E-05	3,985
ENSG00000200651	AC111170.1	misc_RNA	0,54	1,45	0,32	4,77	2,25E-06	4,47E-05	3,982
ENSG00000164615	CAMLG	P coding	-0,36	-1,28	5,41	-4,77	2,26E-06	4,50E-05	3,976
ENSG00000255757	AC087894.1	PP	0,39	1,31	2,89	4,77	2,29E-06	4,55E-05	3,963
ENSG00000173581	CCDC106	P coding	-0,70	-1,62	3,26	-4,77	2,30E-06	4,58E-05	3,958
ENSG00000207205	RNVU1-15	snRNA	1,17	2,24	7,03	4,77	2,31E-06	4,58E-05	3,956
ENSG00000113356	POLR3G	P coding	0,39	1,31	2,64	4,77	2,32E-06	4,61E-05	3,949
ENSG00000228172	AL020996.1	lncRNA	0,35	1,28	1,14	4,76	2,41E-06	4,77E-05	3,915
ENSG00000227200	AL162724.1	lncRNA	0,38	1,30	0,47	4,75	2,48E-06	4,91E-05	3,887
ENSG00000200164	AC009131.1	misc_RNA	0,48	1,40	0,33	4,75	2,52E-06	4,99E-05	3,871
ENSG00000211802	TRAV22	TR_V_gene	0,39	1,31	0,28	4,75	2,54E-06	5,02E-05	3,866
ENSG00000251046	ZNF969P	PP	0,16	1,12	0,56	4,75	2,55E-06	5,03E-05	3,862
ENSG00000196632	WNK3	P coding	0,29	1,22	0,33	4,75	2,57E-06	5,07E-05	3,854
ENSG00000064607	SUGP2	P coding	-0,34	-1,27	5,92	-4,75	2,57E-06	5,07E-05	3,852
ENSG00000183971	NPW	P coding	0,47	1,39	0,95	4,75	2,57E-06	5,07E-05	3,852
ENSG00000258402	AC016526.1	lncRNA	0,32	1,25	1,14	4,74	2,59E-06	5,11E-05	3,844
ENSG00000089289	IGBP1	P coding	-0,29	-1,22	5,64	-4,74	2,63E-06	5,18E-05	3,830
ENSG00000232485	AC098820.2	lncRNA	0,35	1,27	2,09	4,74	2,64E-06	5,20E-05	3,827
ENSG00000135722	FBXL8	P coding	0,49	1,40	4,10	4,74	2,64E-06	5,20E-05	3,826
ENSG00000242259	C22orf39	P coding	0,36	1,28	4,63	4,74	2,67E-06	5,24E-05	3,818
ENSG00000134371	CDC73	P coding	0,41	1,33	4,06	4,74	2,68E-06	5,26E-05	3,812
ENSG00000141441	GAREM1	P coding	0,65	1,57	1,98	4,74	2,69E-06	5,28E-05	3,809
ENSG00000145014	TMEM44	P coding	0,44	1,35	2,27	4,73	2,73E-06	5,35E-05	3,795
ENSG00000228487	AL450263.1	lncRNA	-0,57	-1,49	2,74	-4,73	2,75E-06	5,40E-05	3,787
ENSG00000255428	AP002008.3	lncRNA	0,29	1,22	0,56	4,73	2,78E-06	5,44E-05	3,778

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000150281	CTF1	P coding	0,28	1,21	0,73	4,73	2,79E-06	5,45E-05	3,775
ENSG00000238082	AC009948.1	PP	0,26	1,20	0,66	4,73	2,79E-06	5,46E-05	3,774
ENSG00000263583	MIR4522	miRNA	0,44	1,36	0,28	4,73	2,80E-06	5,47E-05	3,772
ENSG00000230735	AC093423.2	lncRNA	0,47	1,38	1,33	4,73	2,80E-06	5,47E-05	3,770
ENSG00000231889	TRAF3IP2-AS1	lncRNA	0,34	1,27	2,83	4,73	2,83E-06	5,51E-05	3,762
ENSG00000221909	FAM200A	P coding	0,39	1,31	2,19	4,72	2,83E-06	5,52E-05	3,760
ENSG00000235330	RPL12P25	TPP	0,25	1,19	0,57	4,72	2,84E-06	5,54E-05	3,756
ENSG00000247774	PCED1B-AS1	lncRNA	-0,82	-1,76	6,22	-4,72	2,87E-06	5,58E-05	3,748
ENSG00000264548	AC132872.2	lncRNA	0,29	1,23	0,88	4,72	2,88E-06	5,60E-05	3,744
ENSG00000272767	JMJD1C-AS1	lncRNA	0,32	1,25	0,74	4,72	2,96E-06	5,75E-05	3,719
ENSG00000250786	SNHG18	lncRNA	0,92	1,89	2,28	4,71	2,98E-06	5,79E-05	3,711
ENSG00000273445	AC133644.1	lncRNA	1,07	2,09	3,26	4,71	3,00E-06	5,83E-05	3,704
ENSG00000273204	AC104506.1	lncRNA	0,44	1,36	0,53	4,71	3,03E-06	5,89E-05	3,694
ENSG00000186468	RPS23	P coding	-0,46	-1,38	11,72	-4,71	3,11E-06	6,02E-05	3,671
ENSG00000117625	RCOR3	P coding	0,43	1,34	5,44	4,70	3,16E-06	6,13E-05	3,655
ENSG00000228672	PROB1	P coding	0,42	1,34	1,92	4,70	3,17E-06	6,14E-05	3,653
ENSG00000187021	PNLIPRP1	P coding	0,23	1,17	0,58	4,70	3,18E-06	6,15E-05	3,649
ENSG00000185347	TEDC1	P coding	0,55	1,47	3,54	4,70	3,21E-06	6,20E-05	3,641
ENSG00000205485	AC004980.1	TUP	0,34	1,27	2,93	4,70	3,21E-06	6,20E-05	3,640
ENSG00000245534	RORA-AS1	lncRNA	0,34	1,27	2,57	4,70	3,23E-06	6,25E-05	3,633
ENSG00000131864	USP29	P coding	0,29	1,23	0,96	4,70	3,24E-06	6,25E-05	3,631
ENSG00000179240	GVQW3	P coding	0,47	1,39	2,27	4,70	3,25E-06	6,27E-05	3,627
ENSG00000184261	KCNK12	P coding	0,44	1,36	0,97	4,70	3,26E-06	6,28E-05	3,626
ENSG00000223967	AL603910.2	PP	0,31	1,24	0,18	4,69	3,28E-06	6,31E-05	3,620
ENSG00000244086	AC110749.1	PP	0,31	1,24	0,65	4,69	3,28E-06	6,31E-05	3,619
ENSG00000238061	AL356273.4	PP	0,32	1,25	0,99	4,69	3,29E-06	6,33E-05	3,615
ENSG00000252641	RNU6-678P	snRNA	0,81	1,76	1,16	4,69	3,32E-06	6,38E-05	3,608
ENSG00000267469	AC005944.1	lncRNA	-1,01	-2,02	3,89	-4,69	3,36E-06	6,45E-05	3,596
ENSG00000261731	AC074050.3	lncRNA	-0,45	-1,37	2,53	-4,69	3,38E-06	6,49E-05	3,590
ENSG00000129562	DAD1	P coding	0,36	1,28	8,35	4,68	3,43E-06	6,57E-05	3,576
ENSG00000138613	APH1B	P coding	-0,62	-1,53	3,99	-4,68	3,45E-06	6,59E-05	3,573
ENSG00000235706	DICER1-AS1	lncRNA	0,47	1,38	4,16	4,68	3,46E-06	6,61E-05	3,569
ENSG00000233791	LINC01136	lncRNA	0,63	1,55	1,74	4,68	3,47E-06	6,62E-05	3,567
ENSG00000215386	MIR99AHG	lncRNA	0,72	1,65	2,20	4,68	3,48E-06	6,64E-05	3,564
ENSG00000257696	AC010203.2	lncRNA	0,28	1,21	0,72	4,68	3,48E-06	6,65E-05	3,562
ENSG00000090447	TFAP4	P coding	0,46	1,37	3,25	4,68	3,54E-06	6,75E-05	3,547
ENSG00000267002	AC060780.1	lncRNA	0,45	1,36	3,06	4,68	3,55E-06	6,76E-05	3,544
ENSG00000207614	MIR193A	miRNA	0,57	1,48	0,50	4,67	3,59E-06	6,84E-05	3,533
ENSG00000104852	SNRNP70	P coding	-0,41	-1,33	8,73	-4,67	3,60E-06	6,84E-05	3,531
ENSG00000264530	RN7SL25P	misc_RNA	0,41	1,33	1,27	4,67	3,61E-06	6,86E-05	3,528
ENSG00000178149	DALRD3	P coding	-0,32	-1,25	4,71	-4,67	3,65E-06	6,93E-05	3,518
ENSG00000143437	ARNT	P coding	0,45	1,36	3,93	4,67	3,66E-06	6,95E-05	3,515
ENSG00000102910	LONP2	P coding	0,42	1,34	4,51	4,67	3,66E-06	6,95E-05	3,514
ENSG00000237310	AC008267.5	lncRNA	0,48	1,39	3,83	4,67	3,67E-06	6,96E-05	3,513
ENSG00000266313	AC026254.2	lncRNA	0,27	1,20	0,65	4,67	3,69E-06	7,00E-05	3,506
ENSG00000204991	SPIRE2	P coding	0,47	1,38	2,01	4,67	3,70E-06	7,01E-05	3,505
ENSG00000170464	DNAJC18	P coding	-0,46	-1,37	3,62	-4,67	3,75E-06	7,09E-05	3,493
ENSG00000267698	AC002116.2	lncRNA	0,26	1,20	0,84	4,66	3,79E-06	7,16E-05	3,482

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000213860	RPL21P75	PP	-0,51	-1,43	10,13	-4,66	3,80E-06	7,18E-05	3,479
ENSG00000116668	SWT1	P coding	0,48	1,39	3,88	4,66	3,81E-06	7,20E-05	3,476
ENSG00000147403	RPL10	P coding	-0,39	-1,31	12,48	-4,66	3,82E-06	7,21E-05	3,474
ENSG00000265735	RN7SL5P	misc_RNA	0,44	1,36	1,61	4,66	3,83E-06	7,22E-05	3,472
ENSG00000151422	FER	P coding	0,38	1,30	3,94	4,66	3,85E-06	7,26E-05	3,466
ENSG00000229646	AL109914.1	lncRNA	0,72	1,64	0,55	4,66	3,86E-06	7,27E-05	3,464
ENSG00000144713	RPL32	P coding	-0,40	-1,32	11,51	-4,66	3,90E-06	7,34E-05	3,454
ENSG00000180385	EMC3-AS1	TUP	0,41	1,32	2,28	4,66	3,90E-06	7,34E-05	3,454
ENSG00000143412	ANXA9	P coding	0,40	1,32	2,44	4,66	3,93E-06	7,38E-05	3,447
ENSG00000153485	TMEM251	P coding	0,51	1,42	3,88	4,65	3,95E-06	7,41E-05	3,443
ENSG00000138814	PPP3CA	P coding	0,44	1,35	4,23	4,65	3,95E-06	7,41E-05	3,442
ENSG00000253190	AC084082.1	lncRNA	0,26	1,20	0,54	4,65	3,99E-06	7,48E-05	3,433
ENSG00000263800	MIR5684	miRNA	0,80	1,74	1,35	4,65	4,00E-06	7,49E-05	3,431
ENSG00000162244	RPL29	P coding	-0,45	-1,36	11,04	-4,65	4,02E-06	7,52E-05	3,427
ENSG00000183718	TRIM52	P coding	0,39	1,31	5,29	4,65	4,09E-06	7,64E-05	3,410
ENSG00000250740	AC109361.2	lncRNA	0,23	1,17	0,16	4,65	4,12E-06	7,69E-05	3,403
ENSG00000176402	GJC3	P coding	0,30	1,23	0,41	4,64	4,21E-06	7,86E-05	3,381
ENSG00000271228	AL121655.1	lncRNA	0,34	1,27	0,81	4,64	4,24E-06	7,91E-05	3,374
ENSG00000135845	PIGC	P coding	0,37	1,29	4,74	4,64	4,27E-06	7,96E-05	3,368
ENSG00000231764	DLX6-AS1	lncRNA	0,26	1,20	0,70	4,64	4,27E-06	7,96E-05	3,367
ENSG00000224892	RPS4XP16	TPP	0,44	1,35	1,82	4,64	4,29E-06	7,98E-05	3,364
ENSG00000223804	AC244669.1	TUP	0,65	1,57	3,91	4,64	4,30E-06	7,99E-05	3,362
ENSG00000263050	AC090617.5	lncRNA	0,35	1,28	1,57	4,64	4,30E-06	7,99E-05	3,362
ENSG00000111254	AKAP3	P coding	0,41	1,33	1,78	4,64	4,31E-06	8,01E-05	3,358
ENSG00000249492	AC114956.2	lncRNA	0,34	1,27	2,05	4,64	4,32E-06	8,01E-05	3,357
ENSG00000272070	AC005618.1	lncRNA	0,48	1,40	1,17	4,64	4,32E-06	8,01E-05	3,357
ENSG00000219445	AC019155.2	lncRNA	0,25	1,19	1,20	4,63	4,40E-06	8,16E-05	3,339
ENSG00000242154	AC004884.2	lncRNA	0,36	1,28	0,99	4,63	4,42E-06	8,19E-05	3,335
ENSG00000252593	RNU6-1224P	snRNA	0,27	1,21	0,12	4,63	4,47E-06	8,28E-05	3,323
ENSG00000230516	AL589642.2	lncRNA	0,33	1,26	2,36	4,63	4,53E-06	8,38E-05	3,311
ENSG00000155111	CDK19	P coding	0,43	1,35	1,91	4,62	4,55E-06	8,41E-05	3,307
ENSG00000270542	AL356218.1	PP	0,33	1,26	0,30	4,62	4,56E-06	8,43E-05	3,305
ENSG00000183484	GPR132	P coding	0,51	1,43	1,16	4,62	4,57E-06	8,44E-05	3,303
ENSG00000237513	AC007384.1	lncRNA	0,61	1,53	5,44	4,62	4,68E-06	8,64E-05	3,280
ENSG00000241791	RN7SL817P	misc_RNA	0,36	1,28	1,00	4,62	4,70E-06	8,66E-05	3,277
ENSG00000135502	SLC26A10	P coding	-0,43	-1,35	1,10	-4,62	4,72E-06	8,70E-05	3,272
ENSG00000155366	RHOC	P coding	1,00	2,00	4,05	4,62	4,72E-06	8,70E-05	3,271
ENSG00000154734	ADAMTS1	P coding	0,82	1,77	0,74	4,61	4,78E-06	8,79E-05	3,260
ENSG00000270103	AL360012.1	lncRNA	0,95	1,93	6,17	4,61	4,80E-06	8,82E-05	3,256
ENSG00000230513	THAP7-AS1	lncRNA	0,38	1,30	1,89	4,61	4,82E-06	8,84E-05	3,252
ENSG00000186603	HPDL	P coding	0,58	1,50	1,62	4,61	4,83E-06	8,86E-05	3,249
ENSG00000092964	DPYSL2	P coding	0,66	1,58	0,89	4,61	4,86E-06	8,89E-05	3,245
ENSG00000228600	POLR2CP1	PP	0,54	1,45	1,31	4,61	4,86E-06	8,89E-05	3,245
ENSG00000258256	AC011773.3	lncRNA	0,25	1,19	0,94	4,61	4,87E-06	8,90E-05	3,243
ENSG00000196096	SPAG16-DT	lncRNA	0,36	1,28	2,78	4,61	4,96E-06	9,07E-05	3,224
ENSG00000251259	AC004069.1	lncRNA	0,46	1,37	1,10	4,61	4,96E-06	9,07E-05	3,224
ENSG00000235374	SSR4P1	TPP	0,42	1,34	1,45	4,61	4,97E-06	9,08E-05	3,222
ENSG00000261513	AC009097.4	lncRNA	0,47	1,39	1,02	4,61	4,97E-06	9,08E-05	3,222

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000221763	MIR1289-1	miRNA	0,30	1,23	0,16	4,60	5,00E-06	9,11E-05	3,218
ENSG00000243136	RN75L22P	misc_RNA	0,27	1,21	0,44	4,60	5,02E-06	9,15E-05	3,212
ENSG00000273058	AL359921.2	lncRNA	0,49	1,40	2,98	4,60	5,04E-06	9,18E-05	3,209
ENSG00000063177	RPL18	P coding	-0,43	-1,34	11,60	-4,60	5,05E-06	9,20E-05	3,207
ENSG00000143549	TPM3	P coding	0,43	1,35	7,34	4,60	5,09E-06	9,25E-05	3,201
ENSG00000175066	GK5	P coding	-0,40	-1,32	3,80	-4,60	5,12E-06	9,30E-05	3,195
ENSG00000111490	TBC1D30	P coding	0,80	1,74	2,82	4,60	5,17E-06	9,39E-05	3,185
ENSG00000222222	RNU2-17P	snRNA	0,67	1,59	1,79	4,60	5,20E-06	9,44E-05	3,179
ENSG00000265420	MIR4779	miRNA	0,30	1,23	0,13	4,60	5,21E-06	9,45E-05	3,178
ENSG00000133112	TPT1	P coding	-0,48	-1,39	12,29	-4,59	5,22E-06	9,45E-05	3,177
ENSG00000268364	SMC5-AS1	lncRNA	0,17	1,12	0,64	4,59	5,32E-06	9,63E-05	3,158
ENSG00000254298	AC008641.1	lncRNA	0,38	1,30	0,54	4,59	5,41E-06	9,78E-05	3,142
ENSG00000163479	SSR2	P coding	0,32	1,25	9,33	4,58	5,47E-06	9,88E-05	3,132
ENSG00000138378	STAT4	P coding	0,76	1,69	3,98	4,58	5,48E-06	9,91E-05	3,129
ENSG00000248866	USP46-AS1	lncRNA	0,45	1,37	2,49	4,58	5,51E-06	9,94E-05	3,125
ENSG00000123144	TRIR	P coding	-0,29	-1,22	7,61	-4,58	5,61E-06	0,000101255	3,107
ENSG00000163219	ARHGAP25	P coding	-0,41	-1,33	5,00	-4,58	5,62E-06	0,000101255	3,106
ENSG00000227455	AL450345.1	lncRNA	0,16	1,12	0,65	4,58	5,65E-06	0,000101763	3,101
ENSG00000187189	TSPYL4	P coding	0,43	1,35	3,19	4,57	5,77E-06	0,000103859	3,081
ENSG00000237953	RPS13P5	PP	0,24	1,18	0,33	4,57	5,79E-06	0,000104213	3,077
ENSG00000113100	CDH9	P coding	0,46	1,38	1,73	4,57	5,96E-06	0,000107194	3,050
ENSG00000131797	CLUHP3	TUP	-0,49	-1,40	3,66	-4,56	6,06E-06	0,000108719	3,034
ENSG00000152284	TCF7L1	P coding	0,32	1,25	1,76	4,56	6,08E-06	0,000109023	3,031
ENSG00000234832	NXT1-AS1	lncRNA	0,24	1,18	0,67	4,56	6,08E-06	0,000109023	3,030
ENSG00000260990	Z94057.1	lncRNA	-0,58	-1,49	0,83	-4,56	6,13E-06	0,000109775	3,023
ENSG00000231551	AC245100.4	TUP	0,27	1,21	0,69	4,56	6,13E-06	0,000109775	3,023
ENSG00000226397	C12orf77	lncRNA	0,53	1,45	2,11	4,56	6,14E-06	0,000109939	3,021
ENSG00000143198	MGST3	P coding	0,50	1,41	6,73	4,56	6,15E-06	0,000109976	3,020
ENSG00000254469	AP002495.1	P coding	0,37	1,29	2,68	4,55	6,38E-06	0,000114014	2,985
ENSG00000089351	GRAMD1A	P coding	-0,52	-1,43	5,28	-4,55	6,53E-06	0,000116619	2,963
ENSG00000130811	EIF3G	P coding	-0,27	-1,20	8,20	-4,54	6,59E-06	0,000117625	2,954
ENSG00000236740	AL033384.1	lncRNA	0,23	1,18	0,87	4,54	6,61E-06	0,000117898	2,951
ENSG00000251350	LINC02475	lncRNA	0,65	1,57	1,11	4,54	6,65E-06	0,000118479	2,946
ENSG00000264741	MIR4505	miRNA	0,84	1,79	1,40	4,54	6,73E-06	0,000119991	2,933
ENSG00000261613	AC093525.6	lncRNA	0,35	1,28	2,11	4,54	6,75E-06	0,000120129	2,931
ENSG00000238326	AC016596.2	snRNA	0,77	1,71	1,12	4,54	6,75E-06	0,000120174	2,930
ENSG00000235316	DUSP8P5	PP	0,39	1,31	3,58	4,54	6,76E-06	0,000120246	2,929
ENSG00000145741	BTF3	P coding	-0,28	-1,21	9,27	-4,54	6,80E-06	0,000120798	2,924
ENSG00000236839	AC069280.1	lncRNA	0,26	1,20	0,62	4,53	6,89E-06	0,000122296	2,912
ENSG00000169100	SLC25A6	P coding	-0,42	-1,34	8,88	-4,53	7,00E-06	0,000124187	2,897
ENSG00000140853	NLRCS	P coding	0,64	1,55	5,70	4,53	7,01E-06	0,000124306	2,895
ENSG00000179935	LINC00652	lncRNA	0,35	1,27	1,79	4,53	7,08E-06	0,000125584	2,885
ENSG00000247363	AC090061.1	lncRNA	0,28	1,21	1,40	4,53	7,10E-06	0,000125804	2,883
ENSG00000228742	LINC02577	lncRNA	0,38	1,30	1,71	4,53	7,11E-06	0,000125866	2,882
ENSG00000272137	AL451064.1	lncRNA	0,31	1,24	0,72	4,52	7,24E-06	0,000128099	2,864
ENSG00000207771	MIR550A1	miRNA	0,90	1,87	1,96	4,52	7,27E-06	0,000128502	2,861
ENSG00000265458	AC132938.4	lncRNA	0,42	1,33	4,23	4,52	7,42E-06	0,000131119	2,840
ENSG00000130147	SH3BP4	P coding	0,36	1,28	0,25	4,52	7,42E-06	0,000131119	2,840

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000258670	AL049874.3	lncRNA	0,36	1,29	2,25	4,52	7,45E-06	0,00013143	2,837
ENSG00000212951	BX005266.1	unPP	0,59	1,51	1,60	4,52	7,51E-06	0,000132414	2,830
ENSG00000265918	RN75L543P	misc_RNA	0,30	1,23	0,66	4,52	7,51E-06	0,000132423	2,829
ENSG00000233585	AC231533.2	TPP	0,26	1,20	0,52	4,51	7,55E-06	0,00013305	2,824
ENSG00000078795	PKD2L2	P coding	0,26	1,20	1,36	4,51	7,58E-06	0,000133441	2,821
ENSG00000212127	TAS2R14	P coding	0,33	1,25	1,51	4,51	7,65E-06	0,000134514	2,812
ENSG00000213742	ZNF337-AS1	lncRNA	0,34	1,26	2,72	4,51	7,69E-06	0,00013515	2,807
ENSG00000264857	MIR5696	miRNA	0,60	1,52	0,58	4,51	7,77E-06	0,000136497	2,797
ENSG00000130311	DDA1	P coding	-0,27	-1,20	5,90	-4,51	7,81E-06	0,000137	2,793
ENSG00000207181	SNORA14B	snoRNA	0,77	1,70	3,29	4,51	7,82E-06	0,000137175	2,791
ENSG00000198918	RPL39	P coding	-0,42	-1,34	11,96	-4,51	7,88E-06	0,000138214	2,783
ENSG00000163608	NEPRO	P coding	-0,30	-1,23	5,81	-4,50	7,95E-06	0,000139193	2,776
ENSG00000111276	CDKN1B	P coding	0,52	1,43	6,12	4,50	7,95E-06	0,000139218	2,775
ENSG00000003989	SLC7A2	P coding	0,23	1,18	0,19	4,50	7,98E-06	0,000139571	2,772
ENSG00000113272	THG1L	P coding	-0,48	-1,39	4,11	-4,50	7,99E-06	0,00013969	2,770
ENSG00000271018	AC013244.1	PP	0,45	1,36	0,75	4,50	8,04E-06	0,000140446	2,765
ENSG00000218510	LINC00339	lncRNA	0,41	1,33	4,69	4,50	8,04E-06	0,000140446	2,764
ENSG00000204228	HSD17B8	P coding	0,46	1,38	6,14	4,50	8,05E-06	0,000140539	2,763
ENSG00000090581	GNPTG	P coding	0,40	1,32	6,28	4,50	8,19E-06	0,000142827	2,747
ENSG00000228106	AL392172.1	lncRNA	0,44	1,35	4,25	4,49	8,46E-06	0,000147339	2,716
ENSG00000100218	RSPH14	P coding	0,37	1,29	1,01	4,49	8,49E-06	0,000147879	2,712
ENSG00000163584	RPL22L1	P coding	-0,53	-1,44	7,12	-4,49	8,57E-06	0,000149114	2,703
ENSG00000258344	AC078778.1	lncRNA	0,36	1,28	1,01	4,48	8,74E-06	0,000151897	2,685
ENSG00000272822	AC073610.2	P coding	0,37	1,29	1,05	4,48	8,83E-06	0,000153312	2,675
ENSG00000143420	ENSA	P coding	0,34	1,27	7,36	4,48	8,90E-06	0,000154448	2,667
ENSG00000233907	LINC01761	lncRNA	0,28	1,21	1,81	4,47	9,05E-06	0,000156913	2,652
ENSG00000234618	RPSAP9	PP	0,30	1,23	1,31	4,47	9,09E-06	0,000157561	2,647
ENSG00000138780	GSTCD	P coding	0,32	1,25	2,45	4,47	9,24E-06	0,000159913	2,632
ENSG00000086300	SNX10	P coding	-0,67	-1,59	2,74	-4,47	9,25E-06	0,000160109	2,631
ENSG00000269720	CCDC194	P coding	0,23	1,18	0,78	4,47	9,35E-06	0,000161744	2,620
ENSG00000249755	AC083829.1	PP	0,25	1,19	0,46	4,47	9,43E-06	0,000162921	2,613
ENSG00000197622	CDC42SE1	P coding	0,47	1,39	6,28	4,47	9,45E-06	0,000163203	2,611
ENSG00000137876	RSL24D1	P coding	-0,34	-1,27	7,10	-4,46	9,51E-06	0,00016421	2,604
ENSG00000237015	AL031186.1	lncRNA	-0,44	-1,35	2,52	-4,46	9,55E-06	0,000164727	2,601
ENSG00000225855	RUSC1-AS1	lncRNA	0,40	1,32	3,09	4,46	9,58E-06	0,000165227	2,597
ENSG00000180881	CAPS2	P coding	0,49	1,40	3,27	4,46	9,59E-06	0,000165281	2,596
ENSG00000042088	TDP1	P coding	0,37	1,29	4,12	4,46	9,63E-06	0,000165778	2,593
ENSG00000231187	AL356056.2	lncRNA	0,27	1,20	1,09	4,46	9,64E-06	0,000165974	2,591
ENSG00000167523	SPATA33	P coding	0,33	1,26	2,40	4,46	9,68E-06	0,000166456	2,588
ENSG00000163507	CIP2A	P coding	0,55	1,47	2,91	4,46	9,79E-06	0,00016826	2,577
ENSG00000259658	AC027559.1	TUP	0,78	1,72	3,03	4,46	9,79E-06	0,00016826	2,576
ENSG00000162607	USP1	P coding	0,42	1,34	3,94	4,46	9,88E-06	0,000169591	2,568
ENSG00000238012	AC114752.1	lncRNA	0,25	1,19	0,22	4,46	9,90E-06	0,000169756	2,566
ENSG00000196418	ZNF124	P coding	0,33	1,26	2,47	4,45	9,91E-06	0,000169756	2,565
ENSG00000272086	AC025181.2	lncRNA	0,34	1,27	3,85	4,45	9,91E-06	0,000169756	2,565
ENSG00000226824	AC006001.2	lncRNA	0,36	1,28	2,56	4,45	9,92E-06	0,000169756	2,565
ENSG00000252847	RNU2-46P	snRNA	0,86	1,82	1,41	4,45	9,92E-06	0,000169756	2,565
ENSG00000116977	LGALS8	P coding	0,46	1,38	4,90	4,45	1,00E-05	0,000171498	2,554

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000178074	C2orf69	P coding	0,29	1,22	3,58	4,45	1,00E-05	0,000171816	2,552
ENSG00000140474	ULK3	P coding	-0,51	-1,42	6,14	-4,45	1,01E-05	0,000172011	2,550
ENSG00000145592	RPL37	P coding	-0,41	-1,33	11,75	-4,45	1,01E-05	0,000172284	2,548
ENSG00000152475	ZNF837	P coding	-0,34	-1,27	1,59	-4,45	1,04E-05	0,000176355	2,524
ENSG00000226721	EEF1DP2	PP	0,26	1,20	0,29	4,45	1,04E-05	0,000176355	2,524
ENSG00000254675	AP003032.1	lncRNA	0,51	1,43	2,02	4,44	1,04E-05	0,000177074	2,519
ENSG00000221946	FXVD7	P coding	0,67	1,59	1,58	4,44	1,04E-05	0,000177705	2,515
ENSG00000143740	SNAP47	P coding	0,46	1,38	4,70	4,44	1,05E-05	0,000179053	2,507
ENSG00000228397	LINC01635	lncRNA	0,35	1,28	1,02	4,44	1,06E-05	0,00017957	2,504
ENSG00000266402	SNHG25	lncRNA	0,57	1,48	5,96	4,44	1,06E-05	0,000179721	2,502
ENSG00000167283	ATP5MG	P coding	-0,31	-1,24	8,76	-4,44	1,06E-05	0,000180539	2,497
ENSG00000121680	PEX16	P coding	-0,28	-1,22	5,97	-4,44	1,07E-05	0,000180612	2,496
ENSG00000177406	NINJ2-AS1	lncRNA	0,45	1,36	2,90	4,44	1,07E-05	0,000181482	2,491
ENSG00000223946	AL513008.1	lncRNA	0,65	1,57	0,81	4,44	1,07E-05	0,000181806	2,489
ENSG00000255760	LINC02422	lncRNA	0,74	1,67	1,18	4,44	1,08E-05	0,00018304	2,482
ENSG00000228606	AL139011.1	lncRNA	0,43	1,34	3,28	4,44	1,08E-05	0,000183145	2,481
ENSG00000257953	AC083805.2	lncRNA	0,22	1,16	0,52	4,43	1,09E-05	0,00018435	2,474
ENSG00000266611	MIR4703	miRNA	0,53	1,44	0,34	4,43	1,10E-05	0,000185809	2,466
ENSG00000206337	HCP5	lncRNA	0,70	1,62	4,61	4,43	1,11E-05	0,000187052	2,459
ENSG00000269296	AC005614.1	lncRNA	0,17	1,12	0,59	4,43	1,11E-05	0,000187204	2,458
ENSG00000107864	CPEB3	P coding	0,37	1,29	2,15	4,42	1,14E-05	0,000192284	2,431
ENSG00000171840	NINJ2	P coding	-0,49	-1,40	2,24	-4,42	1,14E-05	0,000192358	2,430
ENSG00000272269	AL138724.2	lncRNA	0,34	1,27	3,06	4,42	1,15E-05	0,000192772	2,428
ENSG00000165506	DNAAF2	P coding	0,46	1,38	4,34	4,42	1,15E-05	0,000192772	2,427
ENSG00000111679	PTPN6	P coding	0,57	1,48	7,56	4,42	1,15E-05	0,00019283	2,426
ENSG00000173320	STOX2	P coding	0,56	1,47	0,67	4,42	1,16E-05	0,000195323	2,413
ENSG00000227262	HCG4B	unPP	0,63	1,55	2,68	4,42	1,16E-05	0,000195483	2,412
ENSG00000106733	NMRK1	P coding	0,35	1,28	6,68	4,42	1,17E-05	0,000196204	2,408
ENSG00000176896	TCEANC	P coding	0,37	1,29	2,68	4,42	1,18E-05	0,000197209	2,402
ENSG00000175213	ZNF408	P coding	-0,42	-1,34	3,12	-4,42	1,18E-05	0,000197209	2,402
ENSG00000100442	FKBP3	P coding	0,36	1,29	5,82	4,41	1,20E-05	0,000200065	2,387
ENSG00000143815	LBR	P coding	0,46	1,37	4,99	4,41	1,20E-05	0,000200065	2,387
ENSG00000228203	RNF144A-AS1	lncRNA	0,25	1,19	0,82	4,41	1,20E-05	0,000201161	2,381
ENSG00000243782	RN7SL78P	misc_RNA	0,24	1,18	0,37	4,41	1,21E-05	0,000201797	2,377
ENSG00000142541	RPL13A	P coding	-0,41	-1,33	11,86	-4,41	1,22E-05	0,0002039	2,367
ENSG00000188021	UBQLN2	P coding	0,34	1,27	4,46	4,41	1,23E-05	0,000205691	2,358
ENSG00000226856	THORLNC	lncRNA	0,49	1,40	0,97	4,40	1,24E-05	0,000207142	2,350
ENSG00000269388	AC018755.3	TPP	0,60	1,52	2,42	4,40	1,24E-05	0,000207266	2,349
ENSG00000143575	HAX1	P coding	0,41	1,33	7,64	4,40	1,25E-05	0,000207532	2,347
ENSG00000270487	AL355297.1	lncRNA	0,85	1,81	2,08	4,40	1,25E-05	0,000207532	2,347
ENSG00000103942	HOMER2	P coding	0,93	1,91	3,86	4,40	1,26E-05	0,000208817	2,340
ENSG00000251298	AC093835.1	lncRNA	0,21	1,16	0,61	4,40	1,26E-05	0,000209619	2,336
ENSG00000269893	SNHG8	lncRNA	0,35	1,28	8,22	4,40	1,27E-05	0,000210533	2,331
ENSG00000260145	AC023825.2	lncRNA	0,22	1,17	0,46	4,40	1,27E-05	0,000210533	2,330
ENSG00000171608	PIK3CD	P coding	0,58	1,50	1,87	4,40	1,27E-05	0,000210533	2,330
ENSG00000111678	C12orf57	P coding	0,43	1,35	7,85	4,40	1,27E-05	0,000210533	2,330
ENSG00000267419	ZNF56	TUP	0,36	1,28	2,22	4,40	1,28E-05	0,000212473	2,321
ENSG00000143222	UFC1	P coding	0,31	1,24	7,61	4,40	1,29E-05	0,000214309	2,312

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000228830	AL160408.2	lncRNA	0,66	1,58	6,30	4,40	1,30E-05	0,000214504	2,310
ENSG00000165046	LETM2	P coding	0,47	1,38	2,73	4,39	1,30E-05	0,000214632	2,309
ENSG00000105612	DNASE2	P coding	-0,50	-1,42	5,82	-4,39	1,30E-05	0,000215357	2,306
ENSG00000162105	SHANK2	P coding	0,56	1,48	1,86	4,39	1,30E-05	0,000215418	2,305
ENSG00000231999	LRRC8C-DT	lncRNA	0,55	1,46	3,21	4,39	1,31E-05	0,000215648	2,303
ENSG00000173626	TRAPP3L	P coding	0,26	1,20	1,87	4,39	1,31E-05	0,000215648	2,303
ENSG00000072736	NFATC3	P coding	0,40	1,32	4,00	4,39	1,31E-05	0,000215922	2,301
ENSG00000213719	CLIC1	P coding	0,37	1,29	8,52	4,39	1,31E-05	0,000216293	2,299
ENSG00000250959	GLUD1P3	TUP	0,40	1,32	4,70	4,39	1,31E-05	0,000216302	2,298
ENSG00000257524	AL157935.3	P coding	-0,59	-1,51	3,59	-4,39	1,31E-05	0,000216375	2,297
ENSG00000118873	RAB3GAP2	P coding	0,39	1,31	4,44	4,39	1,32E-05	0,000216524	2,296
ENSG00000253559	OSGEPL1-AS1	lncRNA	0,29	1,22	1,72	4,39	1,32E-05	0,00021722	2,292
ENSG00000198242	RPL23A	P coding	-0,31	-1,24	10,73	-4,39	1,33E-05	0,000218586	2,285
ENSG00000229017	LINC01277	lncRNA	0,21	1,16	0,66	4,39	1,33E-05	0,000218813	2,284
ENSG00000213516	RBMXL1	P coding	0,33	1,25	2,49	4,39	1,34E-05	0,00021959	2,280
ENSG00000226699	AL360181.1	lncRNA	0,69	1,61	2,01	4,39	1,34E-05	0,000219595	2,279
ENSG00000256582	LINC02390	lncRNA	0,40	1,32	1,22	4,39	1,35E-05	0,000221201	2,272
ENSG00000263307	AC007216.4	lncRNA	0,31	1,24	1,29	4,38	1,36E-05	0,000222393	2,266
ENSG00000100811	YY1	P coding	0,27	1,20	5,54	4,38	1,36E-05	0,000222649	2,265
ENSG00000258922	AC106028.2	lncRNA	0,55	1,46	1,93	4,38	1,36E-05	0,00022281	2,263
ENSG00000151093	OXSM	P coding	0,33	1,26	4,84	4,38	1,36E-05	0,00022281	2,263
ENSG00000101187	SLCO4A1	P coding	-0,76	-1,70	4,45	-4,38	1,37E-05	0,000224067	2,257
ENSG00000258794	DUX4L27	PP	0,36	1,28	0,67	4,38	1,38E-05	0,00022479	2,253
ENSG00000172845	SP3	P coding	0,32	1,25	5,88	4,38	1,38E-05	0,00022479	2,253
ENSG00000175643	RMI2	P coding	0,58	1,49	1,59	4,38	1,39E-05	0,000227209	2,242
ENSG00000259736	CRTC3-AS1	lncRNA	0,27	1,20	1,39	4,37	1,43E-05	0,000233123	2,217
ENSG00000205930	C21orf62-AS1	lncRNA	0,36	1,28	1,73	4,37	1,44E-05	0,000233898	2,213
ENSG00000265939	UBE2CP2	PP	0,24	1,18	0,64	4,37	1,44E-05	0,000233898	2,212
ENSG00000204822	MRPL53	P coding	0,26	1,19	6,87	4,37	1,44E-05	0,000233898	2,212
ENSG00000155254	MARVELD1	P coding	0,70	1,63	1,87	4,37	1,44E-05	0,000234738	2,208
ENSG00000128254	C22orf24	lncRNA	0,35	1,27	0,86	4,37	1,45E-05	0,000236488	2,201
ENSG00000231128	AL137856.1	lncRNA	0,31	1,24	0,39	4,37	1,46E-05	0,000236546	2,200
ENSG00000228863	AL121985.1	lncRNA	0,56	1,48	2,19	4,37	1,46E-05	0,000236963	2,198
ENSG00000151883	PARP8	P coding	0,49	1,40	4,99	4,37	1,47E-05	0,000239269	2,187
ENSG00000116406	EDEM3	P coding	0,60	1,51	5,06	4,36	1,50E-05	0,000243284	2,171
ENSG00000272604	AC073073.2	lncRNA	0,21	1,16	1,39	4,36	1,52E-05	0,000246957	2,156
ENSG00000269945	AC004817.4	lncRNA	0,18	1,14	1,04	4,36	1,53E-05	0,000247848	2,152
ENSG00000265237	MIR3142	miRNA	0,25	1,19	0,10	4,36	1,54E-05	0,000249298	2,146
ENSG00000263766	AC025682.2	lncRNA	0,35	1,28	1,82	4,36	1,55E-05	0,000250289	2,142
ENSG00000167508	MVD	P coding	0,43	1,34	5,30	4,35	1,55E-05	0,000250594	2,140
ENSG00000180447	GAS1	P coding	0,65	1,57	1,18	4,35	1,56E-05	0,000251394	2,136
ENSG00000143621	ILF2	P coding	0,32	1,25	7,11	4,35	1,56E-05	0,000251394	2,136
ENSG00000114391	RPL24	P coding	-0,39	-1,31	11,16	-4,35	1,58E-05	0,000255399	2,121
ENSG00000260273	AL359711.2	lncRNA	0,22	1,17	0,71	4,35	1,59E-05	0,000255982	2,117
ENSG00000252139	AC090227.1	scaRNA	0,84	1,79	2,67	4,35	1,59E-05	0,000255982	2,117
ENSG00000169760	NLGN1	P coding	0,30	1,23	0,24	4,35	1,59E-05	0,000255982	2,117
ENSG00000241764	AC002467.1	lncRNA	0,39	1,31	2,33	4,35	1,60E-05	0,000258385	2,107
ENSG00000204282	TNRC6C-AS1	lncRNA	0,70	1,62	1,70	4,35	1,61E-05	0,000259056	2,104

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000107669	ATE1	P coding	0,33	1,26	4,38	4,34	1,62E-05	0,000261411	2,095
ENSG00000176473	WDR25	P coding	0,33	1,25	2,62	4,34	1,64E-05	0,000262985	2,089
ENSG00000109065	NAT9	P coding	-0,33	-1,26	6,03	-4,34	1,65E-05	0,000264774	2,082
ENSG00000236317	AC104333.2	PP	0,38	1,30	0,51	4,34	1,65E-05	0,000265022	2,080
ENSG00000167588	GPD1	P coding	0,35	1,27	1,22	4,34	1,65E-05	0,000265022	2,079
ENSG00000244071	RPL9P33	PP	0,25	1,19	0,29	4,34	1,66E-05	0,000265438	2,077
ENSG00000137154	RPS6	P coding	-0,40	-1,32	11,79	-4,34	1,66E-05	0,000265438	2,077
ENSG00000259315	ACTG1P17	TPP	0,42	1,34	2,79	4,34	1,66E-05	0,000265821	2,075
ENSG00000140612	SEC11A	P coding	-0,33	-1,26	7,19	-4,34	1,67E-05	0,00026712	2,070
ENSG00000237531	AL672277.1	lncRNA	0,34	1,27	0,44	4,34	1,69E-05	0,000270428	2,057
ENSG00000138629	UBL7	P coding	-0,34	-1,26	5,95	-4,34	1,69E-05	0,000270428	2,057
ENSG00000188243	COMMD6	P coding	-0,36	-1,29	6,89	-4,33	1,72E-05	0,000274468	2,042
ENSG00000176399	DMRTA1	P coding	0,37	1,29	0,50	4,33	1,73E-05	0,000276103	2,036
ENSG00000182287	AP152	P coding	0,69	1,62	5,62	4,33	1,73E-05	0,000276189	2,035
ENSG00000272469	RN7SL760P	misc_RNA	0,30	1,23	0,63	4,33	1,73E-05	0,000276189	2,035
ENSG00000268061	NAPA-AS1	lncRNA	-0,32	-1,25	3,88	-4,33	1,73E-05	0,000276198	2,034
ENSG00000163866	SMIM12	P coding	0,28	1,21	4,72	4,33	1,74E-05	0,000277089	2,031
ENSG00000011052	NME1-NME2	P coding	-0,38	-1,30	4,02	-4,33	1,74E-05	0,000277643	2,028
ENSG00000144645	OSBPL10	P coding	-0,85	-1,80	4,61	-4,33	1,75E-05	0,000277762	2,027
ENSG00000234456	MAGI2-AS3	lncRNA	0,35	1,28	0,43	4,33	1,75E-05	0,000277825	2,027
ENSG00000235586	AC011247.1	lncRNA	0,45	1,36	1,75	4,33	1,76E-05	0,000280172	2,018
ENSG00000147454	SLC25A37	P coding	0,57	1,49	3,67	4,33	1,76E-05	0,000280172	2,017
ENSG00000270105	AC136475.8	lncRNA	0,60	1,52	3,10	4,33	1,76E-05	0,000280172	2,017
ENSG00000167842	MIS12	P coding	0,42	1,34	5,23	4,32	1,77E-05	0,00028149	2,012
ENSG00000251810	RN7SKP132	misc_RNA	0,48	1,40	0,44	4,32	1,78E-05	0,000281823	2,010
ENSG00000256087	ZNF432	P coding	0,47	1,39	3,68	4,32	1,81E-05	0,000286954	1,993
ENSG00000230185	C9orf147	lncRNA	0,33	1,25	1,98	4,32	1,82E-05	0,000287726	1,989
ENSG00000272382	AC025171.5	lncRNA	0,40	1,32	2,01	4,32	1,82E-05	0,000287726	1,989
ENSG00000125787	GNRH2	P coding	0,21	1,16	0,41	4,32	1,84E-05	0,000290565	1,979
ENSG00000163362	INAVA	P coding	0,77	1,70	2,54	4,32	1,84E-05	0,000291036	1,977
ENSG00000173818	ENDOV	P coding	0,32	1,25	4,07	4,32	1,84E-05	0,000291258	1,976
ENSG00000109103	UNC119	P coding	-0,37	-1,29	5,18	-4,32	1,84E-05	0,000291258	1,975
ENSG00000149823	VPS51	P coding	-0,34	-1,27	7,45	-4,32	1,85E-05	0,000291773	1,973
ENSG00000159352	PSMD4	P coding	0,38	1,30	6,89	4,31	1,86E-05	0,00029403	1,965
ENSG00000243066	RN7SL842P	misc_RNA	0,30	1,23	0,81	4,31	1,87E-05	0,000294906	1,962
ENSG00000264292	MIR2467	miRNA	0,34	1,26	0,21	4,31	1,88E-05	0,000296124	1,958
ENSG00000252892	RNU6-548P	snRNA	0,66	1,58	5,71	4,31	1,89E-05	0,000297251	1,953
ENSG00000243468	INGX	TPP	0,22	1,17	0,51	4,31	1,89E-05	0,000297385	1,953
ENSG00000260519	AC096734.2	lncRNA	0,30	1,23	0,68	4,31	1,90E-05	0,000298271	1,949
ENSG00000177683	THAP5	P coding	0,37	1,29	4,81	4,31	1,91E-05	0,000300054	1,943
ENSG00000140682	TGFB111	P coding	0,22	1,16	0,67	4,31	1,93E-05	0,000303274	1,932
ENSG00000176912	TYMSOS	lncRNA	0,39	1,31	0,99	4,30	1,94E-05	0,000304573	1,928
ENSG00000245904	AC025164.2	lncRNA	0,31	1,24	0,88	4,30	1,94E-05	0,000305038	1,926
ENSG00000181722	ZBTB20	P coding	0,45	1,36	4,28	4,30	1,96E-05	0,000307347	1,918
ENSG00000103035	PSMD7	P coding	0,35	1,27	6,43	4,30	1,97E-05	0,00030968	1,910
ENSG00000267766	AC022726.1	lncRNA	0,61	1,53	1,71	4,30	2,01E-05	0,000314693	1,894
ENSG00000234585	CCT6P3	TUP	0,28	1,22	3,16	4,29	2,02E-05	0,000315956	1,889
ENSG00000230461	PROX1-AS1	lncRNA	0,25	1,19	0,90	4,29	2,05E-05	0,000320224	1,876

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000070159	PTPN3	P coding	0,32	1,25	1,27	4,29	2,05E-05	0,000320608	1,874
ENSG00000117707	PROX1	P coding	0,54	1,45	0,97	4,29	2,06E-05	0,000321896	1,870
ENSG00000174021	GNG5	P coding	0,32	1,25	6,92	4,29	2,06E-05	0,000322461	1,868
ENSG00000205559	CHKB-DT	lncRNA	0,38	1,30	1,81	4,29	2,07E-05	0,000322726	1,867
ENSG00000214401	KANSL1-AS1	lncRNA	0,64	1,56	3,41	4,29	2,08E-05	0,000324783	1,860
ENSG00000244625	MIATNB	lncRNA	0,50	1,42	4,13	4,29	2,09E-05	0,000325879	1,856
ENSG00000256029	AL590560.2	P coding	0,24	1,18	0,26	4,29	2,10E-05	0,000326429	1,854
ENSG00000069764	PLA2G10	P coding	0,28	1,21	0,96	4,28	2,14E-05	0,000333547	1,833
ENSG00000260442	ATP2A1-AS1	lncRNA	0,45	1,37	1,68	4,28	2,16E-05	0,000335422	1,827
ENSG00000188610	FAM72B	P coding	0,41	1,33	1,46	4,28	2,16E-05	0,000336022	1,825
ENSG00000231856	AL162377.1	lncRNA	0,34	1,27	1,54	4,28	2,16E-05	0,000336382	1,823
ENSG00000229809	ZNF688	P coding	0,37	1,29	4,39	4,28	2,17E-05	0,000337624	1,819
ENSG00000115255	REEP6	P coding	-0,59	-1,51	2,18	-4,28	2,18E-05	0,000337951	1,817
ENSG00000176014	TUBB6	P coding	0,87	1,82	2,05	4,28	2,18E-05	0,000338446	1,815
ENSG00000262188	LINC01978	lncRNA	0,50	1,41	0,91	4,28	2,20E-05	0,000340329	1,809
ENSG00000177989	ODF3B	P coding	0,67	1,59	5,36	4,27	2,21E-05	0,000341665	1,805
ENSG00000110871	COQ5	P coding	0,31	1,24	4,33	4,27	2,23E-05	0,000345193	1,794
ENSG00000272516	AL158211.4	lncRNA	0,46	1,38	1,64	4,27	2,25E-05	0,000348238	1,786
ENSG00000238123	MID1IP1-AS1	lncRNA	0,70	1,63	1,08	4,27	2,25E-05	0,000348238	1,785
ENSG00000109927	TECTA	P coding	-0,45	-1,37	1,94	-4,27	2,25E-05	0,000348238	1,785
ENSG00000173401	GLIPR1L1	P coding	0,36	1,29	1,05	4,27	2,27E-05	0,000351026	1,776
ENSG00000204060	FOXO6	P coding	0,41	1,33	0,37	4,27	2,28E-05	0,00035137	1,775
ENSG00000234771	SLC25A25-AS1	lncRNA	-0,45	-1,36	3,32	-4,27	2,28E-05	0,000352049	1,772
ENSG00000099974	DDTL	P coding	0,34	1,27	2,34	4,27	2,28E-05	0,000352049	1,772
ENSG00000272144	AC025171.4	lncRNA	0,37	1,29	1,23	4,26	2,31E-05	0,000355416	1,763
ENSG00000198353	HOXC4	P coding	-0,61	-1,53	1,46	-4,26	2,32E-05	0,000357076	1,758
ENSG00000157216	SSBP3	P coding	0,46	1,38	5,35	4,26	2,32E-05	0,000357178	1,757
ENSG00000159579	RSPRY1	P coding	0,32	1,25	4,23	4,26	2,32E-05	0,000357255	1,756
ENSG00000163041	H3-3A	P coding	0,39	1,31	8,49	4,26	2,34E-05	0,000358937	1,751
ENSG00000230500	MKX-AS1	lncRNA	0,33	1,26	0,74	4,26	2,36E-05	0,000362275	1,741
ENSG00000122862	SRGN	P coding	0,48	1,40	9,10	4,26	2,38E-05	0,000364853	1,734
ENSG00000254966	AC103974.1	lncRNA	-0,35	-1,28	0,79	-4,26	2,38E-05	0,000365044	1,733
ENSG00000145022	TCTA	P coding	0,36	1,29	4,72	4,26	2,38E-05	0,000365044	1,732
ENSG00000242173	ARHGDIG	P coding	0,36	1,28	0,94	4,26	2,38E-05	0,000365044	1,732
ENSG00000139163	ETNK1	P coding	0,33	1,26	5,02	4,26	2,40E-05	0,000367199	1,726
ENSG00000178464	RPL10P16	PP	-0,34	-1,26	2,53	-4,26	2,40E-05	0,000367665	1,724
ENSG00000270344	POC1B-AS1	lncRNA	0,36	1,28	3,17	4,25	2,41E-05	0,000368678	1,721
ENSG00000153187	HNRNPU	P coding	0,36	1,28	7,84	4,25	2,45E-05	0,000374089	1,706
ENSG00000267546	AC015802.4	lncRNA	0,33	1,26	1,21	4,25	2,45E-05	0,000374089	1,706
ENSG00000162004	CCDC78	P coding	-0,82	-1,76	3,06	-4,25	2,45E-05	0,000374089	1,706
ENSG00000135436	FAM186B	P coding	0,22	1,16	0,82	4,25	2,45E-05	0,000374089	1,705
ENSG00000257691	AC133555.2	PP	0,34	1,27	0,37	4,25	2,45E-05	0,000374354	1,704
ENSG00000197471	SPN	P coding	1,22	2,33	4,77	4,25	2,48E-05	0,000377433	1,696
ENSG00000141098	GFOD2	P coding	0,31	1,24	3,29	4,25	2,48E-05	0,00037754	1,695
ENSG00000204956	PCDHGA1	P coding	0,38	1,30	0,73	4,25	2,50E-05	0,000379998	1,688
ENSG00000198673	TAF42	P coding	0,39	1,31	2,46	4,25	2,50E-05	0,000380462	1,686
ENSG00000180822	PSMG4	P coding	0,31	1,24	4,82	4,25	2,50E-05	0,0003805	1,685
ENSG00000230131	LINC02641	lncRNA	-0,38	-1,30	0,96	-4,25	2,50E-05	0,0003805	1,685

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000142396	ERVK3-1	P coding	-0,23	-1,17	6,16	-4,24	2,54E-05	0,000385916	1,671
ENSG00000264176	MAGOH2P	TPP	0,38	1,30	1,22	4,24	2,57E-05	0,000390674	1,659
ENSG00000147677	EIF3H	P coding	-0,23	-1,17	7,56	-4,24	2,58E-05	0,000391508	1,657
ENSG00000154153	RETREG1	P coding	0,36	1,29	0,46	4,24	2,60E-05	0,000395022	1,648
ENSG00000141446	ESCO1	P coding	0,26	1,20	3,75	4,24	2,61E-05	0,000395023	1,647
ENSG00000267044	AC005757.1	lncRNA	0,22	1,17	0,71	4,24	2,61E-05	0,000396106	1,644
ENSG00000248275	TRIM52-AS1	lncRNA	0,40	1,32	4,49	4,23	2,63E-05	0,000398068	1,639
ENSG00000268747	AC022432.1	PP	0,48	1,39	0,67	4,23	2,66E-05	0,00040302	1,627
ENSG00000101444	AHCY	P coding	-0,37	-1,29	6,09	-4,23	2,68E-05	0,000406049	1,619
ENSG00000101695	RNF125	P coding	0,41	1,33	1,11	4,23	2,70E-05	0,000408299	1,613
ENSG00000272341	AL137003.1	lncRNA	0,46	1,38	3,24	4,23	2,71E-05	0,000409003	1,611
ENSG00000253549	CA3-AS1	lncRNA	0,46	1,38	1,21	4,23	2,73E-05	0,000412968	1,601
ENSG00000221387	RNU6ATAC8P	snRNA	0,31	1,24	0,16	4,22	2,75E-05	0,000414594	1,597
ENSG00000241343	RPL36A	P coding	-0,42	-1,33	11,38	-4,22	2,77E-05	0,000418418	1,588
ENSG00000124098	FAM210B	P coding	0,43	1,35	3,26	4,22	2,78E-05	0,000418847	1,587
ENSG00000184678	H2BC21	P coding	0,81	1,75	6,25	4,22	2,78E-05	0,000419456	1,585
ENSG00000271784	AL031055.1	lncRNA	0,24	1,18	0,59	4,22	2,81E-05	0,000422492	1,577
ENSG0000025708	TYMP	P coding	0,75	1,69	5,58	4,22	2,82E-05	0,000423872	1,572
ENSG00000164587	RPS14	P coding	-0,42	-1,34	11,18	-4,22	2,82E-05	0,000423872	1,571
ENSG00000207357	RNU6-2	snRNA	0,39	1,31	6,30	4,22	2,82E-05	0,000423872	1,571
ENSG00000206932	RNU6-4P	snRNA	0,39	1,31	6,30	4,22	2,82E-05	0,000423872	1,571
ENSG00000272055	RNU6-6P	snRNA	0,39	1,31	6,30	4,22	2,82E-05	0,000423872	1,571
ENSG00000207507	RNU6-9	snRNA	0,39	1,31	6,30	4,22	2,82E-05	0,000423872	1,571
ENSG00000169857	AVEN	P coding	-0,36	-1,28	5,02	-4,22	2,82E-05	0,000423872	1,571
ENSG00000272899	ATP6V1FNB	P coding	-0,49	-1,40	2,05	-4,22	2,85E-05	0,000426918	1,563
ENSG00000184731	FAM110C	P coding	0,35	1,28	0,25	4,22	2,85E-05	0,000427221	1,562
ENSG00000272236	AL645939.5	lncRNA	0,33	1,26	0,70	4,21	2,86E-05	0,000428926	1,558
ENSG00000173960	UBXN2A	P coding	0,32	1,25	3,69	4,21	2,87E-05	0,000429105	1,557
ENSG00000178982	EIF3K	P coding	-0,28	-1,22	8,68	-4,21	2,87E-05	0,000430163	1,554
ENSG00000227070	EPS15-AS1	lncRNA	0,60	1,51	2,51	4,21	2,90E-05	0,000433159	1,547
ENSG00000164654	MIOS	P coding	-0,35	-1,27	5,48	-4,21	2,90E-05	0,000433527	1,545
ENSG0000033011	ALG1	P coding	0,36	1,28	5,28	4,21	2,91E-05	0,000434077	1,544
ENSG00000166441	RPL27A	P coding	-0,38	-1,30	11,65	-4,21	2,91E-05	0,000434815	1,542
ENSG00000249413	AC116049.1	lncRNA	0,41	1,33	0,72	4,21	2,95E-05	0,000440735	1,528
ENSG00000255537	AP000708.1	lncRNA	0,13	1,10	0,61	4,21	2,96E-05	0,000441635	1,526
ENSG00000242638	RN75L294P	misc_ RNA	0,31	1,24	0,98	4,21	2,97E-05	0,000441912	1,525
ENSG00000102871	TRADD	P coding	0,51	1,43	5,35	4,20	2,99E-05	0,000445565	1,517
ENSG00000166454	ATMIN	P coding	0,35	1,27	4,40	4,20	3,00E-05	0,000445997	1,515
ENSG00000235590	GNAS-AS1	lncRNA	0,21	1,16	0,47	4,20	3,02E-05	0,000449973	1,506
ENSG00000163565	IFI16	P coding	0,45	1,37	6,44	4,20	3,05E-05	0,000454149	1,497
ENSG00000267637	AC040904.1	lncRNA	0,45	1,37	0,81	4,20	3,08E-05	0,000457436	1,490
ENSG00000177600	RPLP2	P coding	-0,36	-1,28	11,15	-4,20	3,10E-05	0,000461037	1,482
ENSG00000142534	RPS11	P coding	-0,34	-1,27	12,40	-4,19	3,12E-05	0,000462984	1,477
ENSG00000266017	MIR4477B	miRNA	1,15	2,23	5,53	4,19	3,16E-05	0,000468924	1,465
ENSG00000174827	PDZK1	P coding	0,29	1,23	1,39	4,19	3,19E-05	0,000473069	1,456
ENSG00000232719	AC007272.1	lncRNA	0,15	1,11	0,74	4,19	3,20E-05	0,000475096	1,451
ENSG00000200169	RNU5D-1	snRNA	1,01	2,01	7,05	4,19	3,22E-05	0,000477305	1,446
ENSG00000243081	AC092894.1	lncRNA	0,16	1,12	0,75	4,19	3,23E-05	0,000478937	1,443

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000167895	TMC8	P coding	1,15	2,21	3,39	4,19	3,24E-05	0,000479146	1,442
ENSG00000166562	SEC11C	P coding	0,41	1,33	10,38	4,18	3,26E-05	0,000482187	1,435
ENSG00000064787	BCAS1	P coding	-0,72	-1,65	1,60	-4,18	3,30E-05	0,000487648	1,424
ENSG00000134986	NREP	P coding	0,53	1,44	2,72	4,18	3,31E-05	0,000489523	1,420
ENSG00000144868	TMEM108	P coding	-0,69	-1,61	2,57	-4,18	3,32E-05	0,000489916	1,418
ENSG00000105202	FBL	P coding	-0,34	-1,26	7,73	-4,18	3,34E-05	0,000492758	1,412
ENSG00000270084	GASS-AS1	lncRNA	0,30	1,23	1,45	4,18	3,35E-05	0,000493108	1,411
ENSG00000206808	AC131263.2	misc_RNA	0,43	1,35	0,34	4,18	3,38E-05	0,000497718	1,401
ENSG00000139625	MAP3K12	P coding	0,48	1,40	3,11	4,18	3,39E-05	0,000499323	1,398
ENSG00000215440	NPEPL1	P coding	-0,37	-1,30	5,35	-4,17	3,41E-05	0,000501233	1,394
ENSG00000107745	MICU1	P coding	0,34	1,26	4,14	4,17	3,44E-05	0,000506621	1,383
ENSG00000090971	NAT14	P coding	-0,39	-1,31	2,45	-4,17	3,45E-05	0,000507507	1,381
ENSG00000224713	AC025165.1	lncRNA	-0,18	-1,14	0,41	-4,17	3,47E-05	0,000508908	1,377
ENSG00000261634	AC026992.2	lncRNA	0,17	1,12	0,45	4,17	3,47E-05	0,000509794	1,375
ENSG00000237243	CREB3L2-AS1	lncRNA	0,32	1,25	0,72	4,17	3,48E-05	0,000510173	1,372
ENSG00000251409	AC008592.3	lncRNA	0,36	1,29	1,29	4,17	3,48E-05	0,000510173	1,372
ENSG00000267454	ZNF582-AS1	lncRNA	0,42	1,33	1,59	4,17	3,48E-05	0,000510173	1,372
ENSG00000116857	TMEM9	P coding	0,46	1,38	5,34	4,17	3,49E-05	0,000510662	1,371
ENSG00000162517	PEF1	P coding	0,26	1,20	5,02	4,17	3,50E-05	0,000511314	1,369
ENSG00000177613	CSTF2T	P coding	0,36	1,29	4,04	4,17	3,50E-05	0,000511314	1,368
ENSG00000176732	PFN4	P coding	0,34	1,26	1,18	4,17	3,52E-05	0,000514625	1,362
ENSG00000158711	ELK4	P coding	0,37	1,29	3,83	4,17	3,53E-05	0,000515065	1,361
ENSG00000112218	GPR63	P coding	0,64	1,55	1,38	4,16	3,56E-05	0,000519981	1,351
ENSG00000147535	PLPP5	P coding	0,38	1,30	8,48	4,16	3,60E-05	0,000525324	1,341
ENSG00000053524	MCF2L2	P coding	0,40	1,32	1,80	4,16	3,60E-05	0,000525461	1,340
ENSG00000253051	AL138963.2	snRNA	-0,71	-1,63	3,84	-4,16	3,61E-05	0,00052606	1,339
ENSG00000254941	AP000866.4	PP	0,46	1,37	1,79	4,16	3,61E-05	0,000526473	1,337
ENSG00000165948	IFI27L1	P coding	0,54	1,46	5,05	4,16	3,62E-05	0,000526934	1,336
ENSG00000120280	CXorf21	P coding	0,68	1,60	3,51	4,16	3,62E-05	0,000526936	1,336
ENSG00000263934	SNORD3A	snRNA	0,76	1,70	8,78	4,16	3,63E-05	0,00052764	1,334
ENSG00000118495	PLAGL1	P coding	0,69	1,61	2,14	4,16	3,64E-05	0,000529605	1,330
ENSG00000105173	CCNE1	P coding	-0,64	-1,56	4,01	-4,16	3,65E-05	0,000530544	1,328
ENSG00000167703	SLC43A2	P coding	-0,52	-1,44	3,07	-4,16	3,66E-05	0,000531508	1,326
ENSG00000253921	AC091982.1	lncRNA	0,25	1,19	0,90	4,16	3,69E-05	0,000536097	1,317
ENSG00000136828	RALGPS1	P coding	-0,46	-1,38	4,34	-4,15	3,71E-05	0,000537748	1,314
ENSG00000241547	ACTG1P20	PP	0,36	1,28	1,74	4,15	3,72E-05	0,000539752	1,310
ENSG00000178690	DYNAP	P coding	0,17	1,12	0,82	4,15	3,74E-05	0,000541347	1,306
ENSG00000053918	KCNQ1	P coding	0,96	1,94	2,83	4,15	3,77E-05	0,00054578	1,298
ENSG00000156052	GNAQ	P coding	0,52	1,44	0,99	4,15	3,78E-05	0,000546843	1,296
ENSG00000135709	KIAA0513	P coding	0,59	1,50	4,03	4,15	3,79E-05	0,000548933	1,292
ENSG00000186063	AIDA	P coding	0,34	1,27	5,39	4,15	3,83E-05	0,000554174	1,282
ENSG00000230747	AC021188.1	lncRNA	0,28	1,22	0,32	4,15	3,84E-05	0,000554675	1,281
ENSG00000170421	KRT8	P coding	0,64	1,56	1,88	4,14	3,89E-05	0,000561362	1,269
ENSG00000230359	TP1P2	TPP	0,28	1,21	0,98	4,14	3,90E-05	0,000563761	1,264
ENSG00000246596	AC139795.1	TUP	0,44	1,36	1,58	4,14	3,96E-05	0,00057178	1,251
ENSG00000259319	AF111167.2	lncRNA	0,35	1,28	1,62	4,14	3,98E-05	0,000573944	1,246
ENSG00000259818	AL606760.3	lncRNA	0,17	1,12	0,76	4,14	3,98E-05	0,000574238	1,245
ENSG00000201239	AC132938.1	misc_RNA	0,72	1,65	1,41	4,14	4,00E-05	0,000575735	1,242

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000267412	AC092068.2	lncRNA	0,18	1,13	0,85	4,14	4,00E-05	0,000575884	1,241
ENSG00000164346	NSA2	P coding	-0,36	-1,29	6,90	-4,13	4,03E-05	0,00057977	1,235
ENSG00000160013	PTGIR	P coding	0,17	1,12	0,66	4,13	4,05E-05	0,000582933	1,229
ENSG00000155542	SETD9	P coding	-0,34	-1,27	4,10	-4,13	4,08E-05	0,000586077	1,223
ENSG00000159335	PTMS	P coding	-0,88	-1,84	3,84	-4,13	4,08E-05	0,000586077	1,223
ENSG00000178184	PARD6G	P coding	0,29	1,22	0,83	4,13	4,08E-05	0,000586077	1,222
ENSG00000179761	PIPOX	P coding	0,26	1,20	1,23	4,13	4,08E-05	0,000586077	1,222
ENSG00000136425	CIB2	P coding	-0,54	-1,46	2,68	-4,13	4,09E-05	0,000586077	1,222
ENSG00000258130	AC106782.1	TUP	0,68	1,61	2,97	4,13	4,12E-05	0,000591258	1,213
ENSG00000253352	TUG1	P coding	0,36	1,28	6,38	4,13	4,18E-05	0,000599543	1,199
ENSG00000117118	SDHB	P coding	0,24	1,18	6,21	4,13	4,19E-05	0,00060046	1,197
ENSG00000115266	APC2	P coding	-0,28	-1,21	1,36	-4,13	4,19E-05	0,00060046	1,197
ENSG00000232472	EEF1B2P3	PP	-0,33	-1,25	1,85	-4,12	4,20E-05	0,000600636	1,196
ENSG00000188825	LINC00910	lncRNA	0,29	1,22	2,25	4,12	4,21E-05	0,000602483	1,193
ENSG00000200496	AP001782.1	snoRNA	0,34	1,26	0,19	4,12	4,22E-05	0,000602698	1,192
ENSG00000248127	AC026774.1	lncRNA	0,56	1,48	0,95	4,12	4,24E-05	0,00060517	1,187
ENSG00000246560	UBE2D3-AS1	lncRNA	0,27	1,21	1,22	4,12	4,24E-05	0,00060517	1,187
ENSG00000255182	AC084125.2	lncRNA	-0,47	-1,38	3,11	-4,12	4,25E-05	0,000606766	1,184
ENSG00000081791	DELE1	P coding	-0,29	-1,22	6,11	-4,12	4,25E-05	0,000606784	1,183
ENSG00000165171	METTL27	P coding	0,75	1,68	1,18	4,12	4,28E-05	0,000609952	1,178
ENSG00000108298	RPL19	P coding	-0,27	-1,20	11,39	-4,12	4,30E-05	0,000611791	1,174
ENSG00000137802	MAPKBP1	P coding	-0,36	-1,29	3,53	-4,12	4,30E-05	0,00061185	1,174
ENSG00000179715	PCED1B	P coding	-0,71	-1,63	3,80	-4,12	4,31E-05	0,000613065	1,171
ENSG00000108823	SGCA	P coding	0,50	1,41	0,46	4,12	4,31E-05	0,000613558	1,170
ENSG00000013293	SLC7A14	P coding	0,29	1,22	1,64	4,12	4,32E-05	0,000614372	1,168
ENSG00000187609	EXD3	P coding	-0,39	-1,31	3,67	-4,12	4,32E-05	0,000614372	1,168
ENSG00000252612	AL356273.5	misc_RNA	0,82	1,77	3,61	4,12	4,36E-05	0,000618964	1,160
ENSG00000089220	PEBP1	P coding	0,35	1,28	7,40	4,12	4,36E-05	0,000618964	1,160
ENSG00000224077	AP000936.1	lncRNA	0,24	1,18	0,53	4,11	4,44E-05	0,000629787	1,143
ENSG00000123159	GIPC1	P coding	-0,54	-1,45	4,15	-4,11	4,44E-05	0,000629787	1,142
ENSG00000130255	RPL36	P coding	-0,41	-1,33	10,86	-4,11	4,44E-05	0,000629787	1,142
ENSG00000137070	IL11RA	P coding	-0,43	-1,35	4,68	-4,11	4,45E-05	0,000629787	1,142
ENSG00000198755	RPL10A	P coding	-0,30	-1,23	10,66	-4,11	4,45E-05	0,000630095	1,141
ENSG00000272473	AC006273.1	lncRNA	0,31	1,24	1,89	4,11	4,49E-05	0,000635509	1,132
ENSG00000124092	CTCFL	P coding	0,25	1,19	1,32	4,11	4,49E-05	0,000635509	1,132
ENSG00000264247	LINC00909	lncRNA	0,37	1,29	4,41	4,11	4,50E-05	0,000635677	1,131
ENSG00000125691	RPL23	P coding	-0,34	-1,27	10,98	-4,11	4,50E-05	0,000636188	1,130
ENSG00000267298	AC006116.6	lncRNA	0,24	1,18	0,57	4,11	4,51E-05	0,000636464	1,129
ENSG00000229915	AC016999.1	lncRNA	0,20	1,15	0,46	4,11	4,51E-05	0,000637165	1,127
ENSG00000255920	CCND2-AS1	lncRNA	0,30	1,23	0,30	4,11	4,54E-05	0,000640078	1,123
ENSG00000203709	MIR29B2CHG	lncRNA	0,57	1,48	4,42	4,10	4,58E-05	0,000646362	1,113
ENSG00000178935	ZNF552	P coding	0,31	1,24	2,90	4,10	4,60E-05	0,000648308	1,110
ENSG00000232233	LINC02043	lncRNA	0,39	1,31	2,43	4,10	4,63E-05	0,0006528	1,102
ENSG00000239636	AC004865.2	lncRNA	-0,41	-1,32	2,34	-4,10	4,64E-05	0,0006528	1,102
ENSG00000203601	LINC00970	lncRNA	0,22	1,16	1,30	4,10	4,64E-05	0,000652973	1,101
ENSG00000204387	SNHG32	lncRNA	-0,44	-1,36	7,32	-4,10	4,70E-05	0,000661462	1,089
ENSG00000270141	TERC	lncRNA	0,42	1,33	1,01	4,10	4,71E-05	0,000661675	1,088
ENSG00000126856	PRDM7	P coding	0,20	1,15	0,97	4,10	4,72E-05	0,000663437	1,085

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000147044	CASK	P coding	0,52	1,44	2,85	4,10	4,72E-05	0,00066354	1,084
ENSG00000255992	AC131009.1	lncRNA	0,34	1,27	1,21	4,10	4,74E-05	0,00066532	1,081
ENSG00000101448	EPPIN	P coding	0,21	1,16	1,03	4,09	4,78E-05	0,000671025	1,073
ENSG00000119979	DENND10	P coding	0,35	1,27	4,83	4,09	4,79E-05	0,000671171	1,072
ENSG00000138172	CALHM2	P coding	0,63	1,55	2,14	4,09	4,80E-05	0,000672423	1,070
ENSG00000034713	GABARAPL2	P coding	0,34	1,27	6,25	4,09	4,82E-05	0,000675532	1,065
ENSG00000236914	LINC01852	lncRNA	0,46	1,38	0,77	4,09	4,85E-05	0,000679	1,060
ENSG00000257748	LINC02281	lncRNA	0,27	1,21	1,07	4,09	4,86E-05	0,000680421	1,057
ENSG00000224505	AC138150.1	lncRNA	0,43	1,35	3,81	4,09	4,92E-05	0,000688769	1,045
ENSG00000252906	SCARNA3	scaRNA	0,47	1,38	0,70	4,09	4,94E-05	0,000690661	1,042
ENSG00000229025	AP001595.1	lncRNA	0,34	1,27	1,01	4,09	4,96E-05	0,000692583	1,039
ENSG00000184905	TCEAL2	P coding	0,76	1,69	1,25	4,09	4,96E-05	0,000692809	1,038
ENSG00000235670	RPL21P40	PP	-0,23	-1,17	0,38	-4,09	4,97E-05	0,000693344	1,037
ENSG00000234828	IQCM	P coding	0,27	1,20	1,61	4,08	4,99E-05	0,000696733	1,032
ENSG00000189366	ALG1L	P coding	-0,53	-1,45	1,74	-4,08	5,01E-05	0,00069858	1,029
ENSG00000273472	AC096733.3	lncRNA	0,52	1,43	3,92	4,08	5,02E-05	0,00069979	1,027
ENSG00000235790	PEF1-AS1	lncRNA	0,20	1,15	0,59	4,08	5,05E-05	0,000703521	1,022
ENSG00000143384	MCL1	P coding	0,51	1,43	10,48	4,08	5,06E-05	0,000704133	1,020
ENSG00000235501	AC105942.1	lncRNA	0,50	1,42	0,89	4,08	5,08E-05	0,000707406	1,016
ENSG00000118217	ATF6	P coding	0,45	1,37	4,64	4,08	5,09E-05	0,000708015	1,014
ENSG00000156482	RPL30	P coding	-0,27	-1,21	11,50	-4,08	5,09E-05	0,000708448	1,013
ENSG00000182087	TMEM259	P coding	-0,31	-1,24	8,40	-4,08	5,11E-05	0,000709867	1,011
ENSG00000265559	RN7SL652P	misc_RNA	0,28	1,21	0,74	4,08	5,17E-05	0,000718881	0,998
ENSG00000167858	TEKT1	P coding	0,31	1,24	0,44	4,08	5,18E-05	0,000718881	0,998
ENSG00000257894	AC027288.3	lncRNA	0,31	1,24	2,10	4,07	5,21E-05	0,000723146	0,992
ENSG00000169564	PCBP1	P coding	0,26	1,20	7,87	4,07	5,24E-05	0,000726969	0,987
ENSG00000270116	AP001429.1	lncRNA	0,23	1,17	0,55	4,07	5,25E-05	0,000728649	0,984
ENSG00000181163	NPM1	P coding	-0,40	-1,32	9,99	-4,07	5,27E-05	0,000730435	0,981
ENSG00000259929	AC010601.1	lncRNA	0,31	1,24	2,39	4,07	5,32E-05	0,000736383	0,973
ENSG00000258355	AC079174.1	lncRNA	0,32	1,25	0,77	4,07	5,35E-05	0,00073986	0,967
ENSG00000242474	AC093627.5	lncRNA	0,55	1,47	1,26	4,07	5,36E-05	0,000741564	0,965
ENSG00000259984	AL928711.1	unPP	0,51	1,43	2,86	4,07	5,39E-05	0,000744267	0,961
ENSG00000270130	AC068790.7	lncRNA	0,19	1,14	0,41	4,06	5,47E-05	0,000755412	0,946
ENSG00000267074	AC015911.3	lncRNA	0,51	1,42	1,34	4,06	5,48E-05	0,000756411	0,944
ENSG00000104979	C19orf53	P coding	-0,24	-1,18	7,42	-4,06	5,52E-05	0,000761698	0,937
ENSG00000164898	FMC1	P coding	0,40	1,32	4,78	4,06	5,56E-05	0,000767158	0,930
ENSG00000234851	RPL23AP42	PP	-0,32	-1,25	10,36	-4,06	5,58E-05	0,000769171	0,927
ENSG00000268006	PTOV1-AS1	lncRNA	0,38	1,31	3,32	4,06	5,60E-05	0,000771047	0,924
ENSG00000219626	FAM228B	P coding	0,34	1,26	3,99	4,06	5,61E-05	0,000772557	0,922
ENSG00000196154	S100A4	P coding	1,35	2,55	5,70	4,06	5,62E-05	0,000773913	0,920
ENSG00000233421	LINC01783	lncRNA	0,21	1,16	0,70	4,05	5,71E-05	0,000785233	0,905
ENSG00000170473	PYM1	P coding	0,28	1,21	4,36	4,05	5,71E-05	0,000785233	0,905
ENSG00000229931	ATXN1-AS1	lncRNA	0,44	1,36	4,26	4,05	5,71E-05	0,000785233	0,905
ENSG00000183665	TRMT12	P coding	0,28	1,22	3,21	4,05	5,72E-05	0,000785448	0,904
ENSG00000223935	LGALS1-DT	lncRNA	0,21	1,16	0,91	4,05	5,75E-05	0,000789939	0,898
ENSG00000231607	DLEU2	lncRNA	0,52	1,44	3,08	4,05	5,75E-05	0,000789939	0,898
ENSG00000143436	MRPL9	P coding	0,31	1,24	6,33	4,05	5,76E-05	0,000790128	0,897
ENSG00000260267	AC026471.1	lncRNA	0,37	1,29	1,80	4,05	5,83E-05	0,000800117	0,885

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000269303	AC020907.3	lncRNA	0,27	1,20	1,62	4,04	5,90E-05	0,000809381	0,874
ENSG00000136942	RPL35	P coding	-0,35	-1,28	11,61	-4,04	5,91E-05	0,000809625	0,873
ENSG00000122882	ECD	P coding	0,32	1,25	3,91	4,04	5,94E-05	0,000813207	0,868
ENSG00000227492	AL138921.1	lncRNA	0,17	1,12	0,64	4,04	5,94E-05	0,000813207	0,868
ENSG00000115539	PDCL3	P coding	0,45	1,37	3,91	4,04	5,95E-05	0,000814515	0,866
ENSG00000200926	RNU6-960P	snRNA	0,39	1,31	0,22	4,04	5,97E-05	0,000816462	0,863
ENSG00000179855	GIPC3	P coding	0,40	1,32	0,21	4,04	5,98E-05	0,000817498	0,862
ENSG00000116729	WLS	P coding	0,84	1,79	1,56	4,04	6,02E-05	0,00082179	0,856
ENSG00000178761	FAM219B	P coding	-0,30	-1,24	5,33	-4,04	6,05E-05	0,000825766	0,851
ENSG00000228427	AL590764.1	lncRNA	0,37	1,29	2,88	4,04	6,08E-05	0,000829312	0,846
ENSG00000185220	PGBD2	P coding	0,45	1,36	2,94	4,04	6,10E-05	0,000832061	0,843
ENSG00000168807	SNTB2	P coding	0,31	1,24	1,22	4,03	6,13E-05	0,000835326	0,838
ENSG00000267065	LINC02080	lncRNA	0,14	1,10	0,61	4,03	6,14E-05	0,000835326	0,838
ENSG00000235271	Z97353.2	lncRNA	0,27	1,21	0,85	4,03	6,15E-05	0,000836658	0,836
ENSG00000271643	AC112220.2	lncRNA	0,24	1,18	1,14	4,03	6,17E-05	0,000839276	0,832
ENSG00000203437	AC022080.2	PP	0,19	1,14	0,76	4,03	6,19E-05	0,000842004	0,829
ENSG00000103264	FBXO31	P coding	0,38	1,31	3,95	4,03	6,20E-05	0,000842004	0,828
ENSG00000196236	XPNPEP3	P coding	0,30	1,23	3,02	4,03	6,21E-05	0,000842056	0,827
ENSG00000204642	HLA-F	P coding	0,69	1,62	7,25	4,03	6,24E-05	0,00084588	0,822
ENSG00000108825	PTGES3L-AARSD1	P coding	-0,20	-1,15	0,46	-4,03	6,25E-05	0,000846728	0,821
ENSG00000271590	AC108463.3	lncRNA	0,22	1,16	1,01	4,03	6,25E-05	0,000846728	0,820
ENSG00000271608	AL391646.1	PP	0,22	1,17	0,20	4,03	6,26E-05	0,0008472	0,819
ENSG00000178498	DTX3	P coding	-0,57	-1,48	4,75	-4,03	6,27E-05	0,000849176	0,817
ENSG00000128228	SDF2L1	P coding	0,49	1,40	7,70	4,03	6,28E-05	0,000849318	0,816
ENSG00000236467	KCNMA1-AS1	lncRNA	0,39	1,31	1,55	4,03	6,30E-05	0,000851462	0,813
ENSG00000231500	RPS18	P coding	-0,42	-1,34	12,54	-4,03	6,30E-05	0,000851462	0,813
ENSG00000118181	RPS25	P coding	-0,31	-1,24	10,75	-4,03	6,34E-05	0,000856377	0,807
ENSG00000196372	ASB13	P coding	0,55	1,47	1,02	4,03	6,37E-05	0,000860352	0,802
ENSG00000144182	LIPT1	P coding	0,36	1,28	3,40	4,02	6,41E-05	0,000864967	0,796
ENSG00000271192	AC006058.2	lncRNA	0,48	1,39	0,97	4,02	6,45E-05	0,000870329	0,790
ENSG00000089505	CMTM1	P coding	0,39	1,31	1,22	4,02	6,47E-05	0,000872532	0,787
ENSG00000139537	CCDC65	P coding	0,41	1,33	2,20	4,02	6,48E-05	0,000872806	0,786
ENSG00000236104	ZBTB22	P coding	0,35	1,27	4,23	4,02	6,48E-05	0,000873098	0,785
ENSG00000143457	GOLPH3L	P coding	0,56	1,48	4,42	4,02	6,49E-05	0,000874199	0,784
ENSG00000245532	NEAT1	lncRNA	0,55	1,46	9,71	4,02	6,56E-05	0,000882306	0,775
ENSG00000237594	AP000251.1	lncRNA	0,28	1,21	0,46	4,02	6,57E-05	0,000883812	0,773
ENSG00000260144	AC100827.2	unPP	-0,21	-1,16	0,68	-4,02	6,60E-05	0,000887233	0,769
ENSG00000236209	AC104135.1	lncRNA	0,25	1,19	0,60	4,02	6,62E-05	0,000889101	0,766
ENSG00000202479	AC013267.1	snoRNA	0,46	1,38	0,41	4,02	6,62E-05	0,000889209	0,766
ENSG00000249089	AIG1P1	unPP	0,50	1,41	0,81	4,02	6,64E-05	0,000890887	0,763
ENSG00000228251	AC012442.2	lncRNA	0,17	1,13	0,58	4,01	6,71E-05	0,000899152	0,753
ENSG00000126804	ZBTB1	P coding	0,33	1,26	5,11	4,01	6,72E-05	0,000899152	0,752
ENSG00000253882	AC099548.2	TUP	0,57	1,48	3,22	4,01	6,72E-05	0,000899152	0,752
ENSG00000269194	AC006942.1	lncRNA	0,37	1,29	2,67	4,01	6,72E-05	0,000899152	0,752
ENSG00000164056	SPRY1	P coding	0,74	1,67	2,02	4,01	6,72E-05	0,000899152	0,752
ENSG00000235831	BHLHE40-AS1	lncRNA	0,18	1,13	0,53	4,01	6,72E-05	0,000899152	0,752
ENSG00000188042	ARL4C	P coding	1,01	2,01	2,84	4,01	6,72E-05	0,000899152	0,752
ENSG00000106070	GRB10	P coding	0,40	1,32	1,18	4,01	6,73E-05	0,000900174	0,750

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000086619	ERO1B	P coding	0,43	1,34	4,57	4,01	6,77E-05	0,000904402	0,745
ENSG00000240298	RPL36AP40	PP	-0,87	-1,82	1,45	-4,01	6,79E-05	0,000907358	0,742
ENSG00000036549	AC118549.1	P coding	0,25	1,19	4,34	4,01	6,81E-05	0,000908312	0,740
ENSG00000225733	FGD5-AS1	lncRNA	0,29	1,22	5,67	4,01	6,82E-05	0,000909189	0,738
ENSG00000157470	FAM81A	P coding	0,31	1,24	0,28	4,01	6,85E-05	0,000912823	0,734
ENSG00000081692	JMJD4	P coding	0,38	1,30	4,22	4,01	6,87E-05	0,000914964	0,731
ENSG00000249502	AC006160.1	lncRNA	0,26	1,20	0,75	4,01	6,88E-05	0,000915442	0,730
ENSG00000235185	AL031727.2	lncRNA	0,35	1,27	0,55	4,00	6,95E-05	0,000924334	0,721
ENSG00000246090	AP002026.1	lncRNA	0,42	1,34	1,80	4,00	6,96E-05	0,000926047	0,718
ENSG00000237422	AL158071.4	lncRNA	0,43	1,35	0,59	4,00	6,97E-05	0,000926047	0,718
ENSG00000188761	BCL2L15	P coding	0,26	1,20	1,09	4,00	7,01E-05	0,000931874	0,712
ENSG00000140988	RPS2	P coding	-0,54	-1,45	10,59	-4,00	7,02E-05	0,000931993	0,711
ENSG00000092199	HNRNPC	P coding	0,24	1,18	8,60	4,00	7,02E-05	0,000932203	0,710
ENSG00000197550	AL359955.1	unPP	0,27	1,20	0,55	4,00	7,08E-05	0,000938999	0,703
ENSG00000214274	ANG	P coding	0,77	1,70	3,48	4,00	7,08E-05	0,000938999	0,703
ENSG00000247572	CKMT2-AS1	lncRNA	0,36	1,29	2,94	4,00	7,13E-05	0,000944149	0,696
ENSG00000254787	AP001825.1	lncRNA	0,56	1,47	0,73	4,00	7,15E-05	0,000946822	0,693
ENSG00000179057	IGSF22	P coding	-0,45	-1,36	1,34	-4,00	7,20E-05	0,000952707	0,687
ENSG00000199377	RNU5F-1	snRNA	1,09	2,13	6,03	4,00	7,20E-05	0,000952707	0,686
ENSG00000197046	SIGLEC15	P coding	0,18	1,13	0,92	3,99	7,30E-05	0,000964676	0,674
ENSG00000173261	PLAC8L1	P coding	0,26	1,20	1,02	3,99	7,35E-05	0,000970438	0,667
ENSG00000265206	AC004687.1	lncRNA	0,64	1,56	4,81	3,99	7,35E-05	0,000970438	0,667
ENSG00000222009	BTBD19	P coding	0,51	1,43	1,14	3,99	7,36E-05	0,000971688	0,666
ENSG00000123268	ATF1	P coding	0,30	1,23	4,50	3,99	7,37E-05	0,000971688	0,665
ENSG00000162885	B3GALNT2	P coding	0,36	1,28	4,31	3,99	7,37E-05	0,000971759	0,665
ENSG00000135842	NIBAN1	P coding	0,73	1,66	3,15	3,99	7,39E-05	0,000973412	0,663
ENSG00000248991	AC097375.1	lncRNA	-0,82	-1,77	1,98	-3,99	7,40E-05	0,00097391	0,661
ENSG00000225697	SLC26A6	P coding	-0,37	-1,29	4,64	-3,99	7,40E-05	0,00097391	0,661
ENSG00000177738	AC025171.1	lncRNA	0,36	1,28	3,88	3,99	7,41E-05	0,00097482	0,660
ENSG00000229717	AC110615.1	lncRNA	0,17	1,13	0,86	3,99	7,45E-05	0,000979882	0,655
ENSG00000214021	TTLI3	P coding	-0,41	-1,33	4,45	-3,99	7,46E-05	0,00098031	0,654
ENSG00000260498	AC126696.3	lncRNA	0,34	1,26	0,77	3,98	7,54E-05	0,000990969	0,643
ENSG00000075073	TACR2	P coding	-0,30	-1,23	1,10	-3,98	7,59E-05	0,000997129	0,636
ENSG00000172809	RPL38	P coding	-0,25	-1,19	10,84	-3,98	7,61E-05	0,000999212	0,634
ENSG00000159377	PSMB4	P coding	0,27	1,21	8,66	3,98	7,71E-05	0,001011104	0,622
ENSG00000100764	PSMC1	P coding	0,27	1,21	5,90	3,98	7,77E-05	0,001018751	0,615
ENSG00000244515	KRT18P34	PP	0,18	1,14	0,58	3,98	7,78E-05	0,001019389	0,614
ENSG00000259453	AC087286.4	lncRNA	0,22	1,16	0,78	3,98	7,79E-05	0,001020271	0,613
ENSG00000131469	RPL27	P coding	-0,27	-1,20	11,26	-3,97	7,87E-05	0,001030288	0,603
ENSG00000121486	TRMT1L	P coding	0,39	1,31	3,24	3,97	7,89E-05	0,001032714	0,600
ENSG00000228526	MIR34AHG	lncRNA	0,36	1,28	0,73	3,97	7,89E-05	0,001032714	0,600
ENSG00000247315	ZCCHC3	P coding	-0,55	-1,47	2,00	-3,97	7,91E-05	0,001033464	0,598
ENSG00000185201	IFITM2	P coding	0,78	1,72	6,74	3,97	7,91E-05	0,001033464	0,598
ENSG00000203761	MSTO2P	unPP	0,51	1,42	4,00	3,97	7,92E-05	0,001034994	0,597
ENSG00000225039	LINC01058	lncRNA	0,32	1,25	0,77	3,97	7,93E-05	0,001035897	0,595
ENSG00000129675	ARHGEF6	P coding	-0,58	-1,50	3,48	-3,97	7,97E-05	0,001039959	0,591
ENSG00000248802	AC078850.2	lncRNA	0,24	1,18	0,85	3,97	8,07E-05	0,001051795	0,580
ENSG00000137078	SIT1	P coding	-0,94	-1,92	3,45	-3,97	8,09E-05	0,001053988	0,577

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000171530	TBCA	P coding	-0,28	-1,21	7,60	-3,97	8,09E-05	0,001053988	0,577
ENSG00000077684	JADE1	P coding	0,34	1,26	4,41	3,97	8,11E-05	0,001055375	0,575
ENSG00000100206	DMC1	P coding	0,47	1,39	1,11	3,96	8,18E-05	0,001064467	0,566
ENSG00000215375	MYL5	P coding	-0,39	-1,31	4,13	-3,96	8,20E-05	0,001065759	0,565
ENSG00000248243	LINC02014	lncRNA	-0,36	-1,28	2,08	-3,96	8,23E-05	0,001069844	0,561
ENSG00000179818	PCBP1-AS1	lncRNA	0,33	1,26	5,71	3,96	8,26E-05	0,001072692	0,558
ENSG00000116667	C1orf21	P coding	0,94	1,92	2,87	3,96	8,26E-05	0,001072692	0,557
ENSG00000163374	YY1AP1	P coding	0,29	1,22	5,84	3,96	8,28E-05	0,001074072	0,556
ENSG00000254162	AC009812.3	lncRNA	0,19	1,14	0,91	3,96	8,28E-05	0,001074652	0,555
ENSG00000220842	RPL21P16	PP	-0,47	-1,38	10,33	-3,96	8,29E-05	0,001074777	0,554
ENSG00000272702	AC010913.1	lncRNA	0,24	1,18	1,23	3,96	8,30E-05	0,001076222	0,552
ENSG00000179833	SERTAD2	P coding	0,46	1,38	4,68	3,96	8,32E-05	0,001078127	0,550
ENSG00000103222	ABCC1	P coding	-0,41	-1,33	3,38	-3,96	8,37E-05	0,001083291	0,545
ENSG00000164099	PRSS12	P coding	0,22	1,17	0,48	3,96	8,38E-05	0,00108426	0,544
ENSG00000221817	PPP3CB-AS1	lncRNA	0,40	1,32	4,08	3,96	8,38E-05	0,001084531	0,543
ENSG00000117266	CDK18	P coding	-0,52	-1,44	2,95	-3,96	8,39E-05	0,0010847	0,543
ENSG00000251209	LINC00923	lncRNA	0,22	1,16	0,94	3,96	8,39E-05	0,0010847	0,542
ENSG00000185386	MAPK11	P coding	-0,59	-1,50	3,09	-3,96	8,41E-05	0,001086517	0,540
ENSG00000054983	GALC	P coding	0,34	1,26	3,83	3,96	8,45E-05	0,001090155	0,536
ENSG00000254887	AC010247.1	lncRNA	0,37	1,29	2,08	3,96	8,45E-05	0,001090412	0,536
ENSG00000162576	MXRA8	P coding	0,55	1,46	3,28	3,96	8,50E-05	0,001096005	0,530
ENSG00000173218	VANGL1	P coding	0,52	1,43	0,73	3,96	8,50E-05	0,001096239	0,530
ENSG00000265867	MIR4516	miRNA	0,80	1,75	2,64	3,95	8,54E-05	0,001100279	0,526
ENSG00000233913	RPL10P9	PP	-0,24	-1,18	1,09	-3,95	8,61E-05	0,001108658	0,518
ENSG00000253604	AC131254.2	lncRNA	0,24	1,18	1,04	3,95	8,64E-05	0,001111982	0,515
ENSG00000145425	RPS3A	P coding	-0,32	-1,25	11,50	-3,95	8,66E-05	0,001114308	0,513
ENSG00000143314	MRPL24	P coding	0,42	1,34	6,45	3,95	8,67E-05	0,001114589	0,512
ENSG00000147604	RPL7	P coding	-0,29	-1,22	10,95	-3,95	8,67E-05	0,001114683	0,512
ENSG00000184009	ACTG1	P coding	-0,43	-1,35	9,51	-3,95	8,69E-05	0,001116628	0,509
ENSG00000261970	AL391840.2	PP	0,26	1,19	0,45	3,95	8,69E-05	0,001116628	0,509
ENSG00000175611	LINC00476	lncRNA	0,29	1,23	3,95	3,95	8,80E-05	0,001129088	0,498
ENSG00000105519	CAPS	P coding	-0,35	-1,28	5,45	-3,95	8,83E-05	0,001132582	0,494
ENSG00000150667	FSIP1	P coding	-0,43	-1,34	0,97	-3,95	8,84E-05	0,001133051	0,493
ENSG00000188167	TMPPE	P coding	0,21	1,16	0,82	3,95	8,84E-05	0,001133051	0,493
ENSG00000255882	AC091814.1	lncRNA	0,26	1,20	0,27	3,95	8,85E-05	0,001133712	0,492
ENSG00000066382	MPPED2	P coding	0,67	1,60	1,19	3,94	8,88E-05	0,001136985	0,489
ENSG00000169976	SF3B5	P coding	0,36	1,28	7,27	3,94	8,94E-05	0,001143669	0,483
ENSG00000201898	AC092809.1	snoRNA	0,44	1,36	0,38	3,94	8,97E-05	0,001146919	0,480
ENSG00000230092	AL669831.4	TUP	0,28	1,21	1,47	3,94	8,98E-05	0,001148257	0,479
ENSG00000123179	EBPL	P coding	-0,39	-1,31	4,88	-3,94	8,99E-05	0,001148827	0,478
ENSG00000170417	TMEM182	P coding	0,34	1,27	4,03	3,94	9,01E-05	0,001150636	0,476
ENSG00000201178	AC007982.1	misc_RNA	0,48	1,39	0,48	3,94	9,02E-05	0,001152069	0,474
ENSG00000001626	CFTR	P coding	0,39	1,31	1,99	3,94	9,03E-05	0,001153108	0,473
ENSG00000189350	TOGARAM2	P coding	0,19	1,14	0,66	3,94	9,10E-05	0,001161082	0,466
ENSG00000233519	AL590490.1	lncRNA	0,24	1,18	0,73	3,94	9,11E-05	0,001161204	0,465
ENSG00000187608	ISG15	P coding	0,96	1,95	6,54	3,94	9,14E-05	0,001164786	0,462
ENSG00000198380	GFPT1	P coding	0,41	1,33	4,38	3,94	9,17E-05	0,001167229	0,459
ENSG00000230153	AF274573.1	lncRNA	0,19	1,14	0,30	3,94	9,17E-05	0,001167229	0,459

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000125869	LAMP5	P coding	-1,80	-3,49	5,94	-3,94	9,19E-05	0,001168972	0,457
ENSG00000118197	DDX59	P coding	0,35	1,27	4,67	3,94	9,20E-05	0,001170405	0,455
ENSG00000268686	AC010643.1	lncRNA	0,18	1,14	0,36	3,94	9,21E-05	0,001171289	0,454
ENSG00000008513	ST3GAL1	P coding	0,78	1,72	3,06	3,93	9,27E-05	0,001177542	0,449
ENSG00000234779	BNC2-AS1	lncRNA	0,37	1,29	0,24	3,93	9,31E-05	0,001182741	0,444
ENSG00000097033	SH3GLB1	P coding	0,30	1,23	6,07	3,93	9,34E-05	0,00118614	0,441
ENSG00000157985	AGAP1	P coding	0,63	1,54	1,14	3,93	9,35E-05	0,001186198	0,441
ENSG00000266913	LINC01841	lncRNA	0,22	1,16	0,63	3,93	9,35E-05	0,001186364	0,440
ENSG00000247735	AC120114.1	lncRNA	0,16	1,12	0,56	3,93	9,41E-05	0,001192486	0,435
ENSG00000205659	LIN52	P coding	0,37	1,29	3,55	3,93	9,43E-05	0,001193877	0,433
ENSG00000138018	SELENOI	P coding	0,25	1,19	3,55	3,93	9,44E-05	0,001194631	0,432
ENSG00000117020	AKT3	P coding	0,53	1,44	1,71	3,93	9,47E-05	0,001198519	0,429
ENSG00000143578	CREB3L4	P coding	0,43	1,35	3,84	3,93	9,48E-05	0,00119895	0,428
ENSG00000116209	TMEM59	P coding	0,36	1,29	9,15	3,93	9,49E-05	0,00120027	0,426
ENSG00000227741	AL121987.2	lncRNA	0,37	1,29	1,22	3,93	9,53E-05	0,001203822	0,423
ENSG00000198208	RPS6KL1	P coding	-0,44	-1,36	3,10	-3,93	9,55E-05	0,00120589	0,421
ENSG00000257526	AC107032.2	lncRNA	0,45	1,37	1,16	3,93	9,58E-05	0,001209211	0,418
ENSG00000140526	ABHD2	P coding	-0,49	-1,41	4,70	-3,93	9,59E-05	0,001209753	0,417
ENSG00000125107	CNOT1	P coding	0,31	1,24	6,41	3,93	9,60E-05	0,001211142	0,416
ENSG00000167395	ZNF646	P coding	0,36	1,29	3,10	3,92	9,62E-05	0,001213057	0,414
ENSG00000111859	NEDD9	P coding	-0,67	-1,59	5,56	-3,92	9,65E-05	0,001216698	0,411
ENSG00000266195	RN75L163P	misc_RNA	0,36	1,28	2,15	3,92	9,72E-05	0,001223418	0,404
ENSG00000183340	JRKL	P coding	0,43	1,34	3,44	3,92	9,74E-05	0,001224839	0,403
ENSG00000134375	TIMM17A	P coding	0,33	1,25	5,88	3,92	9,76E-05	0,001227304	0,400
ENSG00000260231	KDM7A-DT	lncRNA	0,38	1,30	2,62	3,92	9,77E-05	0,001228502	0,399
ENSG00000122481	RWDD3	P coding	0,33	1,25	4,63	3,92	9,79E-05	0,001230081	0,397
ENSG00000112394	SLC16A10	P coding	0,41	1,33	0,85	3,92	9,82E-05	0,001233583	0,394
ENSG00000230979	AC079250.1	PP	-0,28	-1,22	1,35	-3,92	9,85E-05	0,001236273	0,391
ENSG00000259088	AL137779.2	lncRNA	0,31	1,24	1,23	3,92	9,89E-05	0,001240734	0,388
ENSG00000197958	RPL12	P coding	-0,33	-1,26	10,98	-3,92	9,92E-05	0,001243687	0,385
ENSG00000203485	INF2	P coding	0,57	1,49	3,85	3,92	9,94E-05	0,001245031	0,384
ENSG00000235437	LINC01278	lncRNA	0,33	1,26	4,00	3,92	9,94E-05	0,001245149	0,383
ENSG00000159556	ISL2	P coding	-1,05	-2,07	2,87	-3,92	9,96E-05	0,00124682	0,381
ENSG00000081803	CADPS2	P coding	0,57	1,48	5,36	3,92	9,98E-05	0,001249249	0,379
ENSG00000143614	GATAD2B	P coding	0,31	1,24	3,08	3,92	9,99E-05	0,00124938	0,379
ENSG00000250151	ARPC4-TTLL3	P coding	-0,41	-1,33	3,75	-3,92	0,00010002	0,001250624	0,377
ENSG00000218281	H2AC9P	unPP	1,02	2,03	4,30	3,91	0,000100241	0,001252839	0,375
ENSG00000183150	GPR19	P coding	0,33	1,26	1,47	3,91	0,000100313	0,001253179	0,374
ENSG00000241570	PAQR9-AS1	lncRNA	0,23	1,17	1,46	3,91	0,000100625	0,00125653	0,372
ENSG00000114126	TFDP2	P coding	-0,28	-1,22	4,11	-3,91	0,000100857	0,001258875	0,369
ENSG00000270048	AC068790.4	lncRNA	0,29	1,22	0,60	3,91	0,000100974	0,001259779	0,368
ENSG00000226065	ZBTB45P2	PP	0,37	1,29	0,35	3,91	0,000101144	0,001261343	0,367
ENSG00000055332	EIF2AK2	P coding	0,41	1,32	4,14	3,91	0,00010228	0,001274949	0,356
ENSG00000225361	PPP1R26-AS1	lncRNA	0,39	1,31	1,42	3,91	0,000102361	0,001275399	0,355
ENSG00000247595	SPTY2D10S	P coding	0,28	1,22	2,04	3,91	0,000102639	0,001278299	0,353
ENSG00000174885	NLRP6	P coding	0,57	1,48	1,31	3,91	0,000103137	0,001282927	0,348
ENSG00000136104	RNASEH2B	P coding	-0,39	-1,31	5,56	-3,91	0,000103147	0,001282927	0,348
ENSG00000143443	C1orf56	P coding	0,44	1,36	2,86	3,91	0,000103597	0,001287961	0,344

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000095059	DHPS	P coding	-0,27	-1,21	6,57	-3,91	0,000104011	0,001292549	0,340
ENSG00000172508	CARNS1	P coding	0,45	1,37	2,16	3,91	0,000104079	0,001292821	0,340
ENSG00000205885	C1RL-AS1	lncRNA	0,40	1,32	3,12	3,91	0,000104141	0,001293031	0,339
ENSG00000173171	MTX1	P coding	0,34	1,26	5,33	3,90	0,000104824	0,001300932	0,333
ENSG00000272717	AC112236.2	lncRNA	0,37	1,29	1,17	3,90	0,000105096	0,001303227	0,331
ENSG00000105193	RPS16	P coding	-0,32	-1,25	11,62	-3,90	0,0001051	0,001303227	0,331
ENSG00000075826	SEC31B	P coding	-0,39	-1,31	4,14	-3,90	0,000105591	0,001308737	0,326
ENSG00000162526	TSSK3	P coding	0,41	1,33	2,22	3,90	0,000105836	0,0013112	0,324
ENSG00000187514	PTMA	P coding	0,26	1,19	9,95	3,90	0,000105946	0,001311996	0,323
ENSG00000249709	ZNF564	P coding	0,26	1,19	2,37	3,90	0,000106417	0,001316669	0,319
ENSG00000263993	RN7SL786P	misc_RNA	0,25	1,19	0,76	3,90	0,000106601	0,001318377	0,317
ENSG00000133135	RNF128	P coding	0,39	1,31	0,31	3,90	0,000107088	0,001323242	0,313
ENSG00000166946	CCNDBP1	P coding	-0,23	-1,17	6,71	-3,90	0,000107283	0,001325077	0,311
ENSG00000182185	RAD51B	P coding	0,32	1,25	2,38	3,90	0,000107373	0,001325455	0,311
ENSG00000267340	AC060780.2	PP	0,51	1,42	3,78	3,90	0,000107407	0,001325455	0,310
ENSG00000117461	PIK3R3	P coding	-0,53	-1,45	2,22	-3,90	0,000107721	0,001328744	0,307
ENSG00000226645	AP006216.1	lncRNA	0,33	1,26	1,45	3,90	0,000107893	0,001330294	0,306
ENSG00000266126	AC005730.3	lncRNA	0,29	1,22	1,58	3,90	0,00010828	0,001334476	0,303
ENSG00000118985	ELL2	P coding	-0,45	-1,36	8,07	-3,89	0,000109323	0,001346752	0,294
ENSG00000235749	AL390860.1	lncRNA	0,23	1,17	0,40	3,89	0,000109412	0,001347256	0,293
ENSG00000225067	RPL23AP2	PP	-0,17	-1,12	0,43	-3,89	0,00010963	0,001349358	0,291
ENSG00000231074	HCG18	lncRNA	0,33	1,26	4,57	3,89	0,000111066	0,001366445	0,279
ENSG00000173153	ESRRA	P coding	-0,36	-1,28	5,50	-3,89	0,000111392	0,001369265	0,276
ENSG00000065135	GNAI3	P coding	0,30	1,24	4,40	3,89	0,000111495	0,001369929	0,275
ENSG00000159348	CYB5R1	P coding	0,31	1,24	5,95	3,89	0,000111632	0,001371025	0,274
ENSG00000049540	ELN	P coding	0,24	1,18	1,40	3,89	0,000112102	0,001375606	0,270
ENSG00000248634	AC008588.1	lncRNA	0,27	1,21	0,92	3,89	0,00011243	0,001379027	0,267
ENSG00000162931	TRIM17	P coding	0,26	1,20	0,54	3,89	0,000112575	0,001380208	0,266
ENSG00000231784	DBILSP	TUnP	0,16	1,12	0,42	3,89	0,000112721	0,001381333	0,265
ENSG00000137309	HMGA1	P coding	-0,42	-1,34	5,86	-3,89	0,000112764	0,001381333	0,264
ENSG00000104626	ERI1	P coding	0,47	1,38	2,25	3,88	0,000113049	0,001384224	0,262
ENSG00000223006	RN7SKP137	misc_RNA	0,61	1,53	1,37	3,88	0,000113098	0,001384224	0,262
ENSG00000257740	AC073896.3	lncRNA	0,29	1,22	1,29	3,88	0,000113315	0,00138629	0,260
ENSG00000272510	AL121992.3	lncRNA	0,23	1,17	0,34	3,88	0,00011396	0,001393579	0,255
ENSG00000073417	PDE8A	P coding	-0,40	-1,32	4,09	-3,88	0,00011422	0,001396148	0,252
ENSG00000258594	AC021979.1	lncRNA	0,39	1,31	0,72	3,88	0,000114821	0,001402895	0,247
ENSG00000102796	DHRS12	P coding	-0,30	-1,23	3,65	-3,88	0,000114871	0,001402895	0,247
ENSG00000151414	NEK7	P coding	0,40	1,32	4,52	3,88	0,000115194	0,001405881	0,244
ENSG00000115257	PCSK4	P coding	-0,57	-1,48	2,24	-3,88	0,000115214	0,001405881	0,244
ENSG00000253361	AC069120.1	lncRNA	0,29	1,22	0,16	3,88	0,000115437	0,001407409	0,242
ENSG00000117151	CTBS	P coding	0,36	1,28	4,78	3,88	0,000115439	0,001407409	0,242
ENSG00000111266	DUSP16	P coding	0,40	1,32	3,31	3,88	0,000117344	0,001430018	0,227
ENSG00000103253	HAGHL	P coding	-0,62	-1,54	3,79	-3,88	0,000117481	0,001431082	0,226
ENSG00000234284	ZNF879	P coding	0,35	1,28	0,62	3,88	0,000117586	0,00143174	0,225
ENSG00000271452	AC005034.6	lncRNA	0,30	1,24	1,62	3,87	0,000118206	0,001438666	0,220
ENSG00000251009	AC133961.1	lncRNA	0,29	1,22	0,63	3,87	0,000118346	0,001439755	0,219
ENSG00000117500	TMED5	P coding	0,35	1,28	6,60	3,87	0,000119626	0,001454709	0,209
ENSG00000126062	TMEM115	P coding	-0,26	-1,20	4,92	-3,87	0,000119698	0,001454956	0,208

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000173207	CKS1B	P coding	0,54	1,46	5,05	3,87	0,000119763	0,001455127	0,208
ENSG00000215068	AC025171.2	lncRNA	0,45	1,37	3,37	3,87	0,000120895	0,00146825	0,199
ENSG00000174384	PMS2P6	unPP	-0,47	-1,39	1,97	-3,87	0,00012162	0,001475789	0,193
ENSG00000177453	NIM1K	P coding	0,23	1,18	1,42	3,86	0,000122832	0,001489856	0,184
ENSG00000170348	TMED10	P coding	0,35	1,28	8,57	3,86	0,00012291	0,001490162	0,184
ENSG00000266710	RN7SL48P	misc_RNA	0,35	1,27	2,97	3,86	0,000123951	0,001502148	0,176
ENSG00000095794	CREM	P coding	0,30	1,23	4,93	3,86	0,000124294	0,001505357	0,173
ENSG00000235100	AL157400.3	lncRNA	0,18	1,13	1,12	3,86	0,000124322	0,001505357	0,173
ENSG00000232815	DUX4L50	unPP	0,86	1,81	4,03	3,86	0,000125556	0,001519647	0,164
ENSG00000112964	GHR	P coding	0,22	1,16	1,23	3,86	0,000125659	0,00152024	0,163
ENSG00000241406	RN7SL515P	misc_RNA	0,36	1,28	2,16	3,86	0,00012627	0,001526988	0,158
ENSG00000204176	SYT15	P coding	0,24	1,18	1,86	3,86	0,000126723	0,001531115	0,155
ENSG00000163346	PBXIP1	P coding	0,57	1,48	6,82	3,86	0,000126892	0,001532548	0,154
ENSG00000213398	LCAT	P coding	0,48	1,39	3,83	3,86	0,000126982	0,001532982	0,153
ENSG00000269927	AC004817.3	lncRNA	0,13	1,10	0,62	3,86	0,000127167	0,001534562	0,152
ENSG00000226950	DANCR	lncRNA	0,31	1,24	7,92	3,86	0,00012738	0,001536479	0,150
ENSG00000252804	RNU6-958P	snRNA	0,50	1,41	0,60	3,85	0,00012748	0,00153703	0,149
ENSG00000110171	TRIM3	P coding	-0,39	-1,31	3,58	-3,85	0,000127843	0,001540091	0,147
ENSG00000189420	ZFP92	P coding	-0,27	-1,21	0,71	-3,85	0,00012813	0,0015429	0,144
ENSG00000251602	AL928654.1	lncRNA	0,23	1,18	1,06	3,85	0,000128287	0,001544131	0,143
ENSG00000143398	PIP5K1A	P coding	0,32	1,25	5,01	3,85	0,000129373	0,00155654	0,135
ENSG00000139239	RPL14P1	PP	-0,28	-1,22	2,34	-3,85	0,000129623	0,001558886	0,134
ENSG00000158813	EDA	P coding	0,38	1,30	0,85	3,85	0,000130804	0,001571755	0,125
ENSG00000198556	ZNF789	P coding	0,29	1,22	4,10	3,85	0,000131178	0,001575582	0,122
ENSG00000125459	MSTO1	P coding	0,47	1,38	6,37	3,85	0,000131508	0,001578734	0,120
ENSG00000271852	SNORD11B	snoRNA	0,71	1,64	2,54	3,85	0,000131552	0,001578734	0,120
ENSG00000265188	AP001496.3	PP	0,33	1,26	0,57	3,84	0,000133137	0,001597082	0,108
ENSG00000103051	COG4	P coding	0,38	1,30	4,19	3,84	0,000133771	0,001604011	0,104
ENSG00000102921	N4BP1	P coding	0,39	1,31	4,86	3,84	0,000133873	0,001604553	0,103
ENSG00000119280	C1orf198	P coding	0,49	1,40	1,38	3,84	0,000133937	0,001604642	0,103
ENSG00000152904	GGPS1	P coding	0,37	1,29	4,11	3,84	0,000134847	0,001614863	0,097
ENSG00000261248	AC009120.4	lncRNA	0,20	1,15	0,88	3,84	0,00013506	0,001616722	0,095
ENSG00000225978	HAR1A	lncRNA	0,43	1,35	0,65	3,84	0,000135462	0,001620851	0,092
ENSG00000213380	COG8	P coding	0,36	1,28	3,58	3,84	0,000135955	0,001625747	0,089
ENSG00000170468	RIOX1	P coding	0,31	1,24	0,78	3,84	0,000136415	0,001629876	0,086
ENSG00000198839	ZNF277	P coding	-0,27	-1,21	4,13	-3,84	0,000136446	0,001629876	0,085
ENSG00000066027	PPP2R5A	P coding	0,34	1,27	4,50	3,84	0,00013668	0,001631981	0,084
ENSG00000233529	HCG21	lncRNA	0,40	1,32	1,92	3,84	0,000136885	0,001633739	0,082
ENSG00000121644	DESI2	P coding	0,33	1,26	4,51	3,84	0,000136972	0,001634095	0,082
ENSG00000128284	APOL3	P coding	-0,91	-1,88	4,46	-3,84	0,000137236	0,001636552	0,080
ENSG00000226864	ATE1-AS1	TUnP	0,28	1,21	0,83	3,84	0,000137422	0,001638078	0,079
ENSG00000266208	AC080112.2	lncRNA	0,34	1,27	0,73	3,84	0,000137596	0,001639474	0,078
ENSG00000260027	HOXB7	P coding	-0,56	-1,47	1,34	-3,84	0,000137771	0,001640067	0,076
ENSG00000236138	DUX4L26	PP	0,46	1,38	0,66	3,84	0,000137815	0,001640067	0,076
ENSG00000156136	DCK	P coding	0,51	1,42	2,89	3,84	0,00013782	0,001640067	0,076
ENSG00000224032	EPB41L4A-AS1	lncRNA	-0,45	-1,36	6,10	-3,83	0,000138157	0,001643387	0,074
ENSG00000200152	RNU6-216P	snRNA	-0,69	-1,61	6,58	-3,83	0,000138678	0,001648901	0,070
ENSG00000266643	MIR3677	miRNA	0,71	1,64	2,11	3,83	0,000138874	0,001650537	0,069

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000151413	NUBPL	P coding	0,27	1,21	3,36	3,83	0,000139247	0,001654269	0,066
ENSG00000165417	GTF2A1	P coding	0,46	1,37	4,05	3,83	0,000139325	0,001654504	0,066
ENSG00000230310	AC010422.1	lncRNA	0,17	1,12	0,45	3,83	0,000140443	0,00166708	0,058
ENSG00000174744	BRMS1	P coding	-0,23	-1,17	5,68	-3,83	0,000141096	0,001674132	0,054
ENSG00000213047	DENND1B	P coding	0,45	1,37	4,83	3,83	0,000141329	0,001676197	0,052
ENSG00000234141	AC006042.3	lncRNA	-0,37	-1,29	1,63	-3,83	0,000141662	0,001679446	0,050
ENSG00000269560	AC010422.4	lncRNA	0,24	1,18	1,33	3,83	0,000142943	0,001693917	0,042
ENSG00000206875	RNU6-761P	snRNA	0,45	1,36	0,37	3,83	0,000143493	0,001699735	0,038
ENSG00000240499	AC004594.1	lncRNA	0,45	1,37	2,15	3,82	0,00014386	0,001702931	0,036
ENSG00000151117	TMEM86A	P coding	-0,36	-1,28	1,37	-3,82	0,000143883	0,001702931	0,036
ENSG00000116580	GON4L	P coding	0,31	1,24	5,23	3,82	0,000144208	0,001705983	0,034
ENSG00000164236	ANKRD33B	P coding	0,62	1,53	0,78	3,82	0,000144496	0,001708041	0,032
ENSG00000120709	FAM53C	P coding	-0,29	-1,22	5,13	-3,82	0,000144854	0,001711554	0,029
ENSG00000273365	AL451074.6	lncRNA	0,20	1,15	1,11	3,82	0,000145533	0,00171887	0,025
ENSG00000212978	AC016747.1	lncRNA	0,26	1,19	2,87	3,82	0,000145776	0,001720005	0,023
ENSG00000233170	AC138356.2	PP	0,33	1,26	1,09	3,82	0,000145805	0,001720005	0,023
ENSG00000232613	LINC02576	lncRNA	0,79	1,72	4,23	3,82	0,000145823	0,001720005	0,023
ENSG00000172775	PSME3IP1	P coding	0,30	1,23	6,81	3,82	0,000145872	0,001720005	0,023
ENSG00000256733	AP003721.2	lncRNA	0,41	1,33	0,66	3,82	0,000146337	0,001723787	0,020
ENSG00000230325	AL359921.1	lncRNA	0,33	1,26	1,78	3,82	0,000146339	0,001723787	0,020
ENSG00000248794	AC026436.1	PP	0,47	1,39	1,71	3,82	0,000146375	0,001723787	0,020
ENSG00000185332	AC027601.1	lncRNA	0,42	1,34	1,40	3,82	0,00014663	0,001726065	0,018
ENSG00000224649	AF124730.2	lncRNA	0,25	1,19	0,40	3,82	0,000146778	0,001727096	0,017
ENSG00000127325	BEST3	P coding	0,19	1,14	0,62	3,82	0,000147105	0,001729857	0,015
ENSG00000185130	H2BC13	P coding	0,32	1,25	0,62	3,82	0,000147135	0,001729857	0,015
ENSG00000232536	AL365436.2	lncRNA	0,19	1,14	0,46	3,82	0,000147666	0,001734665	0,011
ENSG00000105467	SYNGR4	P coding	0,21	1,16	0,59	3,82	0,000148682	0,001745869	0,005
ENSG00000207009	AC016773.1	misc_RNA	0,53	1,45	0,62	3,82	0,000149191	0,001750461	0,002
ENSG00000167615	LENG8	P coding	-0,38	-1,30	7,82	-3,81	0,000150155	0,001760982	-0,004
ENSG00000255837	TAS2R20	P coding	0,20	1,15	0,59	3,81	0,00015077	0,001767433	-0,008
ENSG00000143603	KCNN3	P coding	0,67	1,59	5,43	3,81	0,000151123	0,001769579	-0,010
ENSG00000124614	RPS10	P coding	-0,28	-1,22	11,14	-3,81	0,000151212	0,001769721	-0,011
ENSG00000223791	UBE2E1-AS1	lncRNA	0,25	1,19	0,90	3,81	0,000151668	0,001774326	-0,014
ENSG00000235480	AC013270.1	lncRNA	0,47	1,38	1,79	3,81	0,000152014	0,001777639	-0,016
ENSG00000129757	CDKN1C	P coding	0,91	1,88	2,45	3,81	0,000153882	0,001798736	-0,027
ENSG00000058056	USP13	P coding	0,45	1,37	1,52	3,81	0,000154554	0,00180491	-0,031
ENSG00000136059	VILL	P coding	-0,28	-1,22	4,82	-3,81	0,000154601	0,00180491	-0,032
ENSG00000228834	AL445189.2	PP	-0,48	-1,39	1,32	-3,81	0,000154793	0,001806404	-0,033
ENSG00000141854	MISP3	P coding	0,43	1,35	3,94	3,81	0,000155112	0,001809388	-0,035
ENSG00000256150	ITFG2-AS1	lncRNA	0,33	1,25	0,65	3,80	0,000155822	0,001816913	-0,039
ENSG00000233016	SNHG7	lncRNA	-0,43	-1,35	5,84	-3,80	0,00015592	0,001817314	-0,040
ENSG00000049323	LTBP1	P coding	-0,65	-1,57	3,28	-3,80	0,000157571	0,001834464	-0,050
ENSG00000258472	AC005726.1	P coding	0,26	1,20	2,13	3,80	0,000157586	0,001834464	-0,050
ENSG00000164181	ELOVL7	P coding	-0,70	-1,63	3,07	-3,80	0,000157859	0,001836898	-0,051
ENSG00000072135	PTPN18	P coding	0,73	1,66	4,98	3,80	0,000159003	0,00184944	-0,058
ENSG00000254718	AL157756.1	lncRNA	0,34	1,27	1,90	3,80	0,000159122	0,00185007	-0,059
ENSG00000263527	MIR4526	miRNA	0,64	1,56	1,02	3,80	0,000159858	0,001857105	-0,063
ENSG00000229327	AL391839.1	lncRNA	0,42	1,34	1,21	3,80	0,00016015	0,00185974	-0,065

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000244560	AC004890.2	TUP	-0,44	-1,36	4,21	-3,80	0,000160636	0,001864616	-0,068
ENSG00000141665	FBXO15	P coding	0,29	1,23	2,51	3,80	0,000161158	0,001869908	-0,071
ENSG00000229052	AL449283.1	TPP	0,16	1,12	0,70	3,79	0,000161738	0,001875864	-0,074
ENSG00000179452	LINC01699	lncRNA	0,23	1,17	0,22	3,79	0,000163352	0,001893818	-0,083
ENSG00000199347	RNU5E-1	snRNA	0,94	1,92	5,37	3,79	0,000164015	0,001900728	-0,087
ENSG00000265185	SNORD3B-1	snoRNA	0,78	1,71	3,24	3,79	0,000164164	0,001901674	-0,088
ENSG00000237786	GFOD1-AS1	lncRNA	0,26	1,19	0,41	3,79	0,000164361	0,001903004	-0,089
ENSG00000163931	TKT	P coding	-0,33	-1,26	6,48	-3,79	0,000164413	0,001903004	-0,089
ENSG00000109475	RPL34	P coding	-0,34	-1,27	11,44	-3,79	0,000164996	0,001908969	-0,093
ENSG00000117362	APH1A	P coding	0,30	1,23	6,93	3,79	0,000165355	0,001910998	-0,095
ENSG00000070610	GBA2	P coding	-0,28	-1,21	6,86	-3,79	0,000165374	0,001910998	-0,095
ENSG00000235802	HCFC1-AS1	lncRNA	0,46	1,38	1,40	3,79	0,000165606	0,001912902	-0,096
ENSG00000198890	PRMT6	P coding	0,51	1,43	1,73	3,79	0,000165698	0,001913188	-0,097
ENSG00000204805	AL391987.2	P coding	0,17	1,12	0,44	3,79	0,000166292	0,001919267	-0,100
ENSG00000243954	RN7SL743P	misc_RNA	0,24	1,18	0,70	3,79	0,000166593	0,001921951	-0,102
ENSG00000172009	THOP1	P coding	-0,27	-1,21	4,98	-3,79	0,000166848	0,001924117	-0,103
ENSG00000253632	AC084026.2	lncRNA	0,47	1,38	1,54	3,79	0,000166958	0,00192413	-0,104
ENSG00000198860	TSEN15	P coding	0,39	1,31	5,60	3,79	0,000166985	0,00192413	-0,104
ENSG00000231908	IDH1-AS1	lncRNA	0,23	1,17	1,02	3,79	0,000167297	0,00192694	-0,106
ENSG00000237934	AL590729.1	lncRNA	0,20	1,15	0,76	3,78	0,000169412	0,001950507	-0,118
ENSG00000259448	LINC02352	lncRNA	0,51	1,42	3,22	3,78	0,000170453	0,0019617	-0,123
ENSG00000155903	RASA2	P coding	-0,36	-1,28	4,93	-3,78	0,000170797	0,001964859	-0,125
ENSG00000119403	PHF19	P coding	0,67	1,59	3,90	3,78	0,000171177	0,001967632	-0,127
ENSG00000203356	LINC01562	lncRNA	0,27	1,21	1,89	3,78	0,000171729	0,001973173	-0,130
ENSG00000259215	AC027237.4	lncRNA	0,21	1,16	0,79	3,78	0,000173056	0,001987624	-0,137
ENSG00000199805	RNU1-134P	snRNA	0,25	1,19	0,24	3,78	0,000173198	0,001988411	-0,138
ENSG00000257718	CPNE8-AS1	lncRNA	0,57	1,49	1,08	3,78	0,000173331	0,001988411	-0,139
ENSG00000106415	GLCCI1	P coding	-0,57	-1,48	7,96	-3,78	0,000173335	0,001988411	-0,139
ENSG00000171806	METTL18	P coding	0,44	1,36	3,04	3,78	0,000173567	0,001990258	-0,140
ENSG00000108960	MMD	P coding	0,40	1,32	2,68	3,78	0,000173765	0,001991729	-0,141
ENSG00000166025	AMOTL1	P coding	0,47	1,38	0,70	3,78	0,000174245	0,001996428	-0,144
ENSG00000158555	GDPD5	P coding	-0,62	-1,54	2,56	-3,77	0,000175273	0,002007395	-0,149
ENSG00000266605	LONRF2P1	PP	0,26	1,19	0,20	3,77	0,000175418	0,002008241	-0,150
ENSG00000111850	SMIM8	P coding	0,33	1,25	2,27	3,77	0,000175591	0,002009406	-0,151
ENSG00000106459	NRF1	P coding	0,21	1,16	3,59	3,77	0,000176131	0,002014048	-0,154
ENSG00000149809	TM7SF2	P coding	-0,36	-1,29	4,73	-3,77	0,000176139	0,002014048	-0,154
ENSG00000237483	RPS27AP8	PP	0,19	1,14	0,36	3,77	0,000176269	0,002014721	-0,155
ENSG00000253924	AC103831.1	lncRNA	0,25	1,19	0,31	3,77	0,000176813	0,002019001	-0,158
ENSG00000252724	CR769767.2	snoRNA	0,23	1,17	0,17	3,77	0,000176857	0,002019001	-0,158
ENSG00000261326	LINC01355	lncRNA	0,29	1,22	0,62	3,77	0,000176992	0,00201973	-0,159
ENSG00000008382	MPND	P coding	-0,28	-1,21	4,52	-3,77	0,000177203	0,002021268	-0,160
ENSG00000213442	RPL18AP3	PP	-0,33	-1,25	1,83	-3,77	0,000177269	0,002021268	-0,160
ENSG00000120327	PCDHB14	P coding	0,41	1,33	1,25	3,77	0,000177363	0,002021356	-0,161
ENSG00000137210	TMEM14B	P coding	0,24	1,18	6,45	3,77	0,000177419	0,002021356	-0,161
ENSG00000268678	AC005261.2	lncRNA	0,28	1,22	1,20	3,77	0,000180746	0,002058425	-0,178
ENSG00000245148	ARAP1-AS2	lncRNA	-0,23	-1,17	1,05	-3,77	0,000181092	0,002061542	-0,180
ENSG00000188613	NANOS1	P coding	0,60	1,52	2,05	3,77	0,000181505	0,00206541	-0,182
ENSG00000231057	AC096637.3	lncRNA	0,29	1,22	2,26	3,77	0,000181773	0,002067628	-0,184

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000197993	KEL	P coding	0,32	1,25	0,46	3,76	0,000182602	0,002075622	-0,188
ENSG00000101489	CELF4	P coding	0,27	1,20	0,54	3,76	0,000182622	0,002075622	-0,188
ENSG00000174915	PTDSS2	P coding	-0,26	-1,19	4,49	-3,76	0,000183484	0,002084589	-0,192
ENSG00000227855	DPY19L2P3	TUP	0,36	1,28	2,94	3,76	0,000184109	0,002090852	-0,195
ENSG00000205056	LINC02397	lncRNA	0,36	1,28	0,65	3,76	0,00018469	0,002096603	-0,198
ENSG00000162695	SLC30A7	P coding	0,32	1,25	3,85	3,76	0,000184938	0,002098235	-0,200
ENSG00000164751	PEX2	P coding	0,34	1,27	5,42	3,76	0,000184982	0,002098235	-0,200
ENSG00000131127	ZNF141	P coding	0,47	1,39	2,38	3,76	0,000185252	0,002099491	-0,201
ENSG00000175390	EIF3F	P coding	-0,27	-1,20	7,66	-3,76	0,000185298	0,002099491	-0,202
ENSG00000085185	BCORL1	P coding	0,42	1,34	2,67	3,76	0,000185389	0,002099491	-0,202
ENSG00000068078	FGFR3	P coding	1,66	3,16	1,63	3,76	0,000186679	0,002113069	-0,208
ENSG00000100316	RPL3	P coding	-0,30	-1,23	11,66	-3,76	0,000186737	0,002113069	-0,209
ENSG00000177189	RPS6KA3	P coding	0,31	1,24	3,60	3,76	0,000187429	0,002120053	-0,212
ENSG00000166965	RCCD1	P coding	-0,38	-1,30	3,96	-3,76	0,000188321	0,002129293	-0,217
ENSG00000186310	NAP1L3	P coding	0,44	1,36	0,56	3,75	0,000189239	0,002138819	-0,221
ENSG00000226029	LINC01772	lncRNA	0,16	1,12	0,74	3,75	0,000189785	0,002144144	-0,224
ENSG00000242798	AC073842.2	lncRNA	0,36	1,28	1,81	3,75	0,000191513	0,002162803	-0,232
ENSG00000162836	ACP6	P coding	0,42	1,34	4,30	3,75	0,000191938	0,002166741	-0,234
ENSG00000272627	AC016542.1	lncRNA	0,20	1,15	0,47	3,75	0,000192948	0,002176401	-0,239
ENSG00000236552	RPL13AP5	PP	-0,37	-1,29	2,37	-3,75	0,000195853	0,002205662	-0,253
ENSG00000156170	NDUFAF6	P coding	0,31	1,24	5,07	3,75	0,000196009	0,002206543	-0,254
ENSG00000181284	TMEM102	P coding	-0,36	-1,29	2,23	-3,75	0,000196167	0,002207449	-0,255
ENSG00000060138	YBX3	P coding	1,31	2,48	4,71	3,75	0,000196416	0,002209372	-0,256
ENSG00000205710	C17orf107	P coding	0,57	1,48	2,17	3,74	0,000197116	0,002216365	-0,259
ENSG00000111676	ATN1	P coding	0,33	1,26	4,97	3,74	0,000197556	0,002220424	-0,261
ENSG00000257027	AC010186.3	lncRNA	0,32	1,25	1,53	3,74	0,000198823	0,002232894	-0,267
ENSG00000201412	AL590080.1	misc_RNA	0,21	1,15	0,10	3,74	0,00020138	0,002260082	-0,279
ENSG00000203930	LINC00632	lncRNA	0,63	1,54	0,82	3,74	0,000201403	0,002260082	-0,280
ENSG00000143368	SF3B4	P coding	0,34	1,26	5,20	3,74	0,000201545	0,002260456	-0,280
ENSG00000135829	DHX9	P coding	0,28	1,21	6,26	3,74	0,000201596	0,002260456	-0,280
ENSG00000269894	AC018809.1	lncRNA	0,33	1,26	1,70	3,74	0,000202088	0,002265077	-0,283
ENSG00000138757	G3BP2	P coding	0,28	1,21	6,31	3,74	0,000203088	0,002275384	-0,287
ENSG00000105472	CLEC11A	P coding	0,62	1,53	0,87	3,74	0,000203679	0,002281107	-0,290
ENSG00000060642	PIGV	P coding	0,40	1,32	3,32	3,73	0,000205336	0,002297852	-0,298
ENSG00000097096	SYDE2	P coding	0,26	1,19	0,63	3,73	0,000205984	0,002304187	-0,301
ENSG00000142233	NTN5	P coding	-0,24	-1,18	0,57	-3,73	0,000206152	0,002305161	-0,301
ENSG00000179299	NSUN7	P coding	0,55	1,47	1,30	3,73	0,00020626	0,002305457	-0,302
ENSG00000255118	AP003306.2	lncRNA	0,17	1,13	0,66	3,73	0,000206607	0,00230843	-0,303
ENSG00000269416	LINC01224	lncRNA	0,20	1,15	0,62	3,73	0,000207208	0,002314227	-0,306
ENSG00000166710	B2M	P coding	0,37	1,30	14,82	3,73	0,000207448	0,002316	-0,307
ENSG00000125166	GOT2	P coding	0,32	1,25	4,71	3,73	0,00020763	0,00231712	-0,308
ENSG00000150048	CLEC1A	P coding	0,22	1,17	0,78	3,73	0,000207717	0,002317171	-0,308
ENSG00000237149	ZNF503-AS2	lncRNA	0,25	1,19	0,34	3,73	0,000208773	0,002328041	-0,313
ENSG00000139180	NDUFA9	P coding	0,23	1,17	6,04	3,73	0,000209284	0,002332818	-0,315
ENSG00000249085	AC035140.1	lncRNA	0,24	1,18	0,67	3,73	0,000211978	0,002361923	-0,327
ENSG00000136810	TXN	P coding	-0,34	-1,26	8,43	-3,72	0,000213238	0,002375025	-0,333
ENSG00000180398	MCFD2	P coding	0,29	1,22	6,24	3,72	0,000214576	0,002388991	-0,339
ENSG00000173578	XCR1	P coding	-0,52	-1,43	2,17	-3,72	0,000214971	0,002392454	-0,341

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000189157	FAM47E	P coding	0,23	1,17	1,92	3,72	0,000215337	0,002395582	-0,342
ENSG00000188004	SNHG28	lncRNA	0,39	1,31	0,74	3,72	0,00021553	0,002396784	-0,343
ENSG00000139714	MORN3	P coding	0,20	1,15	0,58	3,72	0,000215771	0,00239772	-0,344
ENSG00000010318	PHF7	P coding	0,30	1,23	3,75	3,72	0,000215783	0,00239772	-0,344
ENSG00000215246	AC116351.1	lncRNA	0,13	1,10	0,75	3,72	0,000217016	0,002409533	-0,349
ENSG00000148498	PARD3	P coding	1,16	2,24	3,36	3,72	0,000217805	0,00241735	-0,353
ENSG00000188641	DPYD	P coding	0,33	1,26	3,75	3,72	0,000218199	0,00242077	-0,354
ENSG00000261058	AC099508.2	lncRNA	0,15	1,11	0,50	3,72	0,000218301	0,002420959	-0,355
ENSG00000196890	H2BU1	P coding	0,67	1,59	0,81	3,72	0,000220361	0,002442846	-0,364
ENSG00000110700	RPS13	P coding	-0,33	-1,26	10,96	-3,71	0,000221401	0,002453415	-0,368
ENSG00000177628	GBA	P coding	0,45	1,37	5,59	3,71	0,000221517	0,002453741	-0,369
ENSG00000027075	PRKCH	P coding	0,30	1,23	2,15	3,71	0,000222891	0,002467027	-0,374
ENSG00000232527	LINC02802	lncRNA	0,46	1,37	2,15	3,71	0,00022386	0,002475819	-0,378
ENSG00000130175	PRKCSH	P coding	-0,23	-1,17	8,37	-3,71	0,000224574	0,002482749	-0,381
ENSG00000199824	RNU6-199P	snRNA	0,44	1,36	0,50	3,71	0,000225147	0,002488115	-0,384
ENSG00000171735	CAMTA1	P coding	0,26	1,20	5,44	3,71	0,000225564	0,002491747	-0,386
ENSG00000144468	RHBDD1	P coding	0,32	1,25	5,47	3,71	0,000226121	0,00249596	-0,388
ENSG00000160714	UBE2Q1	P coding	0,27	1,21	6,96	3,71	0,000227764	0,002513116	-0,395
ENSG00000206503	HLA-A	P coding	0,46	1,37	10,03	3,70	0,000230408	0,002540311	-0,405
ENSG00000178096	BOLA1	P coding	0,48	1,39	4,61	3,70	0,000231102	0,00254697	-0,408
ENSG00000266929	AC067852.1	lncRNA	0,18	1,14	0,47	3,70	0,000231703	0,002552601	-0,411
ENSG00000166483	WEE1	P coding	0,76	1,69	2,69	3,70	0,000232463	0,002559436	-0,414
ENSG00000271533	Z83843.1	lncRNA	0,37	1,29	1,87	3,70	0,000232504	0,002559436	-0,414
ENSG00000268093	AC022154.1	lncRNA	0,28	1,21	2,70	3,70	0,000233397	0,002568273	-0,417
ENSG00000273428	AC004832.6	lncRNA	0,28	1,22	0,59	3,70	0,000235198	0,002585422	-0,425
ENSG00000230392	AC004835.1	lncRNA	0,16	1,12	1,13	3,70	0,000235229	0,002585422	-0,425
ENSG00000183513	COA5	P coding	0,24	1,18	5,69	3,70	0,000235416	0,002586472	-0,426
ENSG00000228955	AL591623.2	PP	-0,56	-1,48	2,38	-3,70	0,000236127	0,002593278	-0,428
ENSG00000235681	AC245884.3	PP	0,58	1,49	2,88	3,70	0,00023695	0,002601309	-0,432
ENSG00000234041	AL512326.5	PP	0,24	1,18	0,24	3,70	0,000237284	0,002603974	-0,433
ENSG00000103148	NPRL3	P coding	0,33	1,26	3,99	3,69	0,000240123	0,002634105	-0,444
ENSG00000176261	ZBTB80S	P coding	0,23	1,17	6,53	3,69	0,00024308	0,002664481	-0,455
ENSG00000163125	RPRD2	P coding	0,35	1,28	3,94	3,69	0,000243823	0,002671592	-0,458
ENSG00000141076	UTP4	P coding	0,26	1,20	4,68	3,69	0,00024474	0,002680604	-0,462
ENSG00000105401	CDC37	P coding	-0,20	-1,15	7,46	-3,69	0,000244904	0,002681355	-0,462
ENSG00000263945	MIR548Y	miRNA	0,24	1,18	0,12	3,69	0,000244998	0,002681355	-0,463
ENSG00000242247	ARFGAP3	P coding	0,30	1,23	6,11	3,69	0,000245793	0,002689021	-0,466
ENSG00000223891	OSER1-DT	lncRNA	0,42	1,33	3,61	3,69	0,000247462	0,002705441	-0,472
ENSG00000238015	AC104837.2	PP	0,22	1,16	0,28	3,69	0,000247485	0,002705441	-0,472
ENSG00000143543	JTB	P coding	0,24	1,18	8,05	3,68	0,000248824	0,002719034	-0,477
ENSG00000272911	AC005696.3	lncRNA	0,42	1,34	1,43	3,68	0,000248993	0,002719827	-0,478
ENSG00000100181	TPTEP1	TUP	0,56	1,47	2,96	3,68	0,000249565	0,002725028	-0,480
ENSG00000089775	ZBTB25	P coding	0,29	1,22	3,38	3,68	0,00024977	0,002726214	-0,481
ENSG00000256981	AC134349.2	unPP	0,16	1,12	0,34	3,68	0,0002518	0,00274602	-0,488
ENSG00000272668	AL590560.3	lncRNA	0,64	1,56	1,15	3,68	0,000251871	0,00274602	-0,489
ENSG00000235244	DANT2	lncRNA	0,44	1,36	3,15	3,68	0,000251875	0,00274602	-0,489
ENSG00000163964	PIGX	P coding	-0,28	-1,21	4,34	-3,68	0,000252449	0,002751222	-0,491
ENSG00000186919	ZACN	P coding	-0,47	-1,38	2,54	-3,68	0,000253426	0,00276081	-0,494

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000110169	HPX	P coding	-0,43	-1,35	1,36	-3,68	0,000253638	0,002762054	-0,495
ENSG00000106546	AHR	P coding	0,68	1,60	1,62	3,68	0,000255101	0,002775655	-0,501
ENSG00000233705	SLC26A4-AS1	lncRNA	0,21	1,16	0,79	3,68	0,000255127	0,002775655	-0,501
ENSG00000252755	RNU6-703P	snRNA	0,38	1,31	0,35	3,68	0,000255285	0,002775655	-0,501
ENSG00000130758	MAP3K10	P coding	-0,29	-1,22	4,75	-3,68	0,000255332	0,002775655	-0,501
ENSG00000104205	SGK3	P coding	0,33	1,25	4,18	3,68	0,000255377	0,002775655	-0,502
ENSG00000171241	SHCBP1	P coding	0,54	1,46	2,51	3,68	0,000255569	0,002776682	-0,502
ENSG00000260630	SNAI3-AS1	lncRNA	0,42	1,34	2,46	3,68	0,000256153	0,00278196	-0,504
ENSG00000260677	AL445531.1	lncRNA	0,14	1,10	0,84	3,68	0,000256801	0,002787925	-0,507
ENSG00000171720	HDAC3	P coding	-0,21	-1,16	6,05	-3,68	0,000257315	0,002792443	-0,509
ENSG00000152292	SH2D6	P coding	0,23	1,17	2,09	3,67	0,000258806	0,002806719	-0,514
ENSG00000231721	LINC-PINT	lncRNA	0,52	1,44	6,47	3,67	0,000258829	0,002806719	-0,514
ENSG00000157014	TATDN2	P coding	-0,23	-1,18	4,75	-3,67	0,00025929	0,002810647	-0,516
ENSG00000248399	AL645924.1	lncRNA	0,32	1,25	0,60	3,67	0,000259754	0,002814593	-0,517
ENSG00000163344	PMVK	P coding	0,39	1,31	5,81	3,67	0,000260176	0,002818093	-0,519
ENSG00000254245	PCDHGA3	P coding	0,23	1,17	0,32	3,67	0,00026034	0,002818794	-0,520
ENSG00000272755	AC245297.2	lncRNA	0,50	1,41	2,92	3,67	0,000260592	0,002820438	-0,520
ENSG00000262246	CORO7	P coding	0,58	1,49	5,70	3,67	0,000261458	0,00282874	-0,524
ENSG00000265490	AP001178.2	lncRNA	0,42	1,34	1,39	3,67	0,000262318	0,002836962	-0,527
ENSG00000143315	PIGM	P coding	0,40	1,32	3,38	3,67	0,000262773	0,002840066	-0,528
ENSG00000265894	RN7SL357P	misc_RNA	0,34	1,26	1,69	3,67	0,000262806	0,002840066	-0,528
ENSG00000262879	AC005670.3	lncRNA	0,31	1,24	3,62	3,67	0,000263095	0,002842104	-0,529
ENSG00000168275	COA6	P coding	0,44	1,35	4,42	3,67	0,000263544	0,00284587	-0,531
ENSG00000255987	TOMM20P2	PP	0,46	1,37	1,02	3,67	0,00026373	0,002846796	-0,532
ENSG00000055732	MCOLN3	P coding	0,19	1,14	0,67	3,67	0,00026397	0,002848301	-0,532
ENSG00000253477	AC012213.1	lncRNA	0,18	1,13	0,48	3,67	0,000265	0,002858327	-0,536
ENSG00000264615	RN7SL592P	misc_RNA	0,30	1,23	2,28	3,67	0,000265554	0,002863221	-0,538
ENSG00000260219	CD2BP2-DT	lncRNA	0,35	1,27	2,52	3,67	0,000267276	0,002880686	-0,544
ENSG00000258818	RNASE4	P coding	0,67	1,59	3,85	3,66	0,000268173	0,002889259	-0,547
ENSG00000230202	AL450405.1	PP	-0,49	-1,40	2,08	-3,66	0,00026845	0,002890765	-0,548
ENSG00000261777	AC012184.3	lncRNA	0,26	1,20	1,15	3,66	0,000268517	0,002890765	-0,548
ENSG00000231729	ARHGEF9-IT1	lncRNA	0,19	1,14	0,43	3,66	0,000268747	0,002892147	-0,549
ENSG00000136014	USP44	P coding	0,25	1,19	0,38	3,66	0,000269575	0,002899956	-0,552
ENSG00000075340	ADD2	P coding	0,41	1,33	0,90	3,66	0,000269941	0,002902783	-0,553
ENSG00000135253	KCP	P coding	-0,43	-1,34	2,63	-3,66	0,000270604	0,002908808	-0,556
ENSG00000267185	PTP4A2P1	PP	0,27	1,21	0,82	3,66	0,000271542	0,002917788	-0,559
ENSG00000105393	BABAM1	P coding	-0,21	-1,16	6,58	-3,66	0,000271661	0,002917962	-0,559
ENSG00000231367	LINC02613	lncRNA	0,20	1,15	0,82	3,66	0,000272271	0,002922423	-0,561
ENSG00000126934	MAP2K2	P coding	-0,22	-1,16	6,99	-3,66	0,000272282	0,002922423	-0,561
ENSG00000212802	RPL15P3	PP	-0,23	-1,17	1,21	-3,66	0,000273953	0,002939242	-0,567
ENSG00000263004	AC007114.1	lncRNA	0,35	1,27	3,04	3,66	0,000274346	0,002941228	-0,568
ENSG00000139644	TMBIM6	P coding	0,44	1,36	9,70	3,66	0,000275031	0,002947456	-0,571
ENSG00000229102	AC076966.2	lncRNA	0,18	1,13	0,29	3,66	0,000276387	0,002960876	-0,575
ENSG00000273407	AC069294.1	lncRNA	0,25	1,19	0,75	3,66	0,00027688	0,002965031	-0,577
ENSG00000267175	AC105094.2	lncRNA	0,21	1,16	0,84	3,66	0,000277492	0,002970468	-0,579
ENSG00000108852	MPP2	P coding	-0,26	-1,19	0,73	-3,66	0,000277735	0,00297194	-0,580
ENSG00000231868	AL031848.1	lncRNA	0,23	1,17	0,81	3,65	0,000279133	0,002983883	-0,585
ENSG00000081913	PHLPP1	P coding	0,38	1,30	1,31	3,65	0,000279145	0,002983883	-0,585

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000159217	IGF2BP1	P coding	0,17	1,12	0,82	3,65	0,000279167	0,002983883	-0,585
ENSG00000272564	AC012511.1	lncRNA	0,25	1,19	0,60	3,65	0,000279741	0,002988891	-0,587
ENSG00000223496	EXOSC6	P coding	0,27	1,20	4,18	3,65	0,000280493	0,002995795	-0,589
ENSG00000109814	UGDH	P coding	0,42	1,34	3,63	3,65	0,000280099	0,002999983	-0,591
ENSG00000100578	KIAA0586	P coding	0,33	1,26	3,23	3,65	0,000283281	0,0030233	-0,598
ENSG00000254343	AC091563.1	lncRNA	0,75	1,68	3,65	3,65	0,000283674	0,003025716	-0,600
ENSG00000198855	FICD	P coding	0,41	1,33	4,75	3,65	0,000283721	0,003025716	-0,600
ENSG00000236088	COX10-AS1	lncRNA	0,35	1,28	3,40	3,65	0,000284038	0,003026822	-0,601
ENSG00000226688	ENTPD1-AS1	lncRNA	0,31	1,24	2,95	3,65	0,000284166	0,003027045	-0,601
ENSG00000196993	NPIB9	P coding	0,47	1,38	1,29	3,65	0,000284835	0,003033303	-0,604
ENSG00000107014	RLN2	P coding	-0,44	-1,35	1,30	-3,65	0,000285053	0,003034218	-0,604
ENSG00000063180	CA11	P coding	0,36	1,28	4,03	3,65	0,000286425	0,003047678	-0,609
ENSG00000163013	FBXO41	P coding	-0,50	-1,41	3,43	-3,65	0,000287181	0,003054571	-0,611
ENSG00000126583	PRKCG	P coding	0,23	1,17	0,23	3,65	0,000287968	0,003061788	-0,614
ENSG00000228817	BACH1-IT2	lncRNA	0,20	1,15	0,64	3,65	0,000288804	0,003069	-0,616
ENSG00000143870	PDIA6	P coding	0,36	1,28	8,97	3,65	0,000288862	0,003069	-0,617
ENSG00000234604	AL021068.1	PP	0,72	1,65	3,19	3,64	0,000290604	0,003086347	-0,622
ENSG00000272004	FO704657.1	lncRNA	0,42	1,34	1,04	3,64	0,000292002	0,003100033	-0,627
ENSG00000180479	ZNF571	P coding	0,37	1,29	2,19	3,64	0,000292722	0,00310651	-0,629
ENSG00000091527	CDV3	P coding	-0,33	-1,26	8,59	-3,64	0,000292918	0,00310743	-0,630
ENSG00000215105	TTC3P1	PP	0,51	1,42	2,09	3,64	0,000294143	0,003119263	-0,634
ENSG00000114383	TUSC2	P coding	-0,22	-1,16	5,33	-3,64	0,00029448	0,003121664	-0,635
ENSG00000197956	S100A6	P coding	0,91	1,88	7,78	3,64	0,00029481	0,003123993	-0,636
ENSG00000270951	AL121917.2	lncRNA	0,28	1,22	0,66	3,64	0,000295293	0,003127939	-0,637
ENSG00000268362	AC092279.1	lncRNA	0,33	1,26	1,20	3,64	0,000295591	0,003129028	-0,638
ENSG00000213625	LEPROT	P coding	0,29	1,22	5,19	3,64	0,000295616	0,003129028	-0,638
ENSG00000198805	PNP	P coding	0,66	1,58	6,36	3,64	0,000296379	0,003135929	-0,641
ENSG00000239920	AC104389.5	P coding	0,16	1,12	0,63	3,64	0,000296666	0,003137794	-0,642
ENSG00000161940	BCL6B	P coding	0,38	1,30	0,58	3,64	0,000297144	0,003141676	-0,643
ENSG00000058091	CDK14	P coding	0,39	1,31	5,23	3,64	0,000297511	0,003144385	-0,644
ENSG00000146856	AGBL3	P coding	0,47	1,39	4,27	3,64	0,000298003	0,00314841	-0,646
ENSG00000104142	VPS18	P coding	-0,26	-1,19	3,00	-3,64	0,00029895	0,003157244	-0,649
ENSG00000218073	AL021407.3	PP	0,27	1,21	0,59	3,64	0,000299522	0,00316192	-0,650
ENSG00000229589	ACVR2B-AS1	lncRNA	0,21	1,15	0,98	3,64	0,000299616	0,00316192	-0,651
ENSG00000143393	PI4KB	P coding	0,28	1,21	5,68	3,64	0,000300227	0,00316719	-0,653
ENSG00000181577	C6orf223	P coding	0,18	1,13	0,21	3,63	0,000300539	0,003169303	-0,654
ENSG00000142089	IFITM3	P coding	0,66	1,58	3,58	3,63	0,000302719	0,003191106	-0,660
ENSG00000233325	MIPEPP3	TUP	0,33	1,26	1,72	3,63	0,000305007	0,003213302	-0,667
ENSG00000070404	FSTL3	P coding	0,39	1,31	2,18	3,63	0,000305052	0,003213302	-0,668
ENSG00000116489	CAPZA1	P coding	0,24	1,18	6,41	3,63	0,000306269	0,003224924	-0,671
ENSG00000180071	ANKRD18A	P coding	0,32	1,25	1,04	3,63	0,000306599	0,003227197	-0,672
ENSG00000116984	MTR	P coding	0,34	1,26	3,70	3,63	0,000307128	0,003231574	-0,674
ENSG00000163625	WDFY3	P coding	0,56	1,47	1,57	3,63	0,000309152	0,003251043	-0,680
ENSG00000095739	BAMBI	P coding	0,72	1,64	0,96	3,63	0,000309208	0,003251043	-0,680
ENSG00000216863	LY86-AS1	lncRNA	-0,48	-1,39	2,08	-3,63	0,000309452	0,003252396	-0,681
ENSG00000207815	MIR563	miRNA	0,66	1,58	1,30	3,63	0,000310634	0,003263619	-0,684
ENSG00000216895	AC009403.1	lncRNA	0,32	1,25	4,53	3,63	0,000311827	0,003274939	-0,688
ENSG00000186462	NAP1L2	P coding	0,88	1,84	2,25	3,62	0,00031447	0,00330147	-0,696

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000255002	LINC02324	lncRNA	0,16	1,12	0,87	3,62	0,000314714	0,00330281	-0,697
ENSG00000101605	MYOM1	P coding	0,28	1,21	1,12	3,62	0,000315951	0,003314566	-0,700
ENSG00000261140	AC093525.4	lncRNA	0,29	1,22	2,73	3,62	0,000316126	0,00331517	-0,701
ENSG00000203739	AL645568.1	lncRNA	0,24	1,18	1,03	3,62	0,000316634	0,003319271	-0,702
ENSG00000156535	CD109	P coding	0,48	1,40	0,60	3,62	0,000316942	0,003321268	-0,703
ENSG00000223396	RPS10P7	TPP	0,33	1,25	2,24	3,62	0,000318668	0,003338124	-0,708
ENSG00000143257	NR1I3	P coding	0,19	1,14	0,99	3,62	0,000319629	0,003346955	-0,711
ENSG00000086598	TMED2	P coding	0,29	1,22	7,90	3,62	0,000319841	0,003347934	-0,712
ENSG00000204261	PSMB8-AS1	lncRNA	0,43	1,34	6,11	3,62	0,000321298	0,003361943	-0,716
ENSG00000196810	CTBP1-DT	lncRNA	0,35	1,28	3,92	3,62	0,000321549	0,003363333	-0,717
ENSG00000228492	RAB11FIP1P1	PP	0,33	1,26	1,88	3,62	0,000322498	0,003371383	-0,719
ENSG00000198286	CARD11	P coding	0,95	1,94	2,16	3,62	0,000322557	0,003371383	-0,720
ENSG00000143553	SNAPIN	P coding	0,37	1,30	4,73	3,62	0,000323855	0,003382456	-0,723
ENSG00000130734	ATG4D	P coding	-0,27	-1,21	5,16	-3,61	0,000329066	0,003435622	-0,738
ENSG00000252677	AC106037.1	snoRNA	0,39	1,31	0,69	3,61	0,000329444	0,003438296	-0,739
ENSG00000206659	Z99297.1	misc_RNA	0,61	1,52	1,09	3,61	0,000329626	0,003438934	-0,740
ENSG00000113273	ARSB	P coding	0,27	1,21	3,64	3,61	0,000333291	0,003475889	-0,750
ENSG00000258352	IFITM3P6	TPP	-0,52	-1,44	2,14	-3,61	0,000334632	0,003487312	-0,754
ENSG00000201654	RNU6-7	snRNA	0,66	1,58	5,57	3,61	0,000335938	0,003499627	-0,757
ENSG00000143786	CNIH3	P coding	0,26	1,20	2,66	3,60	0,000336948	0,003508867	-0,760
ENSG00000099624	ATP5F1D	P coding	-0,29	-1,22	7,79	-3,60	0,000337177	0,003509964	-0,761
ENSG00000260252	AC009087.1	lncRNA	0,28	1,22	1,29	3,60	0,000337573	0,003512482	-0,762
ENSG00000144821	MYH15	P coding	0,46	1,37	1,54	3,60	0,000337667	0,003512482	-0,762
ENSG00000226833	AC092164.1	lncRNA	0,22	1,17	1,09	3,60	0,000339053	0,003525608	-0,766
ENSG00000162735	PEX19	P coding	0,35	1,27	4,66	3,60	0,000339811	0,003531025	-0,768
ENSG00000271983	AC023302.1	lncRNA	0,20	1,15	0,95	3,60	0,000339823	0,003531025	-0,768
ENSG00000154645	CHODL	P coding	-0,37	-1,30	1,60	-3,60	0,000340273	0,003534397	-0,769
ENSG00000239486	AC091390.4	unPP	0,38	1,30	1,81	3,60	0,000341235	0,003543096	-0,772
ENSG00000180353	HCLS1	P coding	-0,24	-1,18	7,57	-3,60	0,000342132	0,003551103	-0,774
ENSG00000198856	OSTC	P coding	0,28	1,21	7,57	3,60	0,000343197	0,003560858	-0,777
ENSG00000270720	AC104785.1	lncRNA	0,25	1,19	1,09	3,60	0,000343776	0,00356449	-0,779
ENSG00000202184	RNU6-1283P	snRNA	0,46	1,37	0,54	3,60	0,000343799	0,00356449	-0,779
ENSG00000132182	NUP210	P coding	-0,38	-1,30	5,90	-3,60	0,000344332	0,003568711	-0,780
ENSG00000234232	AC243772.3	TUP	0,21	1,15	0,38	3,60	0,000345446	0,00357895	-0,783
ENSG00000183291	SELENOF	P coding	0,30	1,23	7,93	3,60	0,000345867	0,003582009	-0,785
ENSG00000104408	EIF3E	P coding	-0,27	-1,21	8,42	-3,60	0,000346597	0,003588253	-0,787
ENSG00000172296	SPTLC3	P coding	0,41	1,33	2,25	3,60	0,000349158	0,003612132	-0,793
ENSG00000232229	LINC00865	lncRNA	0,50	1,41	1,30	3,59	0,000349683	0,003616243	-0,795
ENSG00000094975	SUCO	P coding	0,33	1,26	5,15	3,59	0,000350507	0,003622116	-0,797
ENSG00000267369	AC015911.7	PP	0,51	1,42	1,34	3,59	0,000351	0,003625177	-0,798
ENSG00000259442	AC105339.3	lncRNA	0,32	1,25	1,56	3,59	0,000351059	0,003625177	-0,799
ENSG00000188706	ZDHHC9	P coding	-0,29	-1,22	4,18	-3,59	0,000351658	0,003627314	-0,800
ENSG00000074695	LMAN1	P coding	0,34	1,26	7,55	3,59	0,00035172	0,003627314	-0,800
ENSG00000157191	NECAP2	P coding	0,34	1,27	4,70	3,59	0,000351752	0,003627314	-0,800
ENSG00000238165	AC007560.1	PP	0,50	1,42	1,06	3,59	0,000351777	0,003627314	-0,800
ENSG00000157483	MYO1E	P coding	0,77	1,70	1,18	3,59	0,000352379	0,003632157	-0,802
ENSG00000092931	MFS11	P coding	0,28	1,21	5,16	3,59	0,000352503	0,003632157	-0,802
ENSG00000132676	DAP3	P coding	0,26	1,20	7,12	3,59	0,000352747	0,003633341	-0,803

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000250222	AC008443.5	lncRNA	0,36	1,28	3,61	3,59	0,000353424	0,003638997	-0,805
ENSG00000223704	LINC01422	lncRNA	0,19	1,14	0,91	3,59	0,000354973	0,003653623	-0,809
ENSG00000168159	RNF187	P coding	0,45	1,37	7,01	3,59	0,000355225	0,00365441	-0,809
ENSG00000151327	FAM177A1	P coding	0,21	1,15	5,92	3,59	0,000355308	0,00365441	-0,810
ENSG00000259863	SH3RF3-AS1	lncRNA	0,57	1,48	0,77	3,59	0,000356655	0,003664472	-0,813
ENSG00000101342	TLDC2	P coding	0,48	1,39	1,82	3,59	0,000356674	0,003664472	-0,813
ENSG00000134107	BHLHE40	P coding	0,87	1,83	3,23	3,59	0,000357118	0,003667701	-0,814
ENSG00000204588	LINC01123	lncRNA	0,40	1,32	0,68	3,59	0,000358199	0,003677474	-0,817
ENSG00000244363	RPL7P23	PP	-0,13	-1,10	0,59	-3,59	0,000358362	0,003677817	-0,818
ENSG00000204227	RING1	P coding	0,25	1,19	5,44	3,59	0,000359353	0,003686647	-0,820
ENSG00000063245	EPN1	P coding	-0,24	-1,18	5,89	-3,59	0,000360216	0,003693124	-0,822
ENSG00000136628	EPRS1	P coding	0,29	1,23	6,64	3,59	0,000360244	0,003693124	-0,823
ENSG00000168517	HEXIM2	P coding	0,28	1,21	4,18	3,59	0,00036106	0,003700143	-0,825
ENSG00000178573	MAF	P coding	1,02	2,03	2,46	3,59	0,000361347	0,00370175	-0,825
ENSG00000184209	SNRNP35	P coding	0,28	1,22	4,41	3,59	0,000362548	0,003712713	-0,829
ENSG00000234444	ZNF736	P coding	0,52	1,43	2,26	3,58	0,000365707	0,003742177	-0,837
ENSG00000270982	AL353621.2	PP	0,35	1,27	0,25	3,58	0,000365734	0,003742177	-0,837
ENSG00000181392	SYNE4	P coding	-0,14	-1,10	0,57	-3,58	0,000365821	0,003742177	-0,837
ENSG00000250654	AC023794.5	TUP	-0,45	-1,37	3,16	-3,58	0,00036704	0,00375329	-0,840
ENSG00000214049	UCA1	lncRNA	0,19	1,14	0,47	3,58	0,00036874	0,003769314	-0,844
ENSG00000270123	VTRNA2-1	vaultRNA	0,85	1,81	3,36	3,58	0,000371508	0,003796238	-0,851
ENSG00000166750	SLFN5	P coding	0,59	1,51	2,28	3,58	0,000372869	0,003807398	-0,855
ENSG00000254333	NDST1-AS1	lncRNA	0,25	1,19	0,56	3,58	0,000375053	0,003827033	-0,860
ENSG00000251196	AC106760.1	unPP	0,64	1,56	0,93	3,58	0,000375062	0,003827033	-0,860
ENSG00000271868	AC114810.1	lncRNA	0,22	1,17	0,83	3,57	0,000378503	0,003860757	-0,869
ENSG00000261541	AC138915.3	lncRNA	0,12	1,09	0,55	3,57	0,000380544	0,003880177	-0,874
ENSG00000258420	LONRF2P3	PP	0,37	1,29	0,37	3,57	0,000380726	0,003880636	-0,874
ENSG00000260626	AC136944.1	lncRNA	0,33	1,26	1,57	3,57	0,000382016	0,003892191	-0,877
ENSG00000253952	HIGD1AP18	PP	0,19	1,14	0,26	3,57	0,000382134	0,003892191	-0,878
ENSG00000219073	CELA3B	P coding	0,25	1,19	1,62	3,57	0,000383748	0,003907223	-0,881
ENSG00000187790	FANCM	P coding	0,29	1,22	2,01	3,57	0,000383901	0,00390738	-0,882
ENSG00000160789	LMNA	P coding	0,74	1,67	7,32	3,57	0,000384261	0,003909638	-0,883
ENSG00000228702	AL645998.1	PP	0,18	1,13	0,39	3,57	0,000389808	0,003961514	-0,896
ENSG00000114416	FXR1	P coding	-0,22	-1,17	6,72	-3,57	0,000389895	0,003961514	-0,896
ENSG00000247708	STX18-AS1	lncRNA	0,28	1,21	2,28	3,57	0,000390041	0,003961514	-0,897
ENSG00000034677	RNF19A	P coding	0,35	1,28	6,43	3,57	0,000390058	0,003961514	-0,897
ENSG00000269973	AC010969.2	lncRNA	0,15	1,11	0,88	3,57	0,000390441	0,003963981	-0,898
ENSG00000101463	SYNDIG1	P coding	0,48	1,40	0,32	3,57	0,000390615	0,003964331	-0,898
ENSG00000137106	GRHPR	P coding	-0,27	-1,21	6,04	-3,56	0,000391758	0,003974508	-0,901
ENSG00000112996	MRPS30	P coding	-0,24	-1,18	4,90	-3,56	0,000391957	0,003975101	-0,901
ENSG00000161149	TUBA3FP	lncRNA	0,16	1,12	0,95	3,56	0,000392176	0,003975907	-0,902
ENSG00000223886	AC073073.1	PP	0,36	1,29	1,50	3,56	0,000392567	0,003978441	-0,903
ENSG00000206980	RNU6-662P	snRNA	0,30	1,23	0,20	3,56	0,000392853	0,003979918	-0,903
ENSG00000127184	COX7C	P coding	-0,25	-1,19	9,66	-3,56	0,000393015	0,00398014	-0,904
ENSG00000264272	AC100786.2	lncRNA	0,25	1,19	0,61	3,56	0,000394602	0,003994781	-0,907
ENSG00000134533	RERG	P coding	0,26	1,20	1,64	3,56	0,000394777	0,003995128	-0,908
ENSG00000168802	CHTF8	P coding	0,27	1,21	5,64	3,56	0,000395305	0,003997831	-0,909
ENSG00000152332	UHMK1	P coding	0,37	1,30	4,41	3,56	0,000395326	0,003997831	-0,909

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000271882	AP001330.4	lncRNA	0,32	1,25	1,55	3,56	0,000396029	0,00400351	-0,911
ENSG00000110583	NAA40	P coding	-0,27	-1,21	3,92	-3,56	0,00039671	0,004008962	-0,912
ENSG00000184939	ZFP90	P coding	0,35	1,28	2,73	3,56	0,000397205	0,004012537	-0,914
ENSG00000162928	PEX13	P coding	0,25	1,19	3,09	3,56	0,000397481	0,004013895	-0,914
ENSG00000114547	ROPN1B	P coding	0,18	1,13	0,50	3,56	0,000399823	0,004034668	-0,920
ENSG00000201198	RNU6-879P	snRNA	0,37	1,29	0,33	3,56	0,000401207	0,004047195	-0,923
ENSG00000108590	MED31	P coding	0,30	1,23	4,37	3,56	0,000402478	0,004058571	-0,926
ENSG00000238055	Z98742.3	PP	0,27	1,20	0,69	3,56	0,000402998	0,004061812	-0,927
ENSG00000146005	PSD2	P coding	-0,20	-1,15	0,56	-3,56	0,000403086	0,004061812	-0,927
ENSG00000114544	SLC41A3	P coding	-0,26	-1,20	4,85	-3,56	0,000403453	0,004064069	-0,928
ENSG00000176894	PXMP2	P coding	0,35	1,27	3,25	3,56	0,000404651	0,004073678	-0,931
ENSG00000160683	CXCR5	P coding	0,38	1,30	0,39	3,56	0,000404695	0,004073678	-0,931
ENSG00000250670	AC004063.1	lncRNA	0,24	1,18	0,74	3,56	0,000404924	0,004074541	-0,931
ENSG00000095485	CWF19L1	P coding	0,24	1,18	4,44	3,56	0,000405792	0,004081821	-0,933
ENSG00000121380	BCL2L14	P coding	0,31	1,24	1,28	3,55	0,000409282	0,004115451	-0,941
ENSG00000185608	MRPL40	P coding	0,25	1,19	5,70	3,55	0,000410062	0,004120391	-0,943
ENSG00000228360	AC009220.1	PP	0,24	1,18	0,60	3,55	0,00041047	0,004123032	-0,944
ENSG00000174951	FUT1	P coding	0,21	1,16	1,58	3,55	0,000412067	0,004137602	-0,948
ENSG00000206749	RNU6-1083P	snRNA	0,23	1,17	0,15	3,55	0,000412238	0,004137852	-0,948
ENSG00000114270	COL7A1	P coding	-0,43	-1,35	2,10	-3,55	0,000413267	0,004146718	-0,950
ENSG00000150527	MIA2	P coding	0,27	1,21	5,20	3,55	0,000414587	0,004157019	-0,953
ENSG00000137628	DDX60	P coding	0,53	1,44	1,27	3,55	0,000415289	0,004162579	-0,955
ENSG00000226937	CEP164P1	TPP	0,18	1,13	0,96	3,55	0,000416755	0,004175797	-0,958
ENSG00000233930	KRTAP5-AS1	lncRNA	0,40	1,32	0,92	3,55	0,000418647	0,00419207	-0,962
ENSG00000106004	HOXA5	P coding	-0,59	-1,51	1,25	-3,55	0,000418675	0,00419207	-0,963
ENSG00000271623	AC138894.3	PP	0,18	1,13	0,30	3,55	0,000420291	0,004206771	-0,966
ENSG00000112308	C6orf62	P coding	0,32	1,25	6,37	3,55	0,000420821	0,004210588	-0,967
ENSG00000092201	SUPT16H	P coding	0,27	1,20	4,76	3,54	0,000422155	0,004221876	-0,970
ENSG00000238129	AL121904.1	lncRNA	0,62	1,54	1,49	3,54	0,000422247	0,004221876	-0,970
ENSG00000057294	PKP2	P coding	0,94	1,92	1,97	3,54	0,000422741	0,00422532	-0,972
ENSG00000154529	CNTNAP3B	P coding	0,21	1,16	0,33	3,54	0,000424794	0,004244349	-0,976
ENSG00000080293	SCTR	P coding	0,28	1,22	0,31	3,54	0,000426316	0,004258055	-0,979
ENSG00000162736	NCSTN	P coding	0,27	1,20	6,72	3,54	0,000427425	0,00426763	-0,982
ENSG00000253106	AC090198.1	lncRNA	0,21	1,16	1,26	3,54	0,000427997	0,004270923	-0,983
ENSG00000169905	TOR1AIP2	P coding	0,33	1,26	4,32	3,54	0,000428057	0,004270923	-0,983
ENSG00000222414	RNU2-59P	snRNA	0,65	1,56	2,55	3,54	0,000430517	0,004293552	-0,988
ENSG00000169567	HINT1	P coding	-0,26	-1,20	8,66	-3,54	0,000430628	0,004293552	-0,989
ENSG00000231346	LINC01160	lncRNA	0,24	1,18	1,99	3,54	0,000432113	0,004306846	-0,992
ENSG00000207444	SNORD56B	snoRNA	0,21	1,15	0,10	3,54	0,000434413	0,004326728	-0,997
ENSG00000011114	BTBD7	P coding	0,25	1,19	3,30	3,54	0,000435066	0,004331709	-0,998
ENSG00000227110	LMCD1-AS1	lncRNA	0,26	1,20	1,06	3,54	0,00043638	0,00434327	-1,001
ENSG00000171703	TCEA2	P coding	0,35	1,28	4,23	3,53	0,000437951	0,004357377	-1,004
ENSG00000250790	AC127070.2	lncRNA	0,29	1,22	1,76	3,53	0,000438389	0,0043602	-1,005
ENSG00000255171	LINC01499	lncRNA	0,15	1,11	0,50	3,53	0,000439882	0,004373513	-1,008
ENSG00000259583	AC015712.2	lncRNA	0,43	1,34	2,25	3,53	0,000440812	0,004381228	-1,010
ENSG00000146066	HIGD2A	P coding	-0,30	-1,23	7,62	-3,53	0,000441236	0,004383898	-1,011
ENSG00000201801	RNU5E-4P	snRNA	0,89	1,85	6,58	3,53	0,000442005	0,004390006	-1,013
ENSG00000101977	MCF2	P coding	-0,23	-1,17	0,53	-3,53	0,000442916	0,004397514	-1,015

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000119943	PYROXD2	P coding	0,52	1,43	3,72	3,53	0,000443797	0,004404714	-1,017
ENSG00000250497	AC007126.1	lncRNA	0,15	1,11	1,02	3,53	0,000444122	0,004406403	-1,017
ENSG00000255112	CHMP1B	P coding	0,27	1,21	4,80	3,53	0,000445225	0,004415796	-1,020
ENSG00000182742	H0XB4	P coding	-0,34	-1,26	0,71	-3,53	0,000446397	0,004425877	-1,022
ENSG00000166348	USP54	P coding	0,35	1,27	2,44	3,53	0,000447821	0,004438436	-1,025
ENSG00000233058	LINC00884	lncRNA	0,29	1,22	1,51	3,53	0,0004485	0,004443614	-1,027
ENSG00000122122	SASH3	P coding	-0,67	-1,59	5,42	-3,53	0,00045187	0,004475438	-1,033
ENSG00000258813	AL442663.3	lncRNA	0,26	1,20	1,14	3,52	0,000454722	0,004502112	-1,039
ENSG00000251562	MALAT1	lncRNA	0,46	1,38	9,16	3,52	0,000454915	0,004502447	-1,040
ENSG00000162869	PPP1R21	P coding	0,35	1,27	3,88	3,52	0,000455386	0,004505537	-1,041
ENSG00000161970	RPL26	P coding	-0,33	-1,26	11,56	-3,52	0,000456002	0,00451006	-1,042
ENSG00000172292	CERS6	P coding	0,66	1,58	1,55	3,52	0,00045641	0,00451189	-1,043
ENSG00000267317	AC027307.2	lncRNA	-0,38	-1,30	2,89	-3,52	0,000456505	0,00451189	-1,043
ENSG00000147475	ERLIN2	P coding	0,36	1,28	4,31	3,52	0,000459083	0,004534206	-1,048
ENSG00000169372	CRADD	P coding	0,27	1,20	3,90	3,52	0,000459513	0,004536869	-1,049
ENSG00000205500	MAPRE3-AS1	lncRNA	0,17	1,12	0,53	3,52	0,000459939	0,004539492	-1,050
ENSG00000236559	BCL2L1-AS1	lncRNA	0,29	1,22	0,98	3,52	0,000462056	0,004557585	-1,054
ENSG00000151229	SLC2A13	P coding	0,35	1,27	2,10	3,52	0,000462093	0,004557585	-1,054
ENSG00000065427	KARS1	P coding	0,21	1,16	6,44	3,52	0,000464908	0,004583755	-1,060
ENSG00000206190	ATP10A	P coding	0,28	1,21	0,22	3,52	0,000466431	0,004595572	-1,063
ENSG00000206561	COLQ	P coding	-0,33	-1,25	2,60	-3,52	0,000468775	0,004617054	-1,068
ENSG00000113594	LIFR	P coding	0,46	1,37	0,89	3,51	0,000471743	0,004643069	-1,074
ENSG00000203666	EFCAB2	P coding	0,40	1,32	4,35	3,51	0,000473123	0,004655034	-1,076
ENSG00000224666	ETV7-AS1	lncRNA	0,31	1,24	0,26	3,51	0,000474429	0,004666259	-1,079
ENSG00000128383	APOBEC3A	P coding	0,72	1,64	1,93	3,51	0,000476444	0,00468445	-1,083
ENSG00000199865	RNU6-495P	snRNA	0,32	1,25	0,24	3,51	0,000477879	0,004696934	-1,086
ENSG00000225511	LINC00475	TUP	0,27	1,20	0,58	3,51	0,000480952	0,004725497	-1,091
ENSG00000215113	CXorf49B	P coding	0,20	1,15	0,37	3,51	0,000481728	0,004731487	-1,093
ENSG00000222940	RNU6-370P	snRNA	0,19	1,14	0,09	3,51	0,000485201	0,004762409	-1,100
ENSG00000235631	RNF148	P coding	0,46	1,37	2,22	3,51	0,000485218	0,004762409	-1,100
ENSG00000230537	AL158071.3	lncRNA	0,42	1,34	1,15	3,51	0,000486027	0,004767104	-1,101
ENSG00000273061	CDC37L1-DT	lncRNA	0,39	1,31	4,24	3,51	0,00048656	0,004769549	-1,102
ENSG00000156976	EIF4A2	P coding	-0,24	-1,18	9,30	-3,51	0,000486649	0,004769549	-1,102
ENSG00000073670	ADAM11	P coding	0,21	1,16	0,70	3,51	0,000486781	0,004769549	-1,103
ENSG00000263164	AC087500.2	lncRNA	0,32	1,25	1,32	3,51	0,000487279	0,004772778	-1,104
ENSG00000154217	PITPNC1	P coding	0,60	1,52	2,36	3,50	0,000488661	0,004783657	-1,106
ENSG00000139684	ESD	P coding	-0,31	-1,24	5,02	-3,50	0,000488728	0,004783657	-1,106
ENSG00000265008	AC011825.4	lncRNA	0,20	1,15	0,69	3,50	0,000489296	0,004787564	-1,107
ENSG00000178922	HYI	P coding	0,47	1,38	6,03	3,50	0,000489696	0,004789825	-1,108
ENSG00000240385	RPS29P20	PP	0,24	1,18	0,24	3,50	0,000491242	0,004803292	-1,111
ENSG00000257613	AC084032.1	lncRNA	0,21	1,16	0,80	3,50	0,000494164	0,0048302	-1,117
ENSG00000204196	RPL12P16	PP	-0,29	-1,22	2,22	-3,50	0,000495007	0,0048351	-1,118
ENSG00000175061	SNHG29	lncRNA	-0,34	-1,27	8,26	-3,50	0,000497129	0,004854154	-1,122
ENSG00000053438	NNAT	P coding	0,26	1,20	1,23	3,50	0,000499978	0,004880294	-1,128
ENSG00000174456	C12orf76	P coding	0,23	1,17	3,97	3,50	0,00050101	0,004886159	-1,129
ENSG00000241935	HOGA1	P coding	-0,34	-1,26	1,56	-3,50	0,000501096	0,004886159	-1,130
ENSG00000141524	TMC6	P coding	1,05	2,07	4,65	3,50	0,000505305	0,004925503	-1,137
ENSG00000114125	RNF7	P coding	-0,19	-1,14	6,23	-3,50	0,000505863	0,004929247	-1,138

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000221983	UBA52	P coding	-0,27	-1,20	10,93	-3,50	0,000506619	0,004933545	-1,140
ENSG00000254505	CHMP4A	P coding	0,29	1,22	6,06	3,50	0,000506652	0,004933545	-1,140
ENSG00000172243	CLEC7A	P coding	0,85	1,80	2,46	3,49	0,000507036	0,004935591	-1,141
ENSG00000165501	LRR1	P coding	0,26	1,20	3,53	3,49	0,000507776	0,004941096	-1,142
ENSG00000143183	TMCO1	P coding	0,40	1,32	7,25	3,49	0,000508551	0,004945241	-1,143
ENSG00000267800	AC012254.4	PP	0,23	1,18	0,59	3,49	0,000511586	0,004971347	-1,149
ENSG00000197238	H4C11	P coding	0,63	1,55	4,11	3,49	0,000513073	0,004984088	-1,152
ENSG00000077044	DGKD	P coding	-0,48	-1,39	5,45	-3,49	0,00051347	0,004986238	-1,152
ENSG00000143321	HDGF	P coding	0,37	1,29	6,58	3,49	0,000515024	0,004999617	-1,155
ENSG00000103723	AP3B2	P coding	0,29	1,22	1,44	3,49	0,000515364	0,005001197	-1,156
ENSG00000183814	LIN9	P coding	0,36	1,29	3,04	3,49	0,00051561	0,00500188	-1,156
ENSG00000162552	WNT4	P coding	-0,70	-1,63	2,49	-3,49	0,000519803	0,005040825	-1,164
ENSG00000250769	AC119751.5	PP	0,30	1,23	0,76	3,49	0,000520102	0,005042004	-1,164
ENSG00000167644	C19orf33	P coding	0,30	1,23	0,56	3,49	0,000520686	0,005045934	-1,165
ENSG00000139178	C1RL	P coding	0,29	1,22	3,83	3,49	0,000525424	0,005090111	-1,174
ENSG00000271851	AC087501.4	lncRNA	0,17	1,12	0,97	3,48	0,000527572	0,00510918	-1,177
ENSG00000229473	RGS17P1	PP	0,35	1,27	1,71	3,48	0,000527877	0,005110382	-1,178
ENSG00000265976	MIR4725	miRNA	0,21	1,16	0,11	3,48	0,000528987	0,005118533	-1,180
ENSG00000223152	RNU4-88P	snRNA	0,25	1,19	0,16	3,48	0,00052908	0,005118533	-1,180
ENSG00000225864	AL645939.2	unPP	0,36	1,28	1,35	3,48	0,000532118	0,005143071	-1,185
ENSG00000268423	AC093503.1	lncRNA	0,16	1,12	0,65	3,48	0,000532181	0,005143071	-1,185
ENSG00000153179	RASSF3	P coding	0,47	1,39	2,47	3,48	0,000532315	0,005143071	-1,186
ENSG00000104529	EEF1D	P coding	-0,23	-1,18	9,92	-3,48	0,000532342	0,005143071	-1,186
ENSG00000140577	CRTC3	P coding	-0,40	-1,32	4,09	-3,48	0,00053263	0,005144099	-1,186
ENSG00000204179	PTPN20	P coding	0,40	1,32	0,94	3,48	0,000532827	0,005144245	-1,187
ENSG00000092841	MYL6	P coding	0,25	1,19	9,54	3,48	0,000536502	0,005176199	-1,193
ENSG00000254860	TMEM9B-AS1	lncRNA	0,37	1,29	2,97	3,48	0,000538568	0,005194366	-1,197
ENSG00000263916	AC100778.2	lncRNA	0,20	1,15	0,83	3,48	0,000541926	0,005223735	-1,202
ENSG00000143669	LYST	P coding	0,36	1,28	2,74	3,48	0,000541981	0,005223735	-1,202
ENSG00000253716	MINCR	lncRNA	0,45	1,36	4,56	3,48	0,000543828	0,005239749	-1,206
ENSG00000156931	VPS8	P coding	-0,29	-1,22	4,81	-3,48	0,000544557	0,005243666	-1,207
ENSG00000136856	SLC2A8	P coding	-0,24	-1,18	4,70	-3,48	0,000544604	0,005243666	-1,207
ENSG00000143515	ATP8B2	P coding	0,41	1,33	6,80	3,48	0,000545184	0,005247467	-1,208
ENSG00000169679	BUB1	P coding	0,50	1,41	3,17	3,47	0,000546857	0,005259993	-1,211
ENSG00000255299	AP003557.1	lncRNA	-0,27	-1,21	0,96	-3,47	0,000547667	0,005265469	-1,212
ENSG00000177000	MTHFR	P coding	0,33	1,25	4,12	3,47	0,000548334	0,00526884	-1,213
ENSG00000140939	NOL3	P coding	0,40	1,32	5,18	3,47	0,000549341	0,005274938	-1,215
ENSG00000143570	SLC39A1	P coding	0,28	1,22	4,84	3,47	0,000549768	0,005277249	-1,216
ENSG00000123643	SLC36A1	P coding	-0,28	-1,21	2,37	-3,47	0,000550677	0,005284187	-1,217
ENSG00000272841	AL139393.3	lncRNA	0,26	1,20	0,96	3,47	0,000553301	0,005307568	-1,222
ENSG00000145029	NICN1	P coding	-0,35	-1,28	4,01	-3,47	0,000554072	0,005313172	-1,223
ENSG00000038210	PI4K2B	P coding	0,25	1,19	5,10	3,47	0,000554571	0,005315533	-1,224
ENSG00000122034	GTF3A	P coding	-0,27	-1,20	6,83	-3,47	0,000555007	0,005316739	-1,224
ENSG00000260443	AC127455.1	PP	0,41	1,33	0,55	3,47	0,000555728	0,005321527	-1,226
ENSG00000120948	TARDBP	P coding	0,21	1,16	6,84	3,47	0,000555882	0,005321527	-1,226
ENSG00000204131	NHSL2	P coding	0,21	1,16	0,36	3,47	0,00055683	0,005328799	-1,228
ENSG00000261770	AC006504.1	lncRNA	0,20	1,15	0,80	3,47	0,000557455	0,005332981	-1,229
ENSG00000172831	CES2	P coding	0,29	1,22	4,08	3,47	0,000559414	0,005349915	-1,232

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000188015	S100A3	P coding	0,18	1,14	0,22	3,47	0,000559813	0,005350759	-1,232
ENSG00000156427	FGF18	P coding	-0,20	-1,15	0,53	-3,47	0,00055988	0,005350759	-1,233
ENSG00000272463	AL357054.4	lncRNA	0,25	1,19	0,56	3,47	0,000561756	0,005366885	-1,236
ENSG00000134709	HOOK1	P coding	0,82	1,76	3,83	3,47	0,000563582	0,005380695	-1,239
ENSG00000213885	RPL13AP7	TPP	-0,25	-1,19	1,26	-3,47	0,000564663	0,005387391	-1,240
ENSG00000238113	LINC01410	lncRNA	0,59	1,50	5,60	3,47	0,000565571	0,005394235	-1,242
ENSG00000196693	ZNF33B	P coding	0,30	1,23	2,64	3,46	0,000566247	0,005398874	-1,243
ENSG00000041880	PARP3	P coding	-0,32	-1,25	4,68	-3,46	0,00056701	0,005404328	-1,244
ENSG00000131730	CKMT2	P coding	0,25	1,19	0,90	3,46	0,000568011	0,005411263	-1,246
ENSG00000006468	ETV1	P coding	1,00	2,00	2,34	3,46	0,00056812	0,005411263	-1,246
ENSG00000212864	RNF208	P coding	-0,34	-1,26	1,75	-3,46	0,000568327	0,005411419	-1,246
ENSG00000115758	ODC1	P coding	0,31	1,24	8,02	3,46	0,000569654	0,005422234	-1,249
ENSG00000100139	MICALL1	P coding	-0,25	-1,19	3,37	-3,46	0,00056988	0,005422564	-1,249
ENSG00000254205	AC009686.1	lncRNA	0,17	1,13	0,44	3,46	0,00057451	0,005464787	-1,257
ENSG00000164258	NDUFS4	P coding	-0,27	-1,21	6,17	-3,46	0,00057781	0,00549433	-1,262
ENSG00000112902	SEMA5A	P coding	0,31	1,24	0,48	3,46	0,000579403	0,005507636	-1,264
ENSG00000238164	TNFRSF14-AS1	lncRNA	0,40	1,32	3,16	3,46	0,000580429	0,005513526	-1,266
ENSG00000225969	ABHD11-AS1	TUnP	0,37	1,29	1,13	3,46	0,000580568	0,005513526	-1,266
ENSG00000234476	LINC02765	lncRNA	0,20	1,15	0,44	3,46	0,000580607	0,005513526	-1,266
ENSG00000035928	RFC1	P coding	0,24	1,18	5,44	3,46	0,000583793	0,005540071	-1,271
ENSG00000182472	CAPN12	P coding	-0,55	-1,46	3,54	-3,46	0,000585347	0,005552965	-1,274
ENSG00000242199	AC022336.1	PP	0,18	1,13	0,42	3,46	0,000585896	0,005556305	-1,275
ENSG00000264058	AC073508.2	P coding	0,20	1,15	1,10	3,46	0,000586281	0,005558105	-1,275
ENSG00000236671	PRKG1-AS1	lncRNA	0,52	1,44	2,57	3,45	0,00058781	0,005570731	-1,278
ENSG00000137434	C6orf52	P coding	0,36	1,28	1,76	3,45	0,000589139	0,005581462	-1,280
ENSG00000118939	UCHL3	P coding	-0,28	-1,21	5,06	-3,45	0,000590014	0,005587885	-1,281
ENSG00000196419	XRCC6	P coding	0,21	1,16	6,98	3,45	0,000593073	0,005613105	-1,286
ENSG00000197747	S100A10	P coding	0,76	1,69	5,72	3,45	0,000593334	0,005613701	-1,286
ENSG00000239462	AC091212.1	lncRNA	0,18	1,13	0,37	3,45	0,000594436	0,005620376	-1,288
ENSG00000173706	HEG1	P coding	0,46	1,38	0,95	3,45	0,000595705	0,005629833	-1,290
ENSG00000260212	AL356432.3	unPP	0,21	1,15	0,94	3,45	0,000595981	0,005629833	-1,291
ENSG00000118454	ANKRD13C	P coding	0,24	1,18	3,62	3,45	0,00059622	0,005629833	-1,291
ENSG00000101986	ABCD1	P coding	-0,33	-1,26	2,26	-3,45	0,000596231	0,005629833	-1,291
ENSG00000198933	TBKBP1	P coding	-0,36	-1,29	2,11	-3,45	0,000599389	0,005657773	-1,296
ENSG00000183153	GJD3	P coding	0,21	1,15	0,34	3,45	0,000600214	0,005659616	-1,297
ENSG00000233296	TMEM18-DT	lncRNA	0,34	1,26	1,17	3,45	0,000600222	0,005659616	-1,297
ENSG00000261349	AL031432.2	unPP	0,55	1,47	1,89	3,45	0,000600412	0,005659616	-1,297
ENSG00000172171	TEFM	P coding	0,30	1,23	3,38	3,45	0,00060057	0,005659616	-1,298
ENSG00000105429	MEGF8	P coding	-0,30	-1,23	3,36	-3,45	0,000600583	0,005659616	-1,298
ENSG00000268895	A1BG-AS1	lncRNA	-0,63	-1,54	2,08	-3,45	0,000601174	0,005663305	-1,299
ENSG00000259514	AC027243.2	lncRNA	-0,70	-1,62	1,67	-3,45	0,000602479	0,005673712	-1,301
ENSG00000172005	MAL	P coding	1,10	2,14	1,90	3,45	0,000604042	0,005686538	-1,303
ENSG00000163322	ABRAXAS1	P coding	0,25	1,19	3,21	3,45	0,000604507	0,005689029	-1,304
ENSG00000159596	TMEM69	P coding	0,29	1,22	4,43	3,45	0,000606025	0,00570125	-1,306
ENSG00000175548	ALG10B	P coding	0,34	1,26	2,18	3,45	0,000606208	0,00570125	-1,306
ENSG00000068745	IP6K2	P coding	-0,24	-1,18	6,15	-3,44	0,000609354	0,005728937	-1,311
ENSG00000229956	ZRANB2-AS2	lncRNA	0,29	1,22	2,28	3,44	0,000610897	0,005740193	-1,313
ENSG00000242242	NECTIN3-AS1	lncRNA	0,35	1,27	0,81	3,44	0,000610956	0,005740193	-1,314

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000137338	PGBD1	P coding	-0,28	-1,21	2,05	-3,44	0,000611176	0,005740353	-1,314
ENSG00000206936	RNU4-52P	snRNA	0,56	1,47	1,63	3,44	0,000611966	0,005745876	-1,315
ENSG00000227543	SPAG5-AS1	lncRNA	0,31	1,24	3,00	3,44	0,000613219	0,005755559	-1,317
ENSG00000175182	FAM131A	P coding	-0,28	-1,22	2,86	-3,44	0,000613404	0,005755559	-1,317
ENSG00000188596	CFAP54	P coding	0,50	1,42	4,00	3,44	0,000614451	0,005763477	-1,319
ENSG00000184164	CRELD2	P coding	0,44	1,36	7,48	3,44	0,000615915	0,005775302	-1,321
ENSG00000272750	AL592148.3	lncRNA	0,23	1,17	1,64	3,44	0,00061627	0,005776715	-1,322
ENSG00000258938	AL162311.3	lncRNA	0,11	1,08	0,70	3,44	0,000617546	0,00578456	-1,324
ENSG00000149806	FAU	P coding	-0,23	-1,17	10,71	-3,44	0,000617719	0,00578456	-1,324
ENSG00000169756	LIMS1	P coding	0,38	1,30	4,66	3,44	0,000618998	0,005794621	-1,326
ENSG00000140285	FGF7	P coding	0,32	1,25	1,10	3,44	0,000621728	0,005818256	-1,330
ENSG00000229557	LINC00379	lncRNA	0,27	1,20	0,88	3,44	0,000622269	0,005821401	-1,331
ENSG00000255284	AP006621.3	lncRNA	0,35	1,27	2,76	3,44	0,000624229	0,005837807	-1,333
ENSG00000239742	RN7SL672P	misc_RNA	0,22	1,16	0,40	3,44	0,000629493	0,005881217	-1,341
ENSG00000258765	AC107958.2	lncRNA	0,26	1,20	1,51	3,43	0,000633206	0,005913957	-1,347
ENSG00000168298	H1-4	P coding	0,64	1,56	3,45	3,43	0,00063526	0,005931187	-1,350
ENSG00000233041	PHGR1	P coding	-0,19	-1,14	0,36	-3,43	0,000635815	0,005934412	-1,351
ENSG00000172590	MRPL52	P coding	0,29	1,22	7,03	3,43	0,000637117	0,005943687	-1,352
ENSG00000224914	LINC00863	lncRNA	0,21	1,16	1,88	3,43	0,000637228	0,005943687	-1,353
ENSG00000262468	LINC01569	lncRNA	0,35	1,27	2,35	3,43	0,000637961	0,005948568	-1,354
ENSG00000069345	DNAJA2	P coding	0,23	1,17	4,60	3,43	0,000638376	0,005950483	-1,354
ENSG00000240634	AC145285.1	PP	0,14	1,10	0,65	3,43	0,000644998	0,006010225	-1,364
ENSG00000163870	TPRA1	P coding	-0,26	-1,19	5,15	-3,43	0,000645393	0,006011929	-1,364
ENSG00000022267	FHL1	P coding	1,07	2,10	3,86	3,43	0,000646213	0,006017026	-1,366
ENSG00000271398	AL353622.2	lncRNA	0,24	1,18	0,59	3,43	0,000648291	0,006032978	-1,369
ENSG00000258365	AC073655.2	lncRNA	0,30	1,23	2,61	3,43	0,000650824	0,006052582	-1,372
ENSG00000270755	AL136141.1	lncRNA	0,25	1,19	0,64	3,43	0,000652745	0,006068451	-1,375
ENSG00000185615	PDIA2	P coding	0,97	1,96	1,15	3,43	0,000653023	0,006069046	-1,375
ENSG00000183598	H3C13	P coding	0,53	1,45	2,09	3,42	0,000655541	0,006090448	-1,379
ENSG00000138496	PARP9	P coding	0,52	1,43	4,96	3,42	0,000656585	0,006094226	-1,380
ENSG00000099622	CIRBP	P coding	-0,26	-1,20	8,94	-3,42	0,0006567	0,006094226	-1,380
ENSG00000106992	AK1	P coding	-0,44	-1,35	4,07	-3,42	0,000656802	0,006094226	-1,381
ENSG00000273319	AC058791.1	lncRNA	0,22	1,16	0,65	3,42	0,000656807	0,006094226	-1,381
ENSG00000157978	LDLRAP1	P coding	0,41	1,33	5,51	3,42	0,000657501	0,006098663	-1,382
ENSG00000264569	DCXR-DT	lncRNA	0,51	1,42	1,52	3,42	0,00065943	0,006110561	-1,384
ENSG00000166704	ZNF606	P coding	0,41	1,32	2,90	3,42	0,000661098	0,006124018	-1,387
ENSG00000261789	AC023830.2	lncRNA	0,12	1,09	0,78	3,42	0,000662539	0,006135361	-1,389
ENSG00000152382	TADA1	P coding	0,27	1,21	3,49	3,42	0,000665762	0,006163188	-1,393
ENSG00000269473	AC012313.8	lncRNA	0,11	1,08	0,70	3,42	0,000665995	0,006163331	-1,393
ENSG00000202059	AC023271.1	snoRNA	0,37	1,30	0,48	3,42	0,000666674	0,006167602	-1,394
ENSG00000070831	CDC42	P coding	0,26	1,19	6,73	3,42	0,000666913	0,006167655	-1,395
ENSG00000147676	MAL2	P coding	0,54	1,46	0,48	3,42	0,000667115	0,006167655	-1,395
ENSG00000144893	MED12L	P coding	-0,52	-1,44	1,34	-3,42	0,000668092	0,006174678	-1,396
ENSG00000136193	SCRN1	P coding	-0,40	-1,32	5,00	-3,42	0,000668592	0,006177287	-1,397
ENSG00000223597	LINC02142	lncRNA	0,18	1,13	0,85	3,42	0,000669778	0,006186225	-1,399
ENSG00000114859	CLCN2	P coding	-0,28	-1,21	2,33	-3,42	0,000670864	0,006194237	-1,400
ENSG00000014123	UFL1	P coding	0,30	1,23	5,22	3,42	0,000671361	0,006195898	-1,401
ENSG00000268615	AL353803.5	lncRNA	0,31	1,24	0,27	3,42	0,000671481	0,006195898	-1,401

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000269019	HOMER3-AS1	lncRNA	0,39	1,31	0,96	3,42	0,000672251	0,006200983	-1,402
ENSG00000184867	ARMCX2	P coding	0,68	1,61	3,95	3,42	0,000673145	0,006207213	-1,403
ENSG00000140986	RPL3L	P coding	0,15	1,11	0,54	3,41	0,000679526	0,006263929	-1,412
ENSG00000064933	PMS1	P coding	0,27	1,20	4,55	3,41	0,000679738	0,006263929	-1,412
ENSG00000233762	RPS15P4	PP	-0,26	-1,20	1,87	-3,41	0,000680306	0,006267128	-1,413
ENSG00000233155	HMGA1P8	PP	0,44	1,35	1,94	3,41	0,000681721	0,006276113	-1,415
ENSG00000171311	EXOSC1	P coding	0,22	1,17	5,50	3,41	0,000681724	0,006276113	-1,415
ENSG00000153292	ADGRF1	P coding	0,16	1,12	0,80	3,41	0,000690172	0,006347703	-1,427
ENSG00000148671	ADIRF	P coding	0,21	1,16	0,24	3,41	0,000691311	0,006356116	-1,428
ENSG00000177888	ZBTB41	P coding	0,30	1,23	2,18	3,41	0,000692434	0,00636246	-1,430
ENSG00000179008	C14orf39	P coding	0,32	1,25	0,26	3,41	0,00069245	0,00636246	-1,430
ENSG00000229806	RPS15P5	PP	-0,19	-1,14	0,44	-3,41	0,0006965	0,006393015	-1,435
ENSG00000100883	SRP54	P coding	0,28	1,21	6,42	3,41	0,000696665	0,006393015	-1,435
ENSG00000179965	ZNF771	P coding	0,25	1,19	2,31	3,41	0,000696666	0,006393015	-1,435
ENSG00000163607	GTPBP8	P coding	-0,25	-1,19	4,05	-3,41	0,000696678	0,006393015	-1,435
ENSG00000142864	SERBP1	P coding	0,22	1,16	6,93	3,41	0,000697741	0,006399925	-1,437
ENSG00000157625	TAB3	P coding	0,27	1,21	3,50	3,41	0,000698006	0,006399925	-1,437
ENSG00000257660	ADCY6-DT	lncRNA	0,22	1,16	0,37	3,41	0,000698108	0,006399925	-1,437
ENSG00000143418	CERS2	P coding	0,27	1,20	6,96	3,41	0,000701881	0,006432279	-1,442
ENSG00000254554	AC080023.1	lncRNA	0,29	1,22	0,97	3,41	0,000702091	0,006432279	-1,442
ENSG00000257771	LINC02395	lncRNA	0,13	1,10	0,56	3,40	0,000703556	0,006443614	-1,444
ENSG00000071082	RPL31	P coding	-0,27	-1,21	11,47	-3,40	0,000704779	0,006451906	-1,446
ENSG00000168772	CXXC4	P coding	0,48	1,40	2,70	3,40	0,000704916	0,006451906	-1,446
ENSG00000213729	RPS16P2	PP	0,53	1,44	1,69	3,40	0,000706046	0,006460163	-1,448
ENSG00000174606	ANGEL2	P coding	0,26	1,20	5,10	3,40	0,000706355	0,006460902	-1,448
ENSG00000241625	RN7SL18P	misc_RNA	0,30	1,23	1,36	3,40	0,000709093	0,006483857	-1,452
ENSG00000183726	TMEM50A	P coding	0,20	1,15	6,46	3,40	0,000715743	0,006542552	-1,460
ENSG00000131373	HACL1	P coding	-0,24	-1,18	4,56	-3,40	0,000716589	0,006548176	-1,461
ENSG00000231073	AL590133.1	lncRNA	0,25	1,19	0,97	3,40	0,000719815	0,0065713	-1,465
ENSG00000177283	FZD8	P coding	0,39	1,31	0,49	3,40	0,000720165	0,006572375	-1,466
ENSG00000232470	AL136368.1	lncRNA	0,36	1,29	2,31	3,40	0,00072351	0,006600777	-1,470
ENSG00000263787	SKAP1-AS1	lncRNA	0,16	1,12	0,73	3,40	0,000723776	0,006601077	-1,471
ENSG00000105426	PTPRS	P coding	0,69	1,61	1,74	3,40	0,000724913	0,006609321	-1,472
ENSG00000214654	B3GNT10	P coding	0,42	1,34	3,08	3,39	0,000730973	0,006662432	-1,480
ENSG00000154654	NCAM2	P coding	0,58	1,49	0,64	3,39	0,000731812	0,006667937	-1,481
ENSG00000132530	XAF1	P coding	0,76	1,69	5,09	3,39	0,000733599	0,006681834	-1,483
ENSG00000129048	ACKR4	P coding	0,38	1,30	1,25	3,39	0,000734036	0,006681834	-1,484
ENSG00000143157	POGK	P coding	0,36	1,29	3,98	3,39	0,000734045	0,006681834	-1,484
ENSG00000008988	RPS20	P coding	-0,22	-1,16	10,95	-3,39	0,000735324	0,006691327	-1,485
ENSG00000267659	LINC01482	lncRNA	0,32	1,25	1,89	3,39	0,000738759	0,006720427	-1,490
ENSG00000162241	SLC25A45	P coding	-0,38	-1,30	5,50	-3,39	0,00074092	0,006737929	-1,492
ENSG00000070081	NUCB2	P coding	0,53	1,44	8,26	3,39	0,000743911	0,006761809	-1,496
ENSG00000265201	MIR4677	miRNA	0,56	1,48	1,18	3,39	0,000744161	0,006761809	-1,496
ENSG00000175841	FAM172BP	PP	-0,37	-1,29	1,54	-3,39	0,000744262	0,006761809	-1,496
ENSG00000237414	AL365204.2	lncRNA	0,26	1,20	1,61	3,39	0,000745095	0,006767208	-1,497
ENSG00000165915	SLC39A13	P coding	-0,25	-1,19	5,10	-3,39	0,000747565	0,006787469	-1,500
ENSG00000143155	TIPRL	P coding	0,27	1,21	4,75	3,39	0,00075045	0,006811483	-1,504
ENSG00000261460	AC009690.2	lncRNA	-0,21	-1,16	1,82	-3,39	0,000750749	0,006812012	-1,504

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000163719	MTMR14	P coding	-0,25	-1,19	5,15	-3,39	0,000751225	0,006814148	-1,505
ENSG00000116918	TSNAX	P coding	0,31	1,24	4,82	3,39	0,000751561	0,006815017	-1,505
ENSG00000171858	RPS21	P coding	-0,25	-1,19	11,32	-3,39	0,00075314	0,00682715	-1,507
ENSG00000164176	EDIL3	P coding	0,38	1,31	0,35	3,39	0,000754317	0,006835635	-1,509
ENSG00000230923	LINC00309	lncRNA	0,17	1,13	0,41	3,38	0,000757624	0,006860241	-1,513
ENSG00000267748	AC011479.2	P coding	0,39	1,31	0,74	3,38	0,000757758	0,006860241	-1,513
ENSG00000137965	IFI44	P coding	0,96	1,95	4,63	3,38	0,000760804	0,006885612	-1,517
ENSG00000101966	XIAP	P coding	0,35	1,28	4,19	3,38	0,000761294	0,006887848	-1,517
ENSG00000257180	AC009135.1	lncRNA	0,16	1,12	0,81	3,38	0,00076288	0,006899997	-1,519
ENSG00000259098	AC025884.2	PP	0,28	1,22	1,04	3,38	0,000763828	0,006906372	-1,520
ENSG00000136634	IL10	P coding	0,43	1,35	0,73	3,38	0,000764545	0,006910648	-1,521
ENSG00000051523	CYBA	P coding	0,39	1,31	10,92	3,38	0,000764953	0,006912131	-1,522
ENSG00000175267	VWA3A	P coding	-0,18	-1,13	0,63	-3,38	0,000765242	0,006912541	-1,522
ENSG00000265739	AC104984.4	lncRNA	0,17	1,13	0,79	3,38	0,000766047	0,006917611	-1,523
ENSG00000100365	NCF4	P coding	-0,55	-1,46	5,57	-3,38	0,00076633	0,006917961	-1,523
ENSG00000179938	GOLGA8J	P coding	-0,17	-1,12	0,93	-3,38	0,000766582	0,006918031	-1,524
ENSG00000253424	AC025437.2	lncRNA	0,22	1,17	0,80	3,38	0,000766935	0,00691901	-1,524
ENSG00000166848	TERF2IP	P coding	0,31	1,24	6,17	3,38	0,000769524	0,006939447	-1,527
ENSG00000101493	ZNF516	P coding	0,51	1,43	0,87	3,38	0,00076969	0,006939447	-1,527
ENSG00000265462	MIR3680-1	miRNA	0,51	1,42	1,48	3,38	0,000771035	0,00694716	-1,529
ENSG00000266758	MIR3680-2	miRNA	0,51	1,42	1,48	3,38	0,000771035	0,00694716	-1,529
ENSG00000184270	H2AC21	P coding	0,69	1,62	3,42	3,38	0,000773365	0,006963726	-1,532
ENSG00000104976	SNAPC2	P coding	-0,23	-1,18	4,09	-3,38	0,000774338	0,006970276	-1,533
ENSG00000149403	GRIK4	P coding	-0,67	-1,59	2,93	-3,38	0,000775756	0,006980814	-1,535
ENSG00000117505	DR1	P coding	0,28	1,22	4,14	3,38	0,000776468	0,006985007	-1,536
ENSG00000143374	TARS2	P coding	0,28	1,21	4,68	3,38	0,000777211	0,006987455	-1,536
ENSG00000251976	RN75KP141	misc_RNA	0,30	1,23	0,59	3,38	0,000777233	0,006987455	-1,536
ENSG00000180185	FAHD1	P coding	0,33	1,25	2,97	3,38	0,000777528	0,006987895	-1,537
ENSG00000170365	SMAD1	P coding	-1,03	-2,04	3,07	-3,37	0,000784215	0,007043527	-1,545
ENSG00000257023	AC087241.2	lncRNA	0,15	1,11	0,41	3,37	0,000784759	0,007046173	-1,545
ENSG00000153789	FAM92B	P coding	0,78	1,72	2,33	3,37	0,000787016	0,007064208	-1,548
ENSG00000198908	BHLHB9	P coding	0,24	1,18	1,13	3,37	0,000787646	0,007066078	-1,549
ENSG00000004660	CAMKK1	P coding	-0,35	-1,28	2,43	-3,37	0,000787723	0,007066078	-1,549
ENSG00000090097	PCBP4	P coding	-0,33	-1,26	4,42	-3,37	0,000788402	0,007067808	-1,550
ENSG00000147027	TMEM47	P coding	0,53	1,44	0,52	3,37	0,000788503	0,007067808	-1,550
ENSG00000143252	SDHC	P coding	0,29	1,22	6,17	3,37	0,000788664	0,007067808	-1,550
ENSG00000103248	MTHFSD	P coding	0,34	1,27	3,75	3,37	0,000789807	0,007075809	-1,551
ENSG00000270457	AC093424.1	lncRNA	0,18	1,14	0,36	3,37	0,000792089	0,007094018	-1,554
ENSG00000143933	CALM2	P coding	0,33	1,26	8,14	3,37	0,000792419	0,007094724	-1,554
ENSG00000137054	POLR1E	P coding	-0,34	-1,26	4,14	-3,37	0,000794299	0,007109312	-1,557
ENSG00000103061	SLC7A6OS	P coding	0,28	1,21	3,69	3,37	0,000795919	0,007121565	-1,558
ENSG00000130717	UCK1	P coding	-0,21	-1,16	4,66	-3,37	0,000798756	0,007144697	-1,562
ENSG00000243477	NAA80	P coding	-0,26	-1,20	4,93	-3,37	0,000799747	0,007151298	-1,563
ENSG00000240291	AL450384.2	lncRNA	0,28	1,21	2,83	3,37	0,000800152	0,007152665	-1,563
ENSG00000261474	AC026471.4	lncRNA	0,37	1,30	2,11	3,37	0,000803885	0,007183773	-1,568
ENSG00000185716	MOSMO	P coding	0,32	1,24	3,50	3,37	0,000806492	0,007204794	-1,571
ENSG00000169894	MUC3A	P coding	0,70	1,62	0,57	3,37	0,000807447	0,007211053	-1,572
ENSG00000143768	LEFTY2	P coding	0,62	1,54	1,19	3,37	0,000808546	0,007218598	-1,573

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000163519	TRAT1	P coding	-0,92	-1,89	2,67	-3,37	0,000809711	0,007225901	-1,574
ENSG00000230290	ARMC2-AS1	lncRNA	-0,86	-1,81	5,55	-3,37	0,000809874	0,007225901	-1,575
ENSG00000181982	CCDC149	P coding	0,67	1,59	2,89	3,36	0,000811963	0,007242258	-1,577
ENSG00000201649	RNY4P34	misc_RNA	0,25	1,19	0,15	3,36	0,000813562	0,007254166	-1,579
ENSG00000188483	IER5L	P coding	0,40	1,32	0,99	3,36	0,00081381	0,007254166	-1,579
ENSG00000174123	TLR10	P coding	-0,77	-1,70	3,48	-3,36	0,000817936	0,007286826	-1,584
ENSG00000157916	RER1	P coding	0,22	1,16	7,36	3,36	0,000817988	0,007286826	-1,584
ENSG00000104738	MCM4	P coding	0,43	1,35	4,04	3,36	0,000828837	0,00738115	-1,596
ENSG00000272647	AC005020.2	P coding	-0,20	-1,15	0,65	-3,36	0,000829775	0,007387186	-1,597
ENSG00000153774	CFDP1	P coding	0,26	1,20	4,34	3,36	0,000833286	0,007415077	-1,601
ENSG00000227910	AC092634.3	TPP	0,20	1,15	0,37	3,36	0,000833431	0,007415077	-1,601
ENSG00000136149	RPL13AP25	PP	-0,29	-1,22	2,14	-3,36	0,000834106	0,007418752	-1,602
ENSG00000255516	AP005436.4	lncRNA	-0,27	-1,21	0,50	-3,36	0,000835979	0,007433079	-1,604
ENSG00000170144	HNRNPA3	P coding	0,21	1,16	7,62	3,36	0,000838196	0,007450457	-1,606
ENSG00000232912	RERE-AS1	lncRNA	0,31	1,24	1,56	3,36	0,000839316	0,007457777	-1,608
ENSG00000200237	AC008752.1	snoRNA	0,35	1,28	0,51	3,36	0,000839546	0,007457777	-1,608
ENSG00000242175	RN75L127P	misc_RNA	0,32	1,25	1,07	3,35	0,00084145	0,007472346	-1,610
ENSG00000118242	MREG	P coding	-0,44	-1,36	2,33	-3,35	0,000843286	0,007486308	-1,612
ENSG00000243749	TMEM35B	P coding	0,38	1,30	4,96	3,35	0,000850169	0,007540325	-1,619
ENSG00000117640	MTFR1L	P coding	0,26	1,20	4,72	3,35	0,000851892	0,007553248	-1,621
ENSG00000254369	HOXA-AS3	lncRNA	-0,27	-1,20	0,49	-3,35	0,000853872	0,007568432	-1,623
ENSG00000167522	ANKRD11	P coding	0,31	1,24	5,46	3,35	0,000855839	0,0075835	-1,626
ENSG00000095066	HOOK2	P coding	-0,36	-1,28	5,26	-3,35	0,000856664	0,007586468	-1,626
ENSG00000031698	SARS1	P coding	0,30	1,23	7,13	3,35	0,000856709	0,007586468	-1,626
ENSG00000236299	AC092634.4	lncRNA	0,14	1,10	0,64	3,35	0,000857944	0,007595028	-1,628
ENSG00000116903	EXOC8	P coding	0,34	1,26	3,20	3,35	0,000858261	0,007595463	-1,628
ENSG00000141664	ZCCHC2	P coding	0,59	1,50	1,81	3,35	0,000861073	0,007617971	-1,631
ENSG00000204519	ZNF551	P coding	0,26	1,20	2,21	3,35	0,000863487	0,007634564	-1,634
ENSG00000160781	PAQR6	P coding	0,38	1,30	3,41	3,35	0,000864949	0,007645104	-1,635
ENSG00000229509	AC244023.1	unPP	0,19	1,14	0,10	3,35	0,000865718	0,007649511	-1,636
ENSG00000228115	AL161725.2	lncRNA	0,17	1,13	0,41	3,35	0,000866104	0,007650538	-1,637
ENSG00000076662	ICAM3	P coding	-0,37	-1,29	8,21	-3,34	0,000873943	0,007714478	-1,645
ENSG00000238243	OR2W3	P coding	0,17	1,12	0,22	3,34	0,000874159	0,007714478	-1,645
ENSG00000159263	SIM2	P coding	0,13	1,10	0,84	3,34	0,000874754	0,007717331	-1,646
ENSG00000243829	AC011495.1	PP	-0,15	-1,11	0,41	-3,34	0,000876392	0,007729378	-1,647
ENSG00000138303	ASCC1	P coding	0,25	1,19	4,47	3,34	0,000877899	0,007740252	-1,649
ENSG00000172197	MBOAT1	P coding	0,50	1,41	2,57	3,34	0,000879381	0,007750916	-1,651
ENSG00000245146	MALINC1	lncRNA	0,28	1,22	2,80	3,34	0,000879768	0,007751611	-1,651
ENSG00000221265	MIR1255A	miRNA	0,63	1,54	1,11	3,34	0,000880548	0,007751611	-1,652
ENSG00000076321	KLHL20	P coding	0,24	1,18	3,78	3,34	0,000880554	0,007751611	-1,652
ENSG00000189184	PCDH18	P coding	0,29	1,22	0,48	3,34	0,000884917	0,007787603	-1,656
ENSG00000102145	GATA1	P coding	0,24	1,18	0,42	3,34	0,000887925	0,007809222	-1,660
ENSG00000149925	ALDOA	P coding	0,23	1,17	8,91	3,34	0,000890769	0,007831808	-1,662
ENSG00000185697	MYBL1	P coding	0,67	1,59	1,99	3,34	0,00089142	0,007835101	-1,663
ENSG00000143569	UBAP2L	P coding	0,30	1,23	6,86	3,34	0,00089331	0,007849272	-1,665
ENSG00000205913	SRRM2-AS1	lncRNA	0,18	1,14	1,10	3,34	0,000894759	0,007857298	-1,667
ENSG00000116679	IVNS1ABP	P coding	0,32	1,25	5,90	3,34	0,000894777	0,007857298	-1,667
ENSG00000143379	SETDB1	P coding	0,24	1,18	5,00	3,34	0,000895073	0,00785746	-1,667

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000184860	SDR42E1	P coding	0,34	1,26	2,19	3,34	0,000895776	0,007861198	-1,668
ENSG00000268836	Z69706.1	lncRNA	0,30	1,23	1,36	3,34	0,000900621	0,007898823	-1,673
ENSG00000203705	TATDN3	P coding	0,32	1,25	4,14	3,34	0,00090124	0,007901809	-1,673
ENSG00000172216	CEBPB	P coding	0,44	1,36	5,24	3,33	0,000903178	0,007913041	-1,675
ENSG00000241741	RPL7AP30	PP	-0,15	-1,11	0,67	-3,33	0,000903359	0,007913041	-1,675
ENSG00000252326	SNORD116-25	snoRNA	0,38	1,30	0,40	3,33	0,000903952	0,00791579	-1,676
ENSG00000213658	LAT	P coding	0,44	1,36	3,18	3,33	0,000905143	0,007923776	-1,677
ENSG00000227962	AL391994.1	PP	0,26	1,19	0,58	3,33	0,000908887	0,007954093	-1,681
ENSG00000231409	AC018868.1	PP	-0,20	-1,15	0,74	-3,33	0,000910371	0,007964626	-1,683
ENSG00000235303	AL023495.1	lncRNA	0,20	1,15	1,00	3,33	0,000912269	0,007978764	-1,685
ENSG00000154305	MIA3	P coding	0,29	1,23	7,13	3,33	0,000915106	0,008001108	-1,687
ENSG00000048140	TSPAN17	P coding	-0,21	-1,16	4,31	-3,33	0,000917068	0,008015795	-1,689
ENSG00000060688	SNRNP40	P coding	0,22	1,16	4,76	3,33	0,000920639	0,008044526	-1,693
ENSG00000129194	SOX15	P coding	0,19	1,14	0,92	3,33	0,000921009	0,008045278	-1,693
ENSG00000170677	SOC56	P coding	0,48	1,39	0,93	3,33	0,00092464	0,008072019	-1,697
ENSG00000213585	VDAC1	P coding	-0,23	-1,18	6,67	-3,33	0,000927626	0,008095595	-1,700
ENSG00000170955	CAVIN3	P coding	0,46	1,37	0,47	3,33	0,000928207	0,00809817	-1,701
ENSG00000162600	OMA1	P coding	0,39	1,31	4,88	3,33	0,000929612	0,008107933	-1,702
ENSG00000270598	AL512343.1	PP	0,21	1,16	0,19	3,33	0,000931119	0,008118578	-1,703
ENSG00000196150	ZNF250	P coding	0,25	1,19	3,45	3,33	0,00093143	0,008118795	-1,704
ENSG00000246095	LINC01096	lncRNA	-0,53	-1,45	1,06	-3,33	0,000932522	0,008125809	-1,705
ENSG00000245680	ZNF585B	P coding	0,41	1,33	1,69	3,32	0,00093655	0,008158403	-1,709
ENSG00000147168	IL2RG	P coding	0,57	1,48	7,84	3,32	0,000936905	0,008158987	-1,709
ENSG00000134077	THUMPD3	P coding	0,22	1,16	5,06	3,32	0,000937732	0,008163685	-1,710
ENSG00000184857	TMEM186	P coding	0,30	1,23	3,16	3,32	0,000938037	0,008163834	-1,710
ENSG00000144895	EIF2A	P coding	-0,20	-1,15	7,80	-3,32	0,000939664	0,008175483	-1,712
ENSG00000138279	ANXA7	P coding	0,25	1,19	6,72	3,32	0,000940544	0,008180627	-1,713
ENSG00000263813	MIR3679	miRNA	0,39	1,31	0,40	3,32	0,00094104	0,008182428	-1,713
ENSG00000223813	AC007255.1	lncRNA	0,51	1,43	1,54	3,32	0,000941693	0,008185596	-1,714
ENSG00000160685	ZBTB7B	P coding	0,33	1,26	5,25	3,32	0,000942238	0,008187457	-1,714
ENSG00000248758	AC008883.1	lncRNA	0,33	1,25	0,77	3,32	0,000942485	0,008187457	-1,715
ENSG00000224220	DTNB-AS1	lncRNA	-0,76	-1,69	4,28	-3,32	0,00094478	0,008204882	-1,717
ENSG00000174529	TMEM81	P coding	0,26	1,20	1,51	3,32	0,000947697	0,008224761	-1,720
ENSG00000124201	ZNFX1	P coding	0,35	1,27	2,88	3,32	0,00094794	0,008224761	-1,720
ENSG00000273059	AC239803.1	lncRNA	0,23	1,17	0,83	3,32	0,000948748	0,008229255	-1,721
ENSG00000157873	TNFRSF14	P coding	-0,27	-1,21	6,89	-3,32	0,000949784	0,008235074	-1,722
ENSG00000087510	TFAP2C	P coding	0,60	1,52	0,71	3,32	0,00095	0,008235074	-1,722
ENSG00000149554	CHEK1	P coding	0,31	1,24	3,37	3,32	0,000950774	0,008239264	-1,723
ENSG00000105364	MRPL4	P coding	-0,22	-1,17	6,06	-3,32	0,000951453	0,008242631	-1,723
ENSG00000188050	RNF133	P coding	0,42	1,34	1,95	3,32	0,000953009	0,008253586	-1,725
ENSG00000235034	C19orf81	P coding	0,91	1,88	0,86	3,32	0,000957281	0,00828299	-1,729
ENSG00000007255	TRAPP6A	P coding	-0,27	-1,21	5,72	-3,32	0,000960062	0,008304519	-1,732
ENSG00000105656	ELL	P coding	-0,26	-1,20	4,91	-3,32	0,000961381	0,008310855	-1,733
ENSG00000245849	RAD51-AS1	lncRNA	0,35	1,28	5,92	3,32	0,000963449	0,008325072	-1,735
ENSG00000143158	MPC2	P coding	0,24	1,18	5,93	3,32	0,000963624	0,008325072	-1,735
ENSG00000119669	IRF2BPL	P coding	0,36	1,29	3,19	3,32	0,000963906	0,008325072	-1,735
ENSG00000253535	AC120193.1	lncRNA	0,29	1,22	1,46	3,32	0,000966069	0,008341206	-1,737
ENSG00000246174	KCTD21-AS1	lncRNA	0,29	1,22	1,66	3,32	0,000967643	0,00834717	-1,739

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000004487	KDM1A	P coding	0,21	1,16	4,70	3,31	0,000972448	0,008386073	-1,743
ENSG00000266783	AP005136.3	lncRNA	0,19	1,14	1,10	3,31	0,000973266	0,008390573	-1,744
ENSG00000187601	MAGEH1	P coding	0,36	1,28	5,68	3,31	0,000974188	0,008395966	-1,745
ENSG00000101294	HM13	P coding	0,27	1,20	8,66	3,31	0,000975174	0,008401912	-1,746
ENSG00000188342	GTF2F2	P coding	-0,39	-1,31	4,53	-3,31	0,000975874	0,008404785	-1,747
ENSG00000230894	AL133284.1	lncRNA	0,11	1,08	0,69	3,31	0,000976101	0,008404785	-1,747
ENSG00000131791	PRKAB2	P coding	0,33	1,26	2,84	3,31	0,000980197	0,008437491	-1,751
ENSG00000136891	TEX10	P coding	-0,25	-1,19	4,23	-3,31	0,000981003	0,008439309	-1,752
ENSG00000261588	AC093249.4	PP	0,27	1,20	0,78	3,31	0,000983204	0,008455675	-1,754
ENSG00000197948	FCSD1	P coding	-0,39	-1,31	4,81	-3,31	0,000983531	0,008455923	-1,754
ENSG00000143458	GABPB2	P coding	0,37	1,29	3,17	3,31	0,000984429	0,008461072	-1,755
ENSG00000163349	HIPK1	P coding	0,31	1,24	3,93	3,31	0,00098495	0,00846299	-1,755
ENSG00000229625	AC016877.1	lncRNA	0,19	1,14	0,70	3,31	0,000986311	0,008472114	-1,757
ENSG00000262165	AC233723.1	P coding	0,19	1,14	0,45	3,31	0,000987062	0,008475997	-1,757
ENSG00000234776	C11orf94	P coding	-0,26	-1,19	1,10	-3,31	0,000989737	0,008496391	-1,760
ENSG00000143514	TP53BP2	P coding	0,43	1,35	3,62	3,31	0,000991258	0,008506869	-1,761
ENSG00000160293	VAV2	P coding	0,54	1,45	1,58	3,31	0,0009935	0,008523532	-1,763
ENSG00000186132	C2orf76	P coding	0,41	1,33	4,61	3,31	0,000994107	0,00852616	-1,764
ENSG00000262873	AC127496.5	lncRNA	0,22	1,16	0,55	3,31	0,000995173	0,008530108	-1,765
ENSG00000248592	STIMATE-MUSTN1	P coding	0,29	1,22	2,52	3,31	0,00099547	0,008530108	-1,765
ENSG00000257261	AC008014.1	lncRNA	0,33	1,25	4,92	3,31	0,00099658	0,008537033	-1,766
ENSG00000261061	AC092718.4	lncRNA	0,25	1,19	1,79	3,31	0,000997588	0,008542505	-1,767
ENSG00000273149	AL138963.4	lncRNA	-0,31	-1,24	1,07	-3,31	0,000997821	0,008542505	-1,767
ENSG00000168887	C2orf68	P coding	0,29	1,22	4,23	3,31	0,000998883	0,008546437	-1,768
ENSG00000176055	MBLAC2	P coding	0,34	1,27	2,56	3,31	0,000999361	0,008547947	-1,769
ENSG0000011243	AKAP8L	P coding	-0,22	-1,17	6,56	-3,31	0,001001063	0,008559916	-1,770
ENSG00000238198	LRIG2-DT	lncRNA	0,11	1,08	0,68	3,30	0,001012959	0,00865642	-1,781
ENSG00000050393	MCUR1	P coding	0,27	1,21	4,44	3,30	0,001015343	0,008674172	-1,783
ENSG00000138029	HADHB	P coding	0,24	1,18	5,45	3,30	0,001016608	0,008682365	-1,784
ENSG00000148730	EIF4EBP2	P coding	0,27	1,21	4,13	3,30	0,0010172	0,008684806	-1,785
ENSG00000216775	AL109918.1	TUP	0,68	1,60	4,63	3,30	0,00101873	0,008695248	-1,786
ENSG00000135837	CEP350	P coding	0,29	1,22	4,64	3,30	0,00101945	0,008698777	-1,787
ENSG00000230910	AL391807.1	lncRNA	0,80	1,74	2,85	3,30	0,001020936	0,008708829	-1,788
ENSG00000260296	AC095057.3	lncRNA	0,32	1,25	1,84	3,30	0,001022368	0,008718425	-1,790
ENSG00000267228	AC012254.2	P coding	0,27	1,21	1,13	3,30	0,00102346	0,00872511	-1,791
ENSG00000234026	AL157834.2	lncRNA	0,18	1,13	0,38	3,30	0,001024669	0,00873279	-1,792
ENSG00000196440	ARMCX4	P coding	0,27	1,20	3,06	3,30	0,001026758	0,008747933	-1,794
ENSG00000105852	PON3	P coding	0,30	1,23	0,72	3,30	0,001027063	0,008747933	-1,794
ENSG00000125149	C16orf70	P coding	0,24	1,18	3,10	3,30	0,00102939	0,00876512	-1,796
ENSG00000169704	GP9	P coding	0,38	1,30	0,59	3,30	0,001031482	0,008779668	-1,798
ENSG00000003402	CFLAR	P coding	0,42	1,34	8,51	3,30	0,001031718	0,008779668	-1,798
ENSG00000153815	CMIP	P coding	0,32	1,25	3,33	3,30	0,00103209	0,008780202	-1,798
ENSG00000176472	ZNF575	P coding	0,26	1,20	1,86	3,30	0,001033069	0,00878589	-1,799
ENSG00000207363	AL034399.1	misc_RNA	0,31	1,24	0,21	3,30	0,001034412	0,008794673	-1,800
ENSG000000091483	FH	P coding	0,35	1,27	5,58	3,30	0,001035774	0,008803614	-1,802
ENSG00000271871	AC005740.4	lncRNA	-0,23	-1,18	1,07	-3,30	0,001037753	0,008817787	-1,803
ENSG00000248371	LINC02056	lncRNA	0,18	1,13	0,64	3,29	0,001038976	0,008825533	-1,805
ENSG00000180098	TRNAU1AP	P coding	0,25	1,19	4,34	3,29	0,001041589	0,00884508	-1,807

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000091640	SPAG7	P coding	0,19	1,14	5,66	3,29	0,001046353	0,008882875	-1,811
ENSG00000196683	TOMM7	P coding	-0,24	-1,18	8,63	-3,29	0,001049651	0,008908202	-1,814
ENSG00000230695	AC012462.3	lncRNA	0,25	1,19	0,14	3,29	0,001051033	0,008917267	-1,815
ENSG00000225891	DHDDS-AS1	lncRNA	0,23	1,17	1,09	3,29	0,001051819	0,008921262	-1,816
ENSG00000131238	PPT1	P coding	0,26	1,20	5,95	3,29	0,00105421	0,008938872	-1,818
ENSG00000114745	GORASP1	P coding	-0,25	-1,19	5,89	-3,29	0,001055726	0,008949043	-1,819
ENSG00000257530	AC048344.1	lncRNA	0,19	1,14	0,85	3,29	0,001056268	0,008950962	-1,820
ENSG00000104131	EIF3J	P coding	-0,27	-1,21	6,35	-3,29	0,001057149	0,008955754	-1,820
ENSG00000234129	AC073529.1	lncRNA	0,18	1,13	0,76	3,29	0,00105996	0,008976883	-1,823
ENSG00000103160	HSDL1	P coding	0,32	1,25	3,48	3,29	0,001061968	0,008991203	-1,825
ENSG00000139083	ETV6	P coding	0,38	1,30	4,10	3,29	0,001063246	0,008999338	-1,826
ENSG00000185950	IRS2	P coding	0,54	1,46	1,22	3,29	0,001067026	0,009028632	-1,829
ENSG00000260057	LINC01571	lncRNA	0,14	1,10	0,50	3,29	0,001068457	0,009038043	-1,830
ENSG00000255237	AC138230.1	lncRNA	0,14	1,10	0,82	3,29	0,001068855	0,009038715	-1,831
ENSG00000205628	LINC01446	lncRNA	0,23	1,17	0,80	3,29	0,001070033	0,009045195	-1,832
ENSG00000200753	AC004130.1	snRNA	0,35	1,28	0,31	3,29	0,00107026	0,009045195	-1,832
ENSG00000260193	LINC02846	lncRNA	0,17	1,13	0,48	3,29	0,00107313	0,009066745	-1,834
ENSG00000116138	DNAJC16	P coding	0,31	1,24	3,32	3,28	0,001077234	0,009098709	-1,838
ENSG00000120093	HOBX3	P coding	-0,47	-1,38	1,19	-3,28	0,00107929	0,009111004	-1,840
ENSG00000160062	ZBTB8A	P coding	0,29	1,22	1,23	3,28	0,001079332	0,009111004	-1,840
ENSG00000166979	EVA1C	P coding	0,44	1,36	1,62	3,28	0,001082355	0,009131743	-1,842
ENSG00000232542	DPYD-IT1	lncRNA	0,26	1,20	1,53	3,28	0,001086105	0,009157368	-1,845
ENSG00000240152	LINC02271	lncRNA	0,20	1,15	1,23	3,28	0,001086117	0,009157368	-1,845
ENSG00000078177	N4BP2	P coding	0,35	1,28	3,33	3,28	0,001086482	0,009157724	-1,846
ENSG00000234705	HMGAI1P4	lncRNA	-0,41	-1,33	3,32	-3,28	0,001089487	0,009180322	-1,848
ENSG00000104883	PEX11G	P coding	-0,25	-1,19	1,26	-3,28	0,001090984	0,009188414	-1,850
ENSG00000183580	FBXL7	P coding	0,41	1,32	0,40	3,28	0,001091096	0,009188414	-1,850
ENSG00000177144	NUDT4B	P coding	0,32	1,25	4,62	3,28	0,001093986	0,0092092	-1,852
ENSG00000272832	AC022296.4	lncRNA	0,28	1,22	0,95	3,28	0,001094326	0,0092092	-1,852
ENSG00000227094	AL512785.1	lncRNA	0,16	1,12	0,69	3,28	0,001094539	0,0092092	-1,853
ENSG00000049283	EPN3	P coding	0,18	1,13	0,61	3,28	0,001096582	0,009220918	-1,854
ENSG00000266975	FARSA-AS1	lncRNA	0,29	1,22	0,90	3,28	0,001099357	0,009241508	-1,857
ENSG00000256984	AC008013.3	TPP	0,49	1,40	2,53	3,28	0,001103158	0,009270714	-1,860
ENSG00000157350	ST3GAL2	P coding	0,38	1,31	3,31	3,28	0,001107983	0,009308498	-1,864
ENSG00000075142	SRI	P coding	-0,26	-1,20	6,74	-3,28	0,001109322	0,009316992	-1,865
ENSG00000261226	AC092384.3	lncRNA	0,23	1,17	0,55	3,28	0,001111812	0,009335135	-1,867
ENSG00000131089	ARHGEF9	P coding	0,29	1,22	3,60	3,27	0,001113776	0,009348862	-1,869
ENSG00000089009	RPL6	P coding	-0,21	-1,16	10,72	-3,27	0,001116988	0,009373043	-1,871
ENSG00000171161	ZNF672	P coding	0,29	1,22	4,09	3,27	0,001119307	0,009389722	-1,873
ENSG00000140995	DEF8	P coding	0,29	1,22	5,93	3,27	0,001120219	0,009394597	-1,874
ENSG00000165006	UBAP1	P coding	-0,20	-1,15	4,76	-3,27	0,001120736	0,009396146	-1,874
ENSG00000119004	CYP20A1	P coding	0,34	1,27	4,35	3,27	0,001121428	0,00939917	-1,875
ENSG00000224261	RPSAP18	PP	0,15	1,11	0,54	3,27	0,001124802	0,009424662	-1,878
ENSG00000270354	AC012368.3	PP	0,40	1,32	0,79	3,27	0,001129157	0,009458355	-1,881
ENSG00000166971	AKTIP	P coding	0,26	1,20	4,43	3,27	0,001129551	0,009458861	-1,882
ENSG00000269439	AC010618.3	lncRNA	0,25	1,19	2,52	3,27	0,001134948	0,009495644	-1,886
ENSG00000181381	DDX60L	P coding	0,52	1,43	2,17	3,27	0,001137542	0,00951454	-1,888
ENSG00000085552	IGSF9	P coding	0,20	1,15	0,35	3,27	0,001138837	0,009522556	-1,889

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000136936	XPA	P coding	-0,21	-1,16	4,70	-3,27	0,001141356	0,009537997	-1,891
ENSG00000143149	ALDH9A1	P coding	0,27	1,20	5,60	3,27	0,001143678	0,009552467	-1,893
ENSG00000168872	DDX19A	P coding	0,23	1,18	4,66	3,27	0,001143762	0,009552467	-1,893
ENSG00000118680	MYL12B	P coding	0,26	1,20	6,94	3,27	0,001144711	0,009557578	-1,894
ENSG00000184381	PLA2G6	P coding	0,44	1,36	4,83	3,27	0,001145087	0,009557902	-1,894
ENSG00000197647	ZNF433	P coding	-0,32	-1,25	2,77	-3,27	0,00114654	0,009567214	-1,895
ENSG00000230912	AL021707.4	lncRNA	0,26	1,20	1,55	3,27	0,001151036	0,0096019	-1,899
ENSG00000119446	RBM18	P coding	-0,22	-1,17	4,31	-3,27	0,001151786	0,009605329	-1,899
ENSG00000188549	CCDC9B	P coding	-0,26	-1,20	1,10	-3,26	0,001153188	0,009614193	-1,901
ENSG00000152422	XRCC4	P coding	-0,41	-1,33	4,30	-3,26	0,001159064	0,009659148	-1,905
ENSG00000138698	RAP1GDS1	P coding	0,27	1,20	4,20	3,26	0,001159261	0,009659148	-1,905
ENSG00000176022	B3GALT6	P coding	0,33	1,26	2,77	3,26	0,001161766	0,009677171	-1,907
ENSG00000164096	C4orf3	P coding	0,24	1,18	6,32	3,26	0,001163172	0,009686034	-1,909
ENSG00000257354	AC048341.1	lncRNA	0,25	1,19	1,89	3,26	0,001166393	0,009704311	-1,911
ENSG00000246366	LACTB2-AS1	lncRNA	0,24	1,18	3,18	3,26	0,001168179	0,009716314	-1,913
ENSG00000121481	RNF2	P coding	0,26	1,20	3,62	3,26	0,001168903	0,009718209	-1,913
ENSG00000146083	RNF44	P coding	-0,27	-1,21	5,33	-3,26	0,001169092	0,009718209	-1,913
ENSG00000201098	RNY1	misc_RNA	0,74	1,67	3,33	3,26	0,001172728	0,009745569	-1,916
ENSG00000120913	PDLIM2	P coding	-0,53	-1,44	2,70	-3,26	0,001173842	0,009751972	-1,917
ENSG00000143761	ARF1	P coding	0,26	1,20	8,76	3,26	0,001175408	0,009762121	-1,918
ENSG00000177519	RPRM	P coding	0,68	1,60	1,33	3,26	0,001182044	0,009814354	-1,923
ENSG00000253013	AC104070.1	snoRNA	0,66	1,57	2,37	3,26	0,001184044	0,009828088	-1,925
ENSG00000199751	AL590763.1	misc_RNA	0,42	1,34	0,54	3,26	0,001185971	0,009841198	-1,926
ENSG00000172638	EFEMP2	P coding	-0,36	-1,28	2,47	-3,26	0,001188005	0,009855194	-1,928
ENSG00000157933	SKI	P coding	0,41	1,33	3,12	3,26	0,001192485	0,009887808	-1,931
ENSG00000116539	ASH1L	P coding	0,28	1,21	4,38	3,26	0,001192634	0,009887808	-1,932
ENSG00000233820	AL589843.2	TPP	0,22	1,16	0,32	3,26	0,001193261	0,009890107	-1,932
ENSG00000248375	AC104066.3	PP	0,18	1,14	1,34	3,25	0,001193755	0,009891316	-1,932
ENSG00000260646	AL031705.1	lncRNA	0,15	1,11	0,56	3,25	0,001199346	0,009934735	-1,937
ENSG00000263326	AC133552.4	unPP	0,16	1,11	0,29	3,25	0,001199952	0,009936854	-1,937
ENSG00000267858	MZF1-AS1	lncRNA	0,31	1,24	2,40	3,25	0,001201116	0,009943583	-1,938
ENSG00000177410	ZFAS1	lncRNA	-0,34	-1,26	6,31	-3,25	0,001202473	0,009951857	-1,939
ENSG00000231084	RPL22P24	PP	0,33	1,26	2,77	3,25	0,001202817	0,009951857	-1,939
ENSG00000162909	CAPN2	P coding	0,51	1,43	6,99	3,25	0,001207972	0,009988737	-1,943
ENSG00000115415	STAT1	P coding	0,47	1,38	6,34	3,25	0,00120798	0,009988737	-1,943
ENSG00000140521	POLG	P coding	-0,23	-1,17	5,71	-3,25	0,00121007	0,0100031	-1,945
ENSG00000184277	TM2D3	P coding	-0,22	-1,16	5,45	-3,25	0,001212353	0,010019059	-1,947
ENSG00000167971	CASKIN1	P coding	0,86	1,81	1,02	3,25	0,00122011	0,010074345	-1,953
ENSG00000165475	CRYL1	P coding	-0,42	-1,34	3,91	-3,25	0,001220766	0,010076826	-1,953
ENSG00000185630	PBX1	P coding	0,40	1,32	1,80	3,25	0,001221533	0,010080229	-1,954
ENSG00000269918	AF131215.6	lncRNA	0,31	1,24	1,67	3,25	0,001223251	0,010091461	-1,955
ENSG00000241794	SPRR2A	P coding	0,39	1,31	0,30	3,25	0,001225442	0,0101066	-1,957
ENSG00000264999	MIR5089	miRNA	0,43	1,35	0,60	3,25	0,001228344	0,010127582	-1,959
ENSG00000052126	PLEKHA5	P coding	0,35	1,28	1,95	3,25	0,001228705	0,010127617	-1,959
ENSG00000265885	RN7SL783P	misc_RNA	0,20	1,15	0,53	3,25	0,001229663	0,010132563	-1,960
ENSG00000118046	STK11	P coding	-0,23	-1,17	5,63	-3,25	0,001230861	0,01013949	-1,961
ENSG00000166068	SPRED1	P coding	0,58	1,49	2,02	3,25	0,00123175	0,010143867	-1,961
ENSG00000264235	AP005329.1	lncRNA	0,25	1,19	1,22	3,25	0,001232562	0,010147605	-1,962

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000101004	NINL	P coding	-0,48	-1,39	2,06	-3,25	0,001233105	0,010149127	-1,962
ENSG00000186567	CEACAM19	P coding	0,23	1,18	0,88	3,24	0,001238594	0,010191347	-1,966
ENSG00000237515	SHISA9	P coding	0,20	1,15	2,03	3,24	0,001242213	0,010216781	-1,969
ENSG00000257949	TEN1	P coding	-0,20	-1,15	4,71	-3,24	0,001243397	0,010221962	-1,970
ENSG00000133063	CHIT1	P coding	0,49	1,40	2,85	3,24	0,001243767	0,01022204	-1,970
ENSG00000251891	RNU7-79P	snRNA	0,33	1,26	0,37	3,24	0,001245381	0,010232336	-1,971
ENSG00000231683	AL033397.1	lncRNA	0,13	1,10	0,86	3,24	0,001249691	0,010264774	-1,975
ENSG00000266904	LINC00663	lncRNA	0,28	1,21	2,52	3,24	0,001252474	0,010284652	-1,977
ENSG00000249417	AC117383.1	lncRNA	0,30	1,23	1,41	3,24	0,001253935	0,010293673	-1,978
ENSG00000129636	ITFG1	P coding	0,31	1,24	5,75	3,24	0,001260947	0,010348238	-1,983
ENSG00000201102	AC079305.1	misc_RNA	0,25	1,19	0,18	3,24	0,001261454	0,010349397	-1,983
ENSG00000262692	AC116914.2	lncRNA	0,34	1,26	2,38	3,24	0,001262382	0,010354016	-1,984
ENSG00000197771	MCMBP	P coding	0,26	1,20	4,37	3,24	0,00126322	0,01035512	-1,984
ENSG00000220749	RPL21P28	PP	-0,34	-1,27	2,70	-3,24	0,001263247	0,01035512	-1,985
ENSG00000173221	GLRX	P coding	-0,48	-1,40	7,55	-3,24	0,001263625	0,010355225	-1,985
ENSG00000144785	AC073896.1	P coding	0,45	1,36	2,12	3,24	0,001265195	0,010365094	-1,986
ENSG00000224675	AC009227.1	lncRNA	0,13	1,09	0,70	3,24	0,001266542	0,010373128	-1,987
ENSG00000271361	HTATSFP2	PP	0,50	1,41	3,03	3,24	0,001268501	0,010386175	-1,988
ENSG00000176973	FAM89B	P coding	0,33	1,26	6,31	3,24	0,001269892	0,01039456	-1,989
ENSG00000233558	AL050331.1	PP	0,21	1,16	1,18	3,24	0,00127058	0,010397191	-1,990
ENSG00000260988	AC090260.2	lncRNA	0,15	1,11	0,91	3,24	0,00127891	0,010462334	-1,996
ENSG00000181847	TIGIT	P coding	-0,40	-1,32	1,40	-3,23	0,001281875	0,01048356	-1,998
ENSG00000078124	ACER3	P coding	-0,28	-1,21	2,28	-3,23	0,001283828	0,010496503	-1,999
ENSG00000143624	INTS3	P coding	0,37	1,29	4,78	3,23	0,001287655	0,010521725	-2,002
ENSG00000150051	MKX	P coding	0,72	1,65	3,35	3,23	0,001288943	0,010529218	-2,003
ENSG00000116698	SMG7	P coding	0,26	1,20	5,03	3,23	0,001294326	0,010570139	-2,007
ENSG00000241889	AC079944.2	PP	-0,25	-1,19	0,76	-3,23	0,001297177	0,010588497	-2,009
ENSG00000163686	ABHD6	P coding	-0,25	-1,19	2,48	-3,23	0,001297321	0,010588497	-2,009
ENSG00000230482	ATP5MC2P3	PP	0,31	1,24	1,16	3,23	0,001307066	0,01066497	-2,016
ENSG00000125651	GTF2F1	P coding	-0,20	-1,15	5,69	-3,23	0,001308203	0,01067117	-2,017
ENSG00000109083	IFT20	P coding	-0,23	-1,17	6,43	-3,23	0,001310077	0,010683381	-2,018
ENSG00000168701	TMEM208	P coding	0,27	1,21	6,94	3,23	0,001311106	0,010688325	-2,019
ENSG00000259078	PTBP1P	PP	0,17	1,13	0,43	3,23	0,001311172	0,010690627	-2,019
ENSG00000100722	ZC3H14	P coding	0,24	1,18	4,39	3,23	0,001315737	0,010720287	-2,022
ENSG00000144852	NR1I2	P coding	-0,26	-1,20	0,75	-3,23	0,001317535	0,010731855	-2,023
ENSG00000227199	ST7-AS1	lncRNA	0,26	1,20	1,07	3,23	0,001320441	0,010752431	-2,025
ENSG00000109787	KLF3	P coding	0,43	1,35	5,10	3,23	0,001321967	0,010761765	-2,026
ENSG00000203993	ARRDC1-AS1	lncRNA	0,27	1,21	4,40	3,22	0,00132634	0,010791166	-2,029
ENSG00000143162	CREG1	P coding	0,37	1,30	6,01	3,22	0,001329415	0,010811011	-2,031
ENSG00000196914	ARHGEF12	P coding	-0,37	-1,29	4,95	-3,22	0,001329542	0,010811011	-2,032
ENSG00000222389	RNU2-28P	snRNA	-0,46	-1,37	1,67	-3,22	0,001330045	0,010812002	-2,032
ENSG00000269978	AL359881.1	lncRNA	0,35	1,27	0,30	3,22	0,001331711	0,010822445	-2,033
ENSG00000136631	VPS45	P coding	0,35	1,27	4,18	3,22	0,001335879	0,010853204	-2,036
ENSG00000260891	AC020978.3	lncRNA	0,21	1,16	0,84	3,22	0,00133887	0,010873187	-2,038
ENSG00000235508	RPS2P7	PP	-0,15	-1,11	0,40	-3,22	0,001339153	0,010873187	-2,038
ENSG00000167618	LAIR2	P coding	0,34	1,27	0,34	3,22	0,00133949	0,010873187	-2,038
ENSG00000166321	NUDT13	P coding	0,31	1,24	2,22	3,22	0,001343222	0,010900365	-2,041
ENSG00000264107	AC138207.2	lncRNA	0,22	1,16	1,47	3,22	0,001345675	0,010917146	-2,043

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000173598	NUDT4	P coding	0,22	1,17	5,95	3,22	0,001348904	0,01094021	-2,045
ENSG00000155545	MIER3	P coding	-0,30	-1,23	4,21	-3,22	0,001350427	0,01094943	-2,046
ENSG00000108387	SEPTIN4	P coding	0,30	1,23	1,48	3,22	0,001350929	0,010950367	-2,046
ENSG00000105131	EPHX3	P coding	-0,23	-1,17	0,56	-3,22	0,001352558	0,010960439	-2,047
ENSG00000231533	AL391840.1	lncRNA	0,34	1,27	0,61	3,22	0,00135386	0,010967852	-2,048
ENSG00000165688	PMPCA	P coding	-0,20	-1,15	5,51	-3,22	0,001354291	0,01096821	-2,049
ENSG00000244699	AC139453.2	unPP	0,23	1,17	0,28	3,22	0,001355012	0,010970915	-2,049
ENSG00000238287	AL603839.3	lncRNA	0,22	1,17	0,81	3,22	0,001355935	0,010975254	-2,050
ENSG00000260077	AC104794.3	lncRNA	0,50	1,42	2,50	3,22	0,001362616	0,011026183	-2,054
ENSG00000143776	CDC42BPA	P coding	0,32	1,25	0,35	3,22	0,001363042	0,011026483	-2,054
ENSG00000110031	LPXN	P coding	-0,40	-1,32	5,10	-3,22	0,001365363	0,011042107	-2,056
ENSG00000050327	ARHGEF5	P coding	-0,47	-1,38	2,61	-3,22	0,001367997	0,011060251	-2,058
ENSG00000103335	PIEZO1	P coding	0,39	1,31	6,90	3,21	0,001375343	0,011113305	-2,063
ENSG00000205869	KRTAP5-1	P coding	0,21	1,16	0,33	3,21	0,001379114	0,011140597	-2,065
ENSG00000128422	KRT17	P coding	0,49	1,40	0,46	3,21	0,001381876	0,01115973	-2,067
ENSG00000123600	METTL8	P coding	-0,36	-1,29	4,40	-3,21	0,001384158	0,011173142	-2,069
ENSG00000271404	MZT1P2	PP	0,18	1,14	0,31	3,21	0,001384325	0,011173142	-2,069
ENSG00000099977	DDT	P coding	0,23	1,17	6,73	3,21	0,00138759	0,011189932	-2,071
ENSG00000215595	C20orf202	P coding	-0,15	-1,11	0,65	-3,21	0,001388871	0,011197082	-2,072
ENSG00000256642	LINC00273	lncRNA	0,32	1,25	1,01	3,21	0,001390087	0,011203524	-2,072
ENSG00000257979	SNRPGP18	PP	0,24	1,18	0,41	3,21	0,001390461	0,011203524	-2,073
ENSG00000243276	AC068633.1	lncRNA	-0,47	-1,39	2,31	-3,21	0,001392442	0,011216302	-2,074
ENSG00000152217	SETBP1	P coding	0,39	1,31	3,33	3,21	0,00139408	0,011226302	-2,075
ENSG00000197457	STMN3	P coding	0,43	1,35	2,54	3,21	0,001398519	0,011255653	-2,078
ENSG00000260179	AL162741.1	lncRNA	0,19	1,14	1,21	3,21	0,00140007	0,011264937	-2,079
ENSG00000148444	COMMD3	P coding	0,42	1,34	8,81	3,21	0,001407596	0,011322282	-2,084
ENSG00000210709	RNU6ATAC3P	snRNA	0,21	1,15	0,12	3,21	0,001407998	0,011322298	-2,084
ENSG00000118705	RPN2	P coding	0,30	1,23	8,97	3,21	0,001410906	0,011342471	-2,086
ENSG00000077157	PPP1R12B	P coding	0,26	1,20	2,43	3,21	0,001412576	0,011352677	-2,087
ENSG00000170100	ZNF778	P coding	0,27	1,21	2,83	3,21	0,001414936	0,011368415	-2,089
ENSG00000258317	AC034102.6	lncRNA	0,32	1,25	2,15	3,20	0,001419645	0,011403022	-2,092
ENSG00000079616	KIF22	P coding	0,33	1,26	5,08	3,20	0,001421635	0,011415769	-2,093
ENSG00000026103	FAS	P coding	0,61	1,52	1,83	3,20	0,001422986	0,011420145	-2,094
ENSG00000237370	AC010907.2	lncRNA	0,17	1,13	0,47	3,20	0,001426915	0,011445195	-2,096
ENSG00000179195	ZNF664	P coding	0,25	1,19	5,71	3,20	0,001428558	0,011455139	-2,098
ENSG00000258469	CHMP4BP1	PP	0,40	1,32	1,32	3,20	0,001431925	0,011478885	-2,100
ENSG00000134744	TUT4	P coding	0,29	1,22	5,73	3,20	0,001435152	0,011501507	-2,102
ENSG00000165175	MID1IP1	P coding	0,73	1,65	3,01	3,20	0,001439312	0,011531583	-2,104
ENSG00000166947	EPB42	P coding	0,27	1,21	2,32	3,20	0,001440711	0,011539533	-2,105
ENSG00000266553	RN7SL356P	misc_RNA	0,35	1,28	1,58	3,20	0,001442331	0,011549244	-2,106
ENSG00000179295	PTPN11	P coding	0,21	1,15	4,66	3,20	0,001442905	0,011550573	-2,107
ENSG00000272114	AL136131.3	lncRNA	0,59	1,50	3,64	3,20	0,001451654	0,011617327	-2,112
ENSG00000244219	TMEM225B	P coding	-0,27	-1,20	1,50	-3,20	0,001452755	0,011622859	-2,113
ENSG00000215256	DHR54-AS1	lncRNA	0,31	1,24	3,08	3,20	0,001453486	0,011625426	-2,113
ENSG00000264399	MIR4736	miRNA	0,42	1,34	0,49	3,20	0,001455466	0,011635414	-2,115
ENSG00000269635	AC004257.1	lncRNA	0,17	1,13	0,53	3,20	0,001455768	0,011635414	-2,115
ENSG00000117528	ABCD3	P coding	0,27	1,20	3,42	3,20	0,001455966	0,011635414	-2,115
ENSG00000136848	DAB2IP	P coding	-0,51	-1,43	2,11	-3,20	0,001457242	0,011639908	-2,116

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000136521	NDUFB5	P coding	-0,29	-1,22	6,56	-3,20	0,00145735	0,011639908	-2,116
ENSG00000158164	TMSB15A	P coding	0,45	1,36	0,78	3,20	0,001459515	0,011653918	-2,117
ENSG00000179104	TMTC2	P coding	0,27	1,21	3,87	3,20	0,001460914	0,011661807	-2,118
ENSG00000255733	IFNG-AS1	lncRNA	0,47	1,39	4,68	3,20	0,001462059	0,011663079	-2,119
ENSG00000155304	HSPA13	P coding	0,31	1,24	6,52	3,20	0,001462209	0,011663079	-2,119
ENSG00000187231	SESTD1	P coding	0,54	1,46	2,21	3,20	0,001462308	0,011663079	-2,119
ENSG00000166716	ZNF592	P coding	-0,25	-1,19	4,55	-3,20	0,001463082	0,011665968	-2,119
ENSG00000163453	IGFBP7	P coding	0,64	1,56	1,86	3,20	0,001464318	0,01167254	-2,120
ENSG00000163710	PCOLCE2	P coding	0,40	1,32	0,35	3,20	0,001466129	0,011680523	-2,121
ENSG00000234741	GASS	lncRNA	-0,44	-1,35	9,00	-3,20	0,001466143	0,011680523	-2,121
ENSG00000175395	ZNF25	P coding	0,27	1,20	1,77	3,20	0,001466809	0,011682543	-2,122
ENSG00000266407	MIR3157	miRNA	0,23	1,17	0,16	3,19	0,0014681	0,011689544	-2,123
ENSG00000127663	KDM4B	P coding	-0,22	-1,16	4,46	-3,19	0,001468662	0,011690727	-2,123
ENSG00000184990	SIVA1	P coding	0,25	1,19	6,31	3,19	0,00147076	0,011704148	-2,124
ENSG00000168282	MGAT2	P coding	0,29	1,22	6,09	3,19	0,001472434	0,011714181	-2,125
ENSG00000005194	CIAPIN1	P coding	0,24	1,18	4,46	3,19	0,00147346	0,011719052	-2,126
ENSG00000188739	RBM34	P coding	0,25	1,19	5,81	3,19	0,001477011	0,011743997	-2,128
ENSG00000091181	IL5RA	P coding	-0,97	-1,95	5,20	-3,19	0,001482908	0,011783561	-2,132
ENSG00000163348	PYGO2	P coding	0,36	1,28	4,87	3,19	0,001483234	0,011783561	-2,132
ENSG00000076351	SLC46A1	P coding	-0,30	-1,23	3,44	-3,19	0,001491829	0,01184705	-2,137
ENSG00000261546	AC135782.3	lncRNA	0,23	1,17	0,79	3,19	0,001492061	0,01184705	-2,137
ENSG00000237595	LINC01275	lncRNA	0,32	1,24	1,07	3,19	0,001495771	0,011873178	-2,140
ENSG00000162594	IL23R	P coding	-0,36	-1,29	0,54	-3,19	0,001504588	0,011935775	-2,145
ENSG00000217555	CKLF	P coding	0,40	1,32	6,17	3,19	0,001504612	0,011935775	-2,145
ENSG00000225051	HMGB3P22	TPP	0,30	1,23	1,43	3,19	0,00150492	0,011935775	-2,145
ENSG00000111666	CHPT1	P coding	0,52	1,43	4,17	3,19	0,001509332	0,011964071	-2,148
ENSG00000100567	PSMA3	P coding	0,26	1,19	6,68	3,19	0,001515054	0,012002718	-2,152
ENSG00000200247	RNU6-254P	snRNA	0,24	1,18	0,16	3,19	0,00151704	0,012015089	-2,153
ENSG00000180011	ZADH2	P coding	0,30	1,23	4,21	3,18	0,001518281	0,012021562	-2,153
ENSG00000152952	PLOD2	P coding	0,79	1,73	2,08	3,18	0,001519237	0,01202427	-2,154
ENSG00000231062	AC103563.2	lncRNA	0,27	1,21	0,29	3,18	0,001521358	0,012032614	-2,155
ENSG00000100632	ERH	P coding	0,22	1,16	6,51	3,18	0,001521375	0,012032614	-2,155
ENSG00000260927	AC009107.2	lncRNA	0,17	1,12	0,72	3,18	0,001522837	0,012040817	-2,156
ENSG00000140598	EFL1	P coding	-0,27	-1,20	3,38	-3,18	0,001523424	0,012042105	-2,157
ENSG00000165804	ZNF219	P coding	0,36	1,28	3,15	3,18	0,001524685	0,01204871	-2,157
ENSG00000272043	AC016405.2	lncRNA	0,23	1,17	0,84	3,18	0,00152961	0,01208426	-2,160
ENSG00000159322	ADPGK	P coding	-0,18	-1,14	6,65	-3,18	0,001534931	0,012119527	-2,163
ENSG00000244055	AC007566.1	lncRNA	0,30	1,23	2,61	3,18	0,001535313	0,012119527	-2,164
ENSG00000130313	PGLS	P coding	-0,20	-1,15	5,13	-3,18	0,001535357	0,012119527	-2,164
ENSG00000227972	THAP12P3	PP	0,32	1,25	0,96	3,18	0,001537066	0,012129639	-2,165
ENSG00000185453	ZSWIM9	P coding	0,23	1,18	2,71	3,18	0,001537791	0,012130099	-2,165
ENSG00000171476	HOPX	P coding	0,58	1,49	2,41	3,18	0,001538337	0,012130099	-2,166
ENSG00000243415	AC107021.1	lncRNA	0,28	1,22	2,56	3,18	0,001538411	0,012130099	-2,166
ENSG00000105894	PTN	P coding	-0,50	-1,41	1,33	-3,18	0,001539057	0,012130099	-2,166
ENSG00000154079	SDHAF4	P coding	0,27	1,20	2,82	3,18	0,001539264	0,012130099	-2,166
ENSG00000258429	PDF	P coding	0,29	1,22	4,09	3,18	0,00154246	0,012151907	-2,168
ENSG00000215914	MMP23A	unPP	-0,20	-1,15	0,55	-3,18	0,00154299	0,012152711	-2,168
ENSG00000179363	TMEM31	P coding	-0,14	-1,10	0,42	-3,18	0,001544548	0,012160003	-2,169

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000166164	BRD7	P coding	0,25	1,19	5,02	3,18	0,001544774	0,012160003	-2,169
ENSG00000167978	SRRM2	P coding	0,35	1,27	8,40	3,18	0,001550847	0,012204418	-2,173
ENSG00000090861	AARS1	P coding	0,42	1,34	6,55	3,18	0,001551378	0,012205208	-2,173
ENSG00000155666	KDM8	P coding	0,33	1,26	2,72	3,18	0,00155535	0,012233064	-2,176
ENSG00000251471	AC016933.1	lncRNA	0,20	1,15	1,14	3,18	0,001558237	0,012252369	-2,177
ENSG00000170522	ELOVL6	P coding	0,69	1,61	2,42	3,18	0,001560287	0,012265085	-2,179
ENSG00000133169	BEX1	P coding	0,41	1,33	0,62	3,18	0,001561021	0,012265607	-2,179
ENSG00000196747	H2AC13	P coding	0,64	1,56	1,93	3,18	0,001561219	0,012265607	-2,179
ENSG00000267314	AC104532.1	P coding	-0,25	-1,19	1,06	-3,18	0,001563125	0,012277177	-2,180
ENSG00000226025	AC005515.1	TUP	0,65	1,57	1,53	3,18	0,001566496	0,012300248	-2,182
ENSG00000236794	BCRP8	PP	0,18	1,14	0,39	3,18	0,001567427	0,012304153	-2,183
ENSG00000255202	AL049629.1	lncRNA	0,25	1,19	0,40	3,18	0,001568701	0,012307337	-2,183
ENSG00000165646	SLC18A2	P coding	0,19	1,14	1,64	3,18	0,001570291	0,012316403	-2,184
ENSG00000100478	AP4S1	P coding	0,26	1,20	2,50	3,17	0,001572301	0,012327806	-2,186
ENSG00000242444	AC007207.1	TPP	0,60	1,52	0,76	3,17	0,001572615	0,012327806	-2,186
ENSG00000198682	PAPSS2	P coding	0,50	1,42	2,47	3,17	0,001574112	0,012336126	-2,187
ENSG00000244038	DDOST	P coding	0,25	1,19	8,47	3,17	0,001574761	0,012337806	-2,187
ENSG00000169926	KLF13	P coding	-0,33	-1,26	7,59	-3,17	0,001576896	0,012351118	-2,188
ENSG00000171792	RHNO1	P coding	0,29	1,23	3,88	3,17	0,001577701	0,012354006	-2,189
ENSG00000087085	ACHE	P coding	0,50	1,42	0,72	3,17	0,001582162	0,012382607	-2,191
ENSG00000252228	AL669914.1	snoRNA	0,35	1,28	1,71	3,17	0,001582227	0,012382607	-2,191
ENSG00000145337	PYURF	P coding	0,28	1,22	5,59	3,17	0,001584494	0,01239693	-2,193
ENSG00000101574	METTL4	P coding	0,31	1,24	3,83	3,17	0,001586647	0,012410347	-2,194
ENSG00000115159	GPD2	P coding	0,33	1,25	3,50	3,17	0,001588016	0,012417631	-2,195
ENSG00000137815	RTF1	P coding	-0,22	-1,16	5,05	-3,17	0,001591697	0,012432958	-2,197
ENSG00000114023	FAM162A	P coding	-0,28	-1,22	5,77	-3,17	0,001591756	0,012432958	-2,197
ENSG00000158710	TAGLN2	P coding	0,63	1,55	6,53	3,17	0,001591775	0,012432958	-2,197
ENSG00000137941	TTL7	P coding	0,45	1,37	4,24	3,17	0,001591917	0,012432958	-2,197
ENSG00000177788	AL162595.1	lncRNA	0,46	1,37	1,14	3,17	0,001592319	0,012432958	-2,197
ENSG00000159307	SCUBE1	P coding	0,65	1,57	2,05	3,17	0,001592608	0,012432958	-2,197
ENSG00000066279	ASPM	P coding	0,41	1,32	1,53	3,17	0,001593697	0,012438031	-2,198
ENSG00000143919	CAMKMT	P coding	0,24	1,18	3,16	3,17	0,001594678	0,012439985	-2,199
ENSG00000163882	POLR2H	P coding	-0,21	-1,16	6,05	-3,17	0,001594825	0,012439985	-2,199
ENSG00000170890	PLA2G1B	P coding	0,20	1,15	0,42	3,17	0,001595673	0,012443174	-2,199
ENSG00000261487	AC135048.1	lncRNA	-0,26	-1,20	2,04	-3,17	0,001596617	0,012447115	-2,200
ENSG00000259782	AC008915.2	lncRNA	0,18	1,13	1,46	3,17	0,001601672	0,012479657	-2,203
ENSG00000166479	TMX3	P coding	0,28	1,21	5,51	3,17	0,001607516	0,012521752	-2,206
ENSG00000160932	LY6E	P coding	0,94	1,91	6,14	3,17	0,001612222	0,012554957	-2,209
ENSG00000239617	AC073610.1	PP	0,33	1,25	1,54	3,17	0,001615739	0,01257889	-2,211
ENSG00000119917	IFIT3	P coding	0,81	1,75	2,93	3,17	0,001619991	0,012608529	-2,213
ENSG00000171044	XKR6	P coding	0,38	1,30	3,44	3,16	0,001625432	0,012647401	-2,216
ENSG00000160447	PKN3	P coding	-0,29	-1,22	1,19	-3,16	0,001636775	0,012732167	-2,222
ENSG00000157106	SMG1	P coding	0,31	1,24	5,76	3,16	0,001641702	0,012763069	-2,225
ENSG00000226167	AP4B1-AS1	lncRNA	0,21	1,16	1,37	3,16	0,001642332	0,012763069	-2,226
ENSG00000046604	DSG2	P coding	0,78	1,72	1,43	3,16	0,001642548	0,012763069	-2,226
ENSG00000155970	MICU3	P coding	0,44	1,35	0,71	3,16	0,001644688	0,012775799	-2,227
ENSG00000117691	NENF	P coding	0,35	1,27	6,28	3,16	0,001645088	0,012775799	-2,227
ENSG00000258593	AL583810.1	lncRNA	0,11	1,08	0,63	3,16	0,001648892	0,012798545	-2,229

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000198521	ZNF43	P coding	0,30	1,24	1,48	3,16	0,00164892	0,012798545	-2,229
ENSG00000157514	TSC22D3	P coding	0,46	1,37	10,54	3,16	0,001653008	0,012826763	-2,231
ENSG00000249894	AC024581.1	lncRNA	0,26	1,20	0,79	3,16	0,00165412	0,012831882	-2,232
ENSG00000166997	CNPY4	P coding	0,33	1,25	2,88	3,16	0,001655068	0,01283572	-2,233
ENSG00000224536	AC096677.1	lncRNA	0,35	1,28	2,90	3,16	0,001655885	0,012838545	-2,233
ENSG00000171863	RPS7	P coding	-0,21	-1,16	10,40	-3,16	0,001659212	0,012857305	-2,235
ENSG00000226266	AC009961.1	lncRNA	0,25	1,19	2,21	3,16	0,001666818	0,012909187	-2,239
ENSG00000202538	RNU4-2	snRNA	0,61	1,53	5,81	3,16	0,00166733	0,012909623	-2,239
ENSG00000101162	TUBB1	P coding	0,21	1,16	0,96	3,16	0,001668203	0,012912854	-2,240
ENSG00000164037	SLC9B1	P coding	0,19	1,14	1,73	3,16	0,001669226	0,012915248	-2,240
ENSG00000102038	SMARCA1	P coding	0,44	1,35	0,45	3,16	0,001670577	0,012920651	-2,241
ENSG00000101310	SEC23B	P coding	0,31	1,24	6,04	3,16	0,00167124	0,012922254	-2,242
ENSG00000130939	UBE4B	P coding	0,20	1,15	4,80	3,16	0,001675308	0,012950171	-2,244
ENSG00000228175	GEMIN8P4	PP	0,25	1,19	1,14	3,16	0,001677674	0,012964927	-2,245
ENSG00000230613	HM13-AS1	lncRNA	0,29	1,23	1,91	3,16	0,001678693	0,012969263	-2,246
ENSG00000185495	AC138393.1	TUP	0,43	1,35	3,03	3,15	0,001681218	0,01298523	-2,247
ENSG00000140398	NEIL1	P coding	-0,45	-1,37	5,45	-3,15	0,001685769	0,013016834	-2,249
ENSG00000114021	NIT2	P coding	-0,23	-1,18	5,69	-3,15	0,001688286	0,013032725	-2,251
ENSG00000167699	GLOD4	P coding	0,24	1,18	4,92	3,15	0,001692218	0,013059517	-2,253
ENSG00000198732	SMOC1	P coding	-0,65	-1,57	5,02	-3,15	0,001695501	0,013081297	-2,255
ENSG00000253180	AC104986.1	PP	0,16	1,12	0,33	3,15	0,001700953	0,013119789	-2,258
ENSG00000100060	MFNG	P coding	-0,65	-1,57	5,30	-3,15	0,001702084	0,013124941	-2,258
ENSG00000125841	NRSN2	P coding	0,44	1,35	2,55	3,15	0,001703346	0,013125081	-2,259
ENSG00000164068	RNF123	P coding	-0,23	-1,18	4,66	-3,15	0,001703788	0,013125081	-2,259
ENSG00000136108	CKAP2	P coding	-0,33	-1,25	3,38	-3,15	0,001703955	0,013125081	-2,259
ENSG00000130741	EIF253	P coding	-0,22	-1,16	6,65	-3,15	0,001706155	0,013131323	-2,260
ENSG00000201371	AC016597.1	misc_rRNA	0,20	1,15	0,13	3,15	0,001707748	0,013137145	-2,261
ENSG00000250017	AC117529.1	PP	0,23	1,17	1,64	3,15	0,001707933	0,013137145	-2,261
ENSG00000253328	SUMO2P19	unPP	0,34	1,26	1,00	3,15	0,001708302	0,013137145	-2,262
ENSG00000198650	TAT	P coding	0,23	1,18	0,54	3,15	0,001709112	0,013139809	-2,262
ENSG00000137509	PRCP	P coding	-0,32	-1,25	6,63	-3,15	0,001710911	0,013150079	-2,263
ENSG00000166682	TMPRSS5	P coding	-0,28	-1,22	2,00	-3,15	0,001712494	0,013157816	-2,264
ENSG00000213930	GALT	P coding	-0,31	-1,24	5,53	-3,15	0,001712846	0,013157816	-2,264
ENSG00000014641	MDH1	P coding	0,27	1,21	7,01	3,15	0,001714012	0,013163202	-2,265
ENSG00000186854	TRABD2A	P coding	-0,66	-1,58	2,96	-3,15	0,001715742	0,01317292	-2,266
ENSG00000206142	FAM230H	lncRNA	0,29	1,23	0,43	3,15	0,001716855	0,0131779	-2,266
ENSG00000111215	PRR4	P coding	0,22	1,16	4,18	3,15	0,001718406	0,013186228	-2,267
ENSG00000067334	DNTTIP2	P coding	0,26	1,20	5,13	3,15	0,001720745	0,013200603	-2,268
ENSG00000186583	SPATC1	P coding	-0,32	-1,25	0,74	-3,15	0,001726046	0,013233799	-2,271
ENSG00000248290	TNXA	unPP	0,24	1,18	0,34	3,15	0,001726472	0,013233799	-2,271
ENSG00000160753	RUSC1	P coding	0,34	1,26	3,32	3,15	0,001730331	0,013256208	-2,273
ENSG00000000457	SCYL3	P coding	0,28	1,21	3,11	3,15	0,001730371	0,013256208	-2,273
ENSG00000005022	SLC25A5	P coding	-0,24	-1,18	7,91	-3,15	0,001730799	0,013256208	-2,274
ENSG00000158773	USF1	P coding	0,28	1,21	7,59	3,15	0,001732196	0,013263321	-2,274
ENSG00000069275	NUCKS1	P coding	0,38	1,30	4,81	3,15	0,001736427	0,013288542	-2,277
ENSG00000117519	CNN3	P coding	0,76	1,70	2,55	3,15	0,001737584	0,013293807	-2,277
ENSG00000143228	NUF2	P coding	0,51	1,43	2,62	3,14	0,001738872	0,013300069	-2,278
ENSG00000159212	CLIC6	P coding	0,28	1,22	0,36	3,14	0,001739569	0,013301812	-2,278

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000132781	MUTYH	P coding	0,28	1,21	4,56	3,14	0,001741969	0,013316571	-2,280
ENSG00000153790	C7orf31	P coding	-0,26	-1,19	3,42	-3,14	0,001742588	0,013317141	-2,280
ENSG00000166747	AP1G1	P coding	0,32	1,25	4,83	3,14	0,001742983	0,013317141	-2,280
ENSG00000116906	GNPAT	P coding	0,23	1,18	5,13	3,14	0,001750151	0,013361705	-2,284
ENSG00000188396	TCTEX1D4	P coding	0,19	1,14	0,49	3,14	0,00175023	0,013361705	-2,284
ENSG00000231588	SHQ1P1	PP	0,21	1,15	0,66	3,14	0,001752331	0,013374146	-2,285
ENSG00000203814	H2BC18	P coding	0,57	1,49	3,55	3,14	0,001760103	0,01342985	-2,289
ENSG00000266378	AC005224.2	lncRNA	0,11	1,08	0,63	3,14	0,001762044	0,013441039	-2,290
ENSG00000252339	RNU6-1061P	snRNA	0,44	1,35	0,61	3,14	0,001771284	0,013507888	-2,295
ENSG00000206951	AL133244.1	misc_RNA	0,51	1,43	0,89	3,14	0,001780694	0,013575995	-2,300
ENSG00000166619	BLCAP	P coding	0,23	1,17	5,12	3,14	0,001781373	0,01357752	-2,300
ENSG00000126088	UROD	P coding	0,21	1,16	5,95	3,14	0,001782228	0,013578855	-2,300
ENSG00000228779	Z69666.1	lncRNA	0,13	1,10	0,59	3,14	0,001782506	0,013578855	-2,301
ENSG00000174851	YIF1A	P coding	-0,23	-1,17	6,81	-3,14	0,001788279	0,013619172	-2,304
ENSG00000129595	EPB41L4A	P coding	-0,37	-1,29	4,24	-3,14	0,001792769	0,013649696	-2,306
ENSG00000179029	TMEM107	P coding	0,43	1,35	4,62	3,13	0,001801965	0,013716034	-2,311
ENSG00000116191	RALGPS2	P coding	0,44	1,35	6,34	3,13	0,001803809	0,01372638	-2,311
ENSG00000230175	AL451074.4	PP	0,17	1,12	0,39	3,13	0,001810318	0,013771769	-2,315
ENSG00000198795	ZNF521	P coding	0,29	1,22	0,39	3,13	0,001810745	0,013771769	-2,315
ENSG00000188603	CLN3	P coding	0,25	1,19	5,19	3,13	0,001812338	0,013780188	-2,316
ENSG00000214772	AC010168.1	lncRNA	0,15	1,11	0,67	3,13	0,001813652	0,013783645	-2,316
ENSG00000151466	SCLT1	P coding	0,23	1,17	3,06	3,13	0,001813766	0,013783645	-2,317
ENSG00000143774	GUK1	P coding	0,23	1,17	8,21	3,13	0,001815408	0,013788015	-2,317
ENSG00000117281	CD160	P coding	0,25	1,19	1,37	3,13	0,001815519	0,013788015	-2,317
ENSG00000204623	ZNRD1ASP	TUnP	0,30	1,23	2,27	3,13	0,0018158	0,013788015	-2,318
ENSG00000130383	FUT5	P coding	-0,24	-1,18	0,77	-3,13	0,001825228	0,013852186	-2,322
ENSG00000207293	AC034244.1	misc_RNA	0,49	1,40	0,87	3,13	0,001826348	0,013856972	-2,323
ENSG00000229536	LINC02572	lncRNA	0,16	1,12	0,22	3,13	0,001830311	0,01388333	-2,325
ENSG00000203667	COX20	P coding	0,30	1,23	5,95	3,13	0,001837248	0,013932217	-2,328
ENSG00000163399	ATP1A1	P coding	0,28	1,22	5,85	3,13	0,001847354	0,014002504	-2,333
ENSG00000226823	SUGT1P1	unPP	-0,33	-1,25	1,11	-3,13	0,001847505	0,014002504	-2,333
ENSG00000244294	RN7SL740P	misc_RNA	0,23	1,17	1,18	3,13	0,001850136	0,014018697	-2,335
ENSG00000103876	FAH	P coding	-0,28	-1,21	4,40	-3,13	0,001853375	0,014039492	-2,336
ENSG00000112038	OPRM1	P coding	0,12	1,09	0,81	3,13	0,001854919	0,014047428	-2,337
ENSG00000165389	SPTSSA	P coding	0,25	1,19	4,52	3,13	0,001856076	0,01405244	-2,338
ENSG00000093072	ADA2	P coding	-0,54	-1,45	7,41	-3,13	0,001857293	0,014057901	-2,338
ENSG00000235194	PPP1R3E	P coding	0,35	1,28	4,46	3,12	0,001862515	0,014093662	-2,341
ENSG00000230896	AL604028.1	lncRNA	0,20	1,15	1,80	3,12	0,001865534	0,014112736	-2,342
ENSG00000227467	LINC01537	lncRNA	0,12	1,09	0,97	3,12	0,001870357	0,014145449	-2,345
ENSG00000198838	RYR3	P coding	-0,29	-1,23	2,81	-3,12	0,001876866	0,014190893	-2,348
ENSG00000133935	ERG28	P coding	0,26	1,20	3,83	3,12	0,00187821	0,014197267	-2,348
ENSG00000171824	EXOSC10	P coding	0,21	1,15	5,36	3,12	0,001884577	0,014241591	-2,352
ENSG00000224680	PLA2G12AP1	PP	0,14	1,10	0,53	3,12	0,001895999	0,014324089	-2,357
ENSG00000182568	SATB1	P coding	0,70	1,62	3,61	3,12	0,001902212	0,0143672	-2,360
ENSG00000112079	STK38	P coding	0,32	1,25	3,96	3,12	0,001903013	0,014369423	-2,360
ENSG00000234171	RNASEH1-AS1	lncRNA	0,27	1,21	2,31	3,12	0,001903856	0,014371958	-2,361
ENSG00000162840	MT2P1	PP	0,53	1,45	1,18	3,12	0,001904486	0,014372885	-2,361
ENSG00000222375	RN7SKP127	misc_RNA	0,39	1,31	1,25	3,12	0,001906784	0,014382568	-2,362

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000173890	GPR160	P coding	-0,43	-1,35	6,89	-3,12	0,001908396	0,014389053	-2,363
ENSG00000201451	AL772161.1	misc_RNA	0,53	1,44	1,10	3,12	0,001911079	0,014403468	-2,364
ENSG00000146828	SLC12A9	P coding	-0,26	-1,20	4,93	-3,12	0,001912055	0,014405877	-2,365
ENSG00000047365	ARAP2	P coding	0,52	1,43	2,30	3,12	0,001912415	0,014405877	-2,365
ENSG00000130803	ZNF317	P coding	-0,21	-1,16	4,22	-3,12	0,001914862	0,014420478	-2,366
ENSG00000251186	AC105345.2	lncRNA	0,15	1,11	0,70	3,12	0,001915699	0,014422951	-2,367
ENSG00000272509	AC087752.4	lncRNA	0,32	1,25	2,54	3,12	0,00191901	0,01444404	-2,368
ENSG00000213928	IRF9	P coding	0,31	1,24	7,08	3,12	0,0019206	0,014452168	-2,369
ENSG00000166250	CLMP	P coding	0,16	1,11	0,74	3,11	0,001923308	0,014468704	-2,370
ENSG00000230215	LINC01840	lncRNA	0,16	1,12	0,90	3,11	0,001924374	0,014472882	-2,371
ENSG00000151164	RAD9B	P coding	0,20	1,15	1,40	3,11	0,001926872	0,014487829	-2,372
ENSG00000227060	LINC00629	lncRNA	0,17	1,13	0,19	3,11	0,001928031	0,014492699	-2,372
ENSG00000265799	AC090844.3	lncRNA	0,18	1,14	0,76	3,11	0,001931237	0,014512419	-2,374
ENSG00000266420	RN75L118P	misc_RNA	0,21	1,16	1,01	3,11	0,001931678	0,014512419	-2,374
ENSG00000105983	LMBR1	P coding	0,23	1,17	4,26	3,11	0,001933045	0,014518837	-2,375
ENSG00000161681	SHANK1	P coding	0,15	1,11	0,55	3,11	0,001934694	0,014524273	-2,376
ENSG00000187753	C9orf153	P coding	0,18	1,13	0,76	3,11	0,001934937	0,014524273	-2,376
ENSG00000172803	SNX32	P coding	-0,27	-1,21	1,52	-3,11	0,001935329	0,014524273	-2,376
ENSG00000100823	APEX1	P coding	0,23	1,17	6,47	3,11	0,001937333	0,014530166	-2,377
ENSG00000074071	MRPS34	P coding	0,26	1,20	6,38	3,11	0,001937629	0,014530166	-2,377
ENSG00000119711	ALDH6A1	P coding	0,36	1,29	3,28	3,11	0,001940719	0,014549492	-2,378
ENSG00000271819	RNU6-94P	snRNA	0,60	1,51	3,66	3,11	0,001949516	0,014611577	-2,383
ENSG00000199172	MIR331	miRNA	0,40	1,32	0,54	3,11	0,001951894	0,014625535	-2,384
ENSG00000166822	TMEM170A	P coding	0,25	1,19	3,97	3,11	0,001952854	0,014628855	-2,384
ENSG00000112992	NNT	P coding	-0,24	-1,18	5,17	-3,11	0,00196055	0,014678747	-2,388
ENSG00000180884	ZNF792	P coding	-0,23	-1,17	1,12	-3,11	0,001963508	0,014697019	-2,389
ENSG00000128928	IVD	P coding	-0,29	-1,23	5,77	-3,11	0,001964745	0,014702395	-2,390
ENSG00000061918	GUCY1B1	P coding	0,20	1,15	0,40	3,11	0,00196948	0,014726159	-2,392
ENSG00000122482	ZNF644	P coding	0,24	1,19	3,84	3,11	0,001972084	0,014741746	-2,393
ENSG00000261801	LOXL1-AS1	lncRNA	0,23	1,17	0,76	3,11	0,001973298	0,014742793	-2,394
ENSG00000270030	AC136475.7	lncRNA	0,26	1,20	0,89	3,11	0,001973624	0,014742793	-2,394
ENSG00000165259	HDX	P coding	0,31	1,24	1,21	3,11	0,001973785	0,014742793	-2,394
ENSG00000218631	AL117344.1	PP	0,29	1,23	1,45	3,11	0,001975383	0,014750842	-2,395
ENSG00000069431	ABCC9	P coding	0,21	1,15	1,70	3,11	0,001978721	0,014771883	-2,396
ENSG00000199032	MIR425	miRNA	0,65	1,57	2,24	3,11	0,001979349	0,01477268	-2,396
ENSG00000232901	CYCSP10	PP	0,27	1,20	0,95	3,11	0,001981496	0,01478481	-2,397
ENSG00000186635	ARAP1	P coding	-0,25	-1,19	6,04	-3,11	0,001982844	0,014790972	-2,398
ENSG00000061455	PRDM6	P coding	-0,14	-1,10	0,36	-3,11	0,001983589	0,014792637	-2,398
ENSG00000255234	AP000446.1	lncRNA	0,29	1,22	2,17	3,11	0,001985829	0,014805449	-2,399
ENSG00000134262	AP4B1	P coding	0,31	1,24	4,43	3,10	0,001990564	0,014832947	-2,402
ENSG00000207327	RNU6-883P	snRNA	0,34	1,27	0,32	3,10	0,00199358	0,014851515	-2,403
ENSG00000105583	WDR83OS	P coding	-0,16	-1,12	7,58	-3,10	0,001995044	0,014855754	-2,404
ENSG00000254777	AC022182.1	lncRNA	0,40	1,32	1,98	3,10	0,001995197	0,014855754	-2,404
ENSG00000227745	AC098826.2	unPP	0,46	1,38	1,11	3,10	0,001996832	0,014864025	-2,404
ENSG00000133317	LGALS12	P coding	0,22	1,16	0,26	3,10	0,001998335	0,014871306	-2,405
ENSG00000237641	AC073476.1	PP	-0,26	-1,19	1,79	-3,10	0,00200166	0,014886559	-2,407
ENSG00000235217	TSPY26P	TPP	0,23	1,18	0,94	3,10	0,00200196	0,014886559	-2,407
ENSG00000132604	TERF2	P coding	0,23	1,17	3,87	3,10	0,002005207	0,014906792	-2,408

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000197085	NPSR1-AS1	lncRNA	0,25	1,19	0,34	3,10	0,00200743	0,014919407	-2,409
ENSG00000265033	RN7SL262P	misc_RNA	0,27	1,21	0,97	3,10	0,002009884	0,014933726	-2,410
ENSG00000166770	ZNF667-AS1	lncRNA	0,47	1,38	0,72	3,10	0,002012762	0,014949357	-2,412
ENSG00000233493	TMEM238	P coding	0,33	1,26	4,74	3,10	0,002013042	0,014949357	-2,412
ENSG00000266228	MIR3611	miRNA	0,23	1,17	0,18	3,10	0,002016648	0,014972209	-2,414
ENSG00000182054	IDH2	P coding	-0,33	-1,26	7,41	-3,10	0,00201887	0,014984785	-2,415
ENSG00000158796	DEDD	P coding	0,25	1,19	4,92	3,10	0,002028792	0,015053001	-2,419
ENSG00000250091	DNAH100S	lncRNA	0,15	1,11	0,61	3,10	0,002029123	0,015053001	-2,419
ENSG00000164011	ZNF691	P coding	0,33	1,26	2,89	3,10	0,002032025	0,015070588	-2,420
ENSG00000257529	RPL36A-HNRNPH2	P coding	-0,29	-1,22	1,47	-3,10	0,002036688	0,015099124	-2,423
ENSG00000011590	ZBTB32	P coding	0,39	1,31	1,42	3,10	0,002036938	0,015099124	-2,423
ENSG00000011451	WIZ	P coding	-0,21	-1,16	4,51	-3,10	0,002038599	0,015107482	-2,423
ENSG00000260719	AC009133.3	lncRNA	0,45	1,37	2,88	3,10	0,002039575	0,015110768	-2,424
ENSG00000253327	RAD21-AS1	lncRNA	0,16	1,12	1,19	3,10	0,002040362	0,015112647	-2,424
ENSG00000207606	MIR554	miRNA	0,53	1,44	1,07	3,10	0,0020423	0,015123049	-2,425
ENSG00000261584	ALS13548.1	lncRNA	-0,38	-1,30	2,18	-3,10	0,002044694	0,015136822	-2,426
ENSG00000215845	TSTD1	P coding	0,31	1,24	7,07	3,10	0,002047902	0,015156613	-2,428
ENSG00000261270	AC012181.2	lncRNA	0,38	1,30	5,19	3,10	0,002050222	0,015167403	-2,429
ENSG00000102893	PHKB	P coding	0,29	1,22	5,18	3,10	0,00205043	0,015167403	-2,429
ENSG00000162946	DISC1	P coding	0,29	1,22	2,00	3,10	0,002053759	0,015188067	-2,430
ENSG00000245017	LINC02453	lncRNA	0,23	1,18	1,00	3,09	0,002056954	0,015207722	-2,432
ENSG00000176715	ACSF3	P coding	0,29	1,23	4,81	3,09	0,002058062	0,015209707	-2,432
ENSG00000153930	ANKFN1	P coding	-0,26	-1,20	0,77	-3,09	0,002058707	0,015209707	-2,432
ENSG00000271963	AC026786.2	lncRNA	0,16	1,12	0,46	3,09	0,002059203	0,015209707	-2,433
ENSG00000183864	TOB2	P coding	0,26	1,20	3,26	3,09	0,002059368	0,015209707	-2,433
ENSG00000117262	GPR89A	P coding	0,25	1,19	5,12	3,09	0,002063624	0,015233645	-2,435
ENSG00000140948	ZCCHC14	P coding	0,29	1,23	2,58	3,09	0,002063684	0,015233645	-2,435
ENSG00000144161	ZC3H8	P coding	-0,25	-1,19	3,79	-3,09	0,002068808	0,015266441	-2,437
ENSG00000069011	PITX1	P coding	-0,59	-1,51	1,09	-3,09	0,002069204	0,015266441	-2,437
ENSG00000136929	HEMGN	P coding	0,39	1,31	0,81	3,09	0,002071272	0,015277718	-2,438
ENSG00000245954	LINC02273	lncRNA	-0,48	-1,39	1,68	-3,09	0,002074505	0,015297585	-2,439
ENSG00000197520	FAM177B	P coding	0,29	1,23	0,67	3,09	0,002075345	0,015299799	-2,440
ENSG00000241135	LINC00881	lncRNA	0,24	1,18	0,92	3,09	0,002079203	0,015324256	-2,441
ENSG00000248554	C5orf34-AS1	lncRNA	0,23	1,17	1,43	3,09	0,002086063	0,015367875	-2,444
ENSG00000162148	PPP1R32	P coding	-0,29	-1,23	3,41	-3,09	0,002086206	0,015367875	-2,445
ENSG00000227992	AC108463.1	PP	0,40	1,32	1,11	3,09	0,002087096	0,01537044	-2,445
ENSG00000102007	PLP2	P coding	0,34	1,27	7,70	3,09	0,002089165	0,015380577	-2,446
ENSG00000230313	HCG24	lncRNA	0,13	1,09	0,60	3,09	0,002089558	0,015380577	-2,446
ENSG00000226548	AC016722.1	lncRNA	0,14	1,10	0,91	3,09	0,002091268	0,015389167	-2,447
ENSG00000179967	PPP1R14BP3	PP	0,29	1,22	0,84	3,09	0,002094797	0,01541114	-2,448
ENSG00000227165	WDR11-AS1	lncRNA	0,30	1,23	1,26	3,09	0,002095673	0,01541321	-2,449
ENSG00000157540	DYRK1A	P coding	0,26	1,19	5,41	3,09	0,002096256	0,01541321	-2,449
ENSG00000118971	CCND2	P coding	1,45	2,73	3,48	3,09	0,00209671	0,01541321	-2,449
ENSG00000237331	XIAP-AS1	lncRNA	0,16	1,12	0,66	3,09	0,00209763	0,015415978	-2,450
ENSG00000232265	LINC02805	lncRNA	0,17	1,13	2,08	3,09	0,002098624	0,015419284	-2,450
ENSG00000265908	AC024267.6	lncRNA	0,20	1,15	1,08	3,09	0,002101401	0,015435685	-2,451
ENSG00000233783	AP001442.1	lncRNA	0,17	1,13	1,07	3,09	0,002102257	0,015437977	-2,452
ENSG00000249781	LINC02112	lncRNA	0,19	1,14	0,63	3,09	0,002110172	0,015484386	-2,455

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000184863	RBM33	P coding	-0,39	-1,31	5,62	-3,09	0,002110216	0,015484386	-2,455
ENSG00000242125	SNHG3	lncRNA	0,35	1,27	5,65	3,09	0,002111859	0,015492428	-2,456
ENSG00000179456	ZBTB18	P coding	0,44	1,35	2,36	3,09	0,002113114	0,015497626	-2,456
ENSG00000245281	AC124242.1	lncRNA	0,28	1,22	1,57	3,09	0,002116048	0,01551513	-2,457
ENSG00000233251	AC007743.1	lncRNA	0,27	1,21	2,80	3,09	0,002118206	0,015526542	-2,458
ENSG00000135766	EGLN1	P coding	0,27	1,21	4,45	3,09	0,0021187	0,015526542	-2,459
ENSG00000230184	SMYD3-IT1	lncRNA	0,28	1,21	1,55	3,09	0,002120157	0,015533204	-2,459
ENSG00000232640	AL354892.2	lncRNA	0,36	1,29	2,30	3,09	0,002121873	0,01554176	-2,460
ENSG00000229257	AL807752.2	lncRNA	0,30	1,23	1,03	3,08	0,002124861	0,015559625	-2,461
ENSG00000237409	AL513302.1	PP	0,18	1,13	0,54	3,08	0,002132189	0,01560925	-2,464
ENSG00000251192	ZNF674	P coding	0,19	1,14	2,22	3,08	0,002138466	0,015651163	-2,467
ENSG00000257176	AC009318.1	lncRNA	0,27	1,20	1,62	3,08	0,002141389	0,015664581	-2,468
ENSG00000261123	AC009065.6	lncRNA	0,15	1,11	0,70	3,08	0,002141405	0,015664581	-2,468
ENSG00000138085	ATRAID	P coding	0,26	1,20	7,95	3,08	0,002142077	0,015665457	-2,469
ENSG00000272630	AL731563.4	lncRNA	0,12	1,08	0,81	3,08	0,002142874	0,015667245	-2,469
ENSG00000170915	PAQR8	P coding	0,27	1,20	0,71	3,08	0,002148482	0,015704193	-2,471
ENSG00000263904	AC015563.2	lncRNA	0,16	1,12	0,51	3,08	0,00214924	0,015705688	-2,472
ENSG00000169330	MINAR1	P coding	-0,25	-1,19	1,85	-3,08	0,002150279	0,015709226	-2,472
ENSG00000149541	B3GAT3	P coding	-0,21	-1,15	5,99	-3,08	0,002152655	0,015722533	-2,473
ENSG00000239482	AC112487.1	lncRNA	0,45	1,37	2,94	3,08	0,002153308	0,015723251	-2,473
ENSG00000188511	C22orf34	lncRNA	0,35	1,27	2,85	3,08	0,002155117	0,015728362	-2,474
ENSG00000223705	NSUN5P1	TUP	-0,36	-1,28	6,11	-3,08	0,002157808	0,015743941	-2,475
ENSG00000067533	RRP15	P coding	0,31	1,24	3,15	3,08	0,002159438	0,015751781	-2,476
ENSG00000166913	YWHA8	P coding	0,22	1,16	6,76	3,08	0,002161806	0,015765	-2,477
ENSG00000125744	RTN2	P coding	-0,52	-1,44	2,39	-3,08	0,002168622	0,01581064	-2,480
ENSG00000253528	AC087752.2	PP	0,29	1,22	0,96	3,08	0,002175426	0,015849146	-2,483
ENSG00000050748	MAPK9	P coding	-0,21	-1,16	4,81	-3,08	0,002175581	0,015849146	-2,483
ENSG00000105341	DMAC2	P coding	-0,22	-1,16	4,86	-3,08	0,002180092	0,015877923	-2,485
ENSG00000089639	GMIP	P coding	-0,27	-1,21	4,05	-3,08	0,002181354	0,015883034	-2,485
ENSG00000102882	MAPK3	P coding	0,31	1,24	4,78	3,08	0,002184461	0,015901578	-2,487
ENSG00000162384	CZIB	P coding	0,26	1,20	4,78	3,08	0,00218637	0,015910243	-2,487
ENSG00000144406	UNC80	P coding	0,21	1,15	2,44	3,08	0,002187078	0,015910243	-2,488
ENSG00000231760	AL355312.2	lncRNA	0,19	1,14	1,71	3,08	0,002187608	0,015910243	-2,488
ENSG00000196218	RYR1	P coding	0,38	1,30	0,52	3,08	0,002188339	0,015910243	-2,488
ENSG00000235241	BX284668.4	PP	0,38	1,30	0,88	3,08	0,002188458	0,015910243	-2,488
ENSG00000120805	ARL1	P coding	0,27	1,20	6,31	3,08	0,002189515	0,015913843	-2,489
ENSG00000157045	NTAN1	P coding	0,38	1,30	5,40	3,08	0,00219047	0,015916703	-2,489
ENSG00000149499	EML3	P coding	-0,23	-1,17	5,94	-3,07	0,002197653	0,01596213	-2,492
ENSG00000258568	RHOQP1	PP	0,22	1,16	1,38	3,07	0,002197848	0,01596213	-2,492
ENSG00000213339	QTRT1	P coding	-0,23	-1,17	7,23	-3,07	0,00219989	0,015972872	-2,493
ENSG00000164989	CCDC171	P coding	-0,55	-1,47	1,79	-3,07	0,00220242	0,015987111	-2,494
ENSG00000165912	PACSIN3	P coding	0,47	1,38	2,08	3,07	0,00220298	0,015987111	-2,494
ENSG00000235024	AC097468.2	lncRNA	0,13	1,09	0,48	3,07	0,002204096	0,015991117	-2,495
ENSG00000101558	VAPA	P coding	0,21	1,16	6,70	3,07	0,002205882	0,015996729	-2,495
ENSG00000137177	KIF13A	P coding	0,33	1,26	1,09	3,07	0,002206549	0,015996729	-2,496
ENSG00000198700	IPO9	P coding	0,27	1,21	3,98	3,07	0,002206562	0,015996729	-2,496
ENSG00000225868	AC016582.1	TUP	0,18	1,13	0,76	3,07	0,002208817	0,016002785	-2,497
ENSG00000144354	CDCA7	P coding	0,29	1,22	0,44	3,07	0,002209656	0,016002785	-2,497

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000185013	NT5C1B	P coding	0,19	1,14	1,29	3,07	0,002211286	0,016010502	-2,498
ENSG00000249348	UGDH-AS1	lncRNA	0,26	1,20	4,39	3,07	0,002212547	0,016015544	-2,498
ENSG00000203811	H3C14	P coding	0,43	1,35	1,52	3,07	0,002225807	0,016105087	-2,504
ENSG00000224817	AC010789.1	lncRNA	0,18	1,13	0,31	3,07	0,002226054	0,016105087	-2,504
ENSG00000092096	SLC22A17	P coding	0,98	1,97	3,33	3,07	0,002227151	0,016108913	-2,504
ENSG00000258741	H2AZ2P1	TPP	0,22	1,17	0,79	3,07	0,002232467	0,016143029	-2,506
ENSG00000128641	MYO1B	P coding	0,54	1,45	2,16	3,07	0,002233007	0,016143029	-2,507
ENSG00000235724	AC009299.2	lncRNA	0,28	1,21	2,07	3,07	0,002234795	0,016150329	-2,507
ENSG00000213433	RPLP1P6	TPP	0,26	1,20	1,86	3,07	0,002240504	0,016184845	-2,510
ENSG00000233922	LINC01694	lncRNA	-0,57	-1,48	1,52	-3,07	0,00224438	0,016204585	-2,511
ENSG00000237190	CDKN2AIPNL	P coding	0,19	1,14	4,83	3,07	0,002245086	0,016205556	-2,512
ENSG00000124942	AHNAK	P coding	0,89	1,86	5,83	3,07	0,002248125	0,016221766	-2,513
ENSG00000166289	PLEKHF1	P coding	-0,49	-1,40	1,93	-3,07	0,002248477	0,016221766	-2,513
ENSG00000153714	LURAP1L	P coding	0,63	1,55	2,09	3,07	0,002249614	0,016225842	-2,513
ENSG00000138430	OLA1	P coding	-0,22	-1,16	5,80	-3,07	0,002252576	0,01624307	-2,515
ENSG00000183955	KMT5A	P coding	0,32	1,25	4,72	3,07	0,002256035	0,016263881	-2,516
ENSG00000103111	MON1B	P coding	0,32	1,25	4,72	3,07	0,002257295	0,016268822	-2,517
ENSG00000147251	DOCK11	P coding	0,52	1,43	2,51	3,07	0,002261026	0,016291569	-2,518
ENSG00000143429	LSP1P4	TUP	0,45	1,36	2,60	3,07	0,002261909	0,016291846	-2,518
ENSG00000218175	AC016739.1	PP	-0,40	-1,32	3,08	-3,07	0,002262214	0,016291846	-2,519
ENSG00000138336	TET1	P coding	0,26	1,20	1,33	3,07	0,002263291	0,016295468	-2,519
ENSG00000188738	FSIP2	P coding	0,31	1,24	3,32	3,07	0,002268267	0,016327145	-2,521
ENSG00000272384	AC016405.3	lncRNA	0,19	1,14	0,88	3,06	0,002270821	0,016341377	-2,522
ENSG00000122591	FAM126A	P coding	0,44	1,36	3,10	3,06	0,002272686	0,016346745	-2,523
ENSG00000244236	RN7SL604P	misc_RNA	0,26	1,20	1,60	3,06	0,00227272	0,016346745	-2,523
ENSG00000229337	AC079305.4	lncRNA	0,22	1,16	0,51	3,06	0,002277095	0,016369904	-2,524
ENSG00000253690	AC021678.2	lncRNA	0,33	1,26	1,52	3,06	0,002279903	0,016385933	-2,526
ENSG00000220139	AL022722.2	PP	-0,20	-1,15	0,24	-3,06	0,002288126	0,016439784	-2,529
ENSG00000228153	AL161793.1	lncRNA	0,18	1,13	0,33	3,06	0,002288555	0,016439784	-2,529
ENSG00000229298	TUBB8P1	PP	0,16	1,12	0,72	3,06	0,002293414	0,016470513	-2,531
ENSG00000143195	ILDR2	P coding	0,21	1,15	0,35	3,06	0,002295751	0,016483118	-2,532
ENSG00000149100	EIF3M	P coding	-0,23	-1,17	7,95	-3,06	0,002296944	0,01648751	-2,532
ENSG00000224309	ANKRD30BP2	TUP	0,30	1,23	0,69	3,06	0,002297584	0,016487926	-2,533
ENSG00000173212	MAB21L3	P coding	0,26	1,20	1,49	3,06	0,002299755	0,016499328	-2,534
ENSG00000234520	AC018464.1	lncRNA	0,28	1,21	2,08	3,06	0,002300518	0,016500631	-2,534
ENSG00000117523	PRRC2C	P coding	0,27	1,20	6,25	3,06	0,002306986	0,016542833	-2,536
ENSG00000266933	AC005775.1	lncRNA	0,17	1,13	1,10	3,06	0,002309093	0,016553754	-2,537
ENSG00000183292	PRSS40A	TUP	0,15	1,11	0,67	3,06	0,002311183	0,016564551	-2,538
ENSG00000264968	AC090844.2	lncRNA	0,29	1,23	1,46	3,06	0,002312527	0,016569994	-2,539
ENSG00000143294	PRCC	P coding	0,26	1,20	5,81	3,06	0,002314666	0,016581131	-2,539
ENSG00000102879	CORO1A	P coding	0,50	1,41	7,31	3,06	0,002315321	0,016581629	-2,540
ENSG00000065518	NDUFB4	P coding	-0,18	-1,13	8,00	-3,06	0,002317164	0,016590635	-2,540
ENSG00000241058	NSUN6	P coding	0,27	1,21	3,35	3,06	0,002323588	0,016632434	-2,543
ENSG00000178035	IMPDH2	P coding	-0,22	-1,17	7,26	-3,06	0,002327857	0,01665119	-2,545
ENSG00000131142	CCL25	P coding	-0,40	-1,32	0,79	-3,06	0,002327971	0,01665119	-2,545
ENSG00000257345	LINC02413	lncRNA	-0,26	-1,20	0,83	-3,06	0,002329188	0,016655694	-2,545
ENSG00000259982	CDC37P1	PP	0,33	1,26	0,79	3,06	0,002330405	0,01666019	-2,546
ENSG00000265369	PCAT18	lncRNA	-0,33	-1,26	0,78	-3,06	0,002331951	0,01666536	-2,546

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000041802	LSG1	P coding	-0,26	-1,20	5,46	-3,06	0,002332304	0,01666536	-2,546
ENSG00000241014	AC114490.1	TUnP	0,23	1,17	1,42	3,06	0,002339871	0,016715218	-2,549
ENSG00000182220	ATP6AP2	P coding	0,23	1,17	5,50	3,06	0,002343477	0,016734524	-2,551
ENSG00000249275	AC093817.1	lncRNA	0,30	1,23	1,77	3,06	0,002343754	0,016734524	-2,551
ENSG00000265181	MIR4674	miRNA	0,17	1,13	0,10	3,05	0,002346014	0,016746442	-2,552
ENSG00000182601	HS3ST4	P coding	-0,43	-1,35	1,17	-3,05	0,00234814	0,016757398	-2,553
ENSG00000130779	CLIP1	P coding	0,30	1,23	4,64	3,05	0,002365583	0,016873379	-2,559
ENSG00000267342	AC087289.2	lncRNA	0,16	1,12	1,27	3,05	0,00236692	0,016878667	-2,560
ENSG00000121410	A1BG	P coding	-0,88	-1,84	4,55	-3,05	0,002371959	0,016910347	-2,562
ENSG00000110693	SOX6	P coding	0,22	1,17	1,82	3,05	0,002376968	0,016941796	-2,564
ENSG00000201433	RNU6-335P	snRNA	-0,47	-1,38	0,93	-3,05	0,002378662	0,016949611	-2,564
ENSG00000107816	LZTS2	P coding	0,30	1,23	3,32	3,05	0,002382019	0,016969266	-2,566
ENSG00000102900	NUP93	P coding	0,25	1,19	4,19	3,05	0,002387603	0,017002431	-2,568
ENSG00000252274	AC080037.1	scaRNA	0,51	1,42	1,53	3,05	0,002387874	0,017002431	-2,568
ENSG00000106211	HSPB1	P coding	0,58	1,49	7,59	3,05	0,002390502	0,017015653	-2,569
ENSG00000122026	RPL21	P coding	-0,29	-1,23	7,15	-3,05	0,002391365	0,017015653	-2,569
ENSG00000244617	ASPRV1	P coding	0,15	1,11	0,85	3,05	0,002391532	0,017015653	-2,569
ENSG00000253320	AZIN1-AS1	lncRNA	0,27	1,20	3,41	3,05	0,002393028	0,017017755	-2,570
ENSG00000139624	CERS5	P coding	0,19	1,14	4,89	3,05	0,002415399	0,017163926	-2,578
ENSG00000207490	RNU6-987P	snRNA	0,56	1,47	1,11	3,05	0,00241702	0,017171142	-2,579
ENSG00000188313	PLSCR1	P coding	0,45	1,37	4,75	3,05	0,002418279	0,017175778	-2,579
ENSG00000116521	SCAMP3	P coding	0,26	1,20	6,48	3,05	0,0024209	0,017190087	-2,580
ENSG00000146676	PURB	P coding	0,22	1,17	3,99	3,04	0,002423474	0,017204058	-2,581
ENSG00000243406	MRPS31P5	TUP	-0,25	-1,19	2,95	-3,04	0,002427276	0,017226731	-2,583
ENSG00000197756	RPL37A	P coding	-0,21	-1,15	12,05	-3,04	0,002428613	0,017231909	-2,583
ENSG00000250796	AC112484.2	PP	-0,25	-1,19	1,32	-3,04	0,002432368	0,01725423	-2,585
ENSG00000250855	AC139718.2	lncRNA	0,22	1,16	1,62	3,04	0,002437509	0,017286305	-2,587
ENSG00000183508	TENT5C	P coding	0,38	1,30	7,63	3,04	0,002438109	0,017286305	-2,587
ENSG00000187688	TRPV2	P coding	-0,40	-1,32	3,96	-3,04	0,002439146	0,017289332	-2,587
ENSG00000188092	GPR89B	P coding	0,26	1,19	4,26	3,04	0,002441723	0,017303267	-2,588
ENSG00000177294	FBXO39	P coding	0,27	1,21	0,54	3,04	0,002442622	0,017305314	-2,589
ENSG00000117593	DARS2	P coding	0,36	1,28	3,37	3,04	0,002448758	0,017336936	-2,591
ENSG00000239470	AC011979.1	PP	-0,14	-1,10	0,50	-3,04	0,00244892	0,017336936	-2,591
ENSG00000122218	COPA	P coding	0,25	1,19	6,47	3,04	0,002453924	0,017368025	-2,593
ENSG00000143382	ADAMTSL4	P coding	0,33	1,26	1,94	3,04	0,00245632	0,017376302	-2,594
ENSG00000079393	DUSP13	P coding	-0,48	-1,39	0,93	-3,04	0,002460058	0,017392647	-2,595
ENSG00000176371	ZSCAN2	P coding	-0,27	-1,20	3,70	-3,04	0,002460409	0,017392647	-2,595
ENSG00000132207	SLX1A	P coding	0,28	1,22	6,17	3,04	0,002460471	0,017392647	-2,595
ENSG00000120705	ETF1	P coding	-0,21	-1,16	6,17	-3,04	0,002462184	0,017400418	-2,596
ENSG00000131931	THAP1	P coding	0,26	1,20	3,18	3,04	0,002464507	0,01741249	-2,597
ENSG00000176153	GPX2	P coding	0,13	1,10	0,59	3,04	0,002474415	0,017470708	-2,600
ENSG00000229808	AL391825.1	TPP	0,32	1,25	1,28	3,04	0,002474596	0,017470708	-2,600
ENSG00000107331	ABCA2	P coding	-0,44	-1,35	3,05	-3,04	0,002475562	0,01747318	-2,601
ENSG00000109685	NSD2	P coding	0,76	1,69	5,15	3,04	0,002477341	0,017481382	-2,601
ENSG00000121774	KHDRBS1	P coding	0,19	1,14	5,67	3,04	0,00248133	0,017505169	-2,603
ENSG00000264666	AC020558.1	lncRNA	0,31	1,24	1,84	3,04	0,002482122	0,017506405	-2,603
ENSG00000051108	HERPUD1	P coding	0,34	1,27	10,54	3,04	0,002483369	0,017510841	-2,604
ENSG00000231172	AC007099.1	lncRNA	0,15	1,11	0,74	3,04	0,002487889	0,017538351	-2,605

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000198160	MIER1	P coding	0,22	1,16	4,24	3,04	0,002492499	0,017565924	-2,607
ENSG00000034053	APBA2	P coding	0,41	1,33	0,65	3,04	0,002493111	0,017565924	-2,607
ENSG00000230373	GOLGA6L5P	TUP	-0,34	-1,26	2,64	-3,04	0,00249366	0,017565924	-2,607
ENSG00000137720	C11orf1	P coding	-0,26	-1,20	6,70	-3,04	0,002495092	0,01757078	-2,608
ENSG00000148672	GLUD1	P coding	0,19	1,14	5,36	3,04	0,002495589	0,01757078	-2,608
ENSG00000269533	AC003002.3	P coding	-0,19	-1,14	0,82	-3,04	0,00249713	0,01757456	-2,609
ENSG00000242353	RPL12P30	PP	0,26	1,20	0,43	3,04	0,002497366	0,01757456	-2,609
ENSG00000142959	BEST4	P coding	0,14	1,10	0,54	3,04	0,002501285	0,017597298	-2,610
ENSG00000122483	CCDC18	P coding	0,28	1,21	2,61	3,03	0,002505789	0,01761634	-2,612
ENSG00000273338	AC103591.3	lncRNA	0,65	1,57	7,12	3,03	0,002514363	0,01766786	-2,615
ENSG00000218690	H2AC10P	TUP	0,23	1,17	0,64	3,03	0,002515441	0,017671049	-2,615
ENSG00000253695	AC011008.1	lncRNA	0,20	1,15	0,34	3,03	0,002518809	0,017689692	-2,617
ENSG00000233825	AL391839.2	lncRNA	0,33	1,26	2,63	3,03	0,002519343	0,017689692	-2,617
ENSG00000228451	SDAD1P1	TPP	0,20	1,15	1,10	3,03	0,002527288	0,017736695	-2,620
ENSG00000185619	PCGF3	P coding	0,25	1,19	4,92	3,03	0,002535651	0,017786577	-2,623
ENSG00000134056	MRPS36	P coding	-0,22	-1,17	5,28	-3,03	0,002537494	0,017795104	-2,623
ENSG00000242071	RPL7AP6	PP	-0,26	-1,19	1,95	-3,03	0,002548353	0,017859208	-2,627
ENSG00000200377	AC012501.1	snoRNA	0,50	1,42	0,73	3,03	0,002549666	0,017862786	-2,628
ENSG00000143450	OAZ3	P coding	0,20	1,15	1,47	3,03	0,002551342	0,017870112	-2,628
ENSG00000169239	CA5B	P coding	0,42	1,34	3,70	3,03	0,002555005	0,017891349	-2,630
ENSG00000242732	RTL5	P coding	0,45	1,37	1,19	3,03	0,002555597	0,017892401	-2,630
ENSG00000124788	ATXN1	P coding	0,36	1,28	4,97	3,03	0,002556418	0,017892401	-2,630
ENSG00000138101	DTNB	P coding	-0,39	-1,31	4,51	-3,03	0,002557269	0,017893941	-2,630
ENSG00000180304	OAZ2	P coding	-0,17	-1,13	5,75	-3,03	0,002558408	0,017894301	-2,631
ENSG00000226375	AL022310.1	lncRNA	0,23	1,17	1,33	3,03	0,002559846	0,017894301	-2,631
ENSG00000177946	CENPBD1	P coding	0,26	1,20	1,44	3,03	0,002572315	0,01797703	-2,636
ENSG00000229307	LINC00459	lncRNA	-0,36	-1,28	0,54	-3,03	0,002573111	0,017978164	-2,636
ENSG00000160233	LRRC3	P coding	0,27	1,21	1,20	3,03	0,002575511	0,017990351	-2,637
ENSG00000124795	DEK	P coding	0,54	1,45	2,20	3,03	0,002576125	0,017990351	-2,637
ENSG00000149485	FADS1	P coding	0,51	1,42	2,03	3,03	0,002580389	0,018015694	-2,639
ENSG00000168615	ADAM9	P coding	0,48	1,39	3,78	3,03	0,002581956	0,018017723	-2,639
ENSG00000141753	IGFBP4	P coding	0,46	1,38	1,17	3,03	0,002582226	0,018017723	-2,639
ENSG00000122566	HNRNPA2B1	P coding	0,18	1,13	9,51	3,03	0,002582955	0,018017723	-2,639
ENSG00000234754	LINC02817	lncRNA	0,12	1,09	0,56	3,03	0,002583434	0,018017723	-2,640
ENSG00000260160	AC011468.1	lncRNA	0,41	1,32	1,92	3,03	0,002583858	0,018017723	-2,640
ENSG00000172985	SH3RF3	P coding	0,70	1,62	1,10	3,03	0,00258585	0,018027175	-2,640
ENSG00000123684	LPGAT1	P coding	0,41	1,33	1,43	3,02	0,002588685	0,018042506	-2,641
ENSG00000268643	AC006486.1	P coding	0,26	1,19	0,56	3,02	0,002593044	0,018068441	-2,643
ENSG00000145476	CYP4V2	P coding	0,38	1,30	3,41	3,02	0,002594859	0,018076643	-2,644
ENSG00000225938	AL109741.1	lncRNA	0,29	1,22	0,36	3,02	0,00259639	0,018082866	-2,644
ENSG00000130517	PGPEP1	P coding	-0,22	-1,16	5,00	-3,02	0,002597153	0,018083735	-2,644
ENSG00000184224	C11orf72	lncRNA	0,21	1,15	2,17	3,02	0,002598112	0,018085972	-2,645
ENSG00000127720	METTL25	P coding	0,25	1,19	3,30	3,02	0,002598793	0,018086271	-2,645
ENSG00000140265	ZSCAN29	P coding	-0,25	-1,19	4,27	-3,02	0,00260096	0,018096911	-2,646
ENSG00000100439	ABHD4	P coding	0,35	1,27	4,60	3,02	0,002602052	0,018100066	-2,646
ENSG00000185684	EP400P1	TUP	0,27	1,21	4,14	3,02	0,002605185	0,018105157	-2,647
ENSG00000272834	AL022238.3	lncRNA	0,22	1,16	0,89	3,02	0,002605302	0,018105157	-2,647
ENSG00000165409	TSHR	P coding	0,53	1,44	4,38	3,02	0,002605339	0,018105157	-2,647

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000113643	RARS1	P coding	-0,20	-1,15	5,55	-3,02	0,002607793	0,018117768	-2,648
ENSG00000175591	P2RY2	P coding	-0,38	-1,30	1,15	-3,02	0,002613313	0,018151673	-2,650
ENSG00000224844	AC107079.1	lncRNA	0,16	1,12	0,74	3,02	0,002615769	0,018164282	-2,651
ENSG00000176444	CLK2	P coding	0,31	1,24	5,76	3,02	0,002616455	0,018164596	-2,651
ENSG00000111832	RWDD1	P coding	-0,21	-1,15	6,14	-3,02	0,002618245	0,018172567	-2,652
ENSG00000135596	MICAL1	P coding	0,36	1,29	5,10	3,02	0,002619864	0,018179356	-2,652
ENSG00000213443	AC007068.1	PP	0,44	1,36	2,71	3,02	0,002628787	0,018236807	-2,655
ENSG00000264743	DPRXP4	PP	0,21	1,15	0,94	3,02	0,002636784	0,018287812	-2,658
ENSG00000124575	H1-3	P coding	0,62	1,53	2,91	3,02	0,002640584	0,018309688	-2,660
ENSG00000106006	HOXA6	P coding	-0,36	-1,28	0,86	-3,02	0,002643611	0,018326191	-2,661
ENSG00000088832	FKBP1A	P coding	0,24	1,18	5,92	3,02	0,002646928	0,018344696	-2,662
ENSG00000127415	IDUA	P coding	-0,34	-1,26	6,57	-3,02	0,002651459	0,01837161	-2,663
ENSG00000170606	HSPA4	P coding	-0,19	-1,14	5,82	-3,02	0,002664079	0,018450029	-2,668
ENSG00000139722	VPS37B	P coding	0,36	1,28	6,98	3,02	0,002665757	0,018457146	-2,668
ENSG00000207233	SNORA37	snRNA	0,55	1,47	2,55	3,01	0,002672554	0,01849517	-2,670
ENSG00000126247	CAPNS1	P coding	0,20	1,15	7,49	3,01	0,002676014	0,018514598	-2,672
ENSG00000159363	ATP13A2	P coding	0,39	1,31	4,04	3,01	0,002685031	0,018572451	-2,675
ENSG00000223198	RNU2-22P	snRNA	0,42	1,33	1,53	3,01	0,002695293	0,018638882	-2,678
ENSG00000188153	COL4A5	P coding	-0,77	-1,71	2,57	-3,01	0,002701865	0,018679775	-2,680
ENSG00000117724	CENPF	P coding	0,39	1,31	2,02	3,01	0,002708276	0,018719532	-2,683
ENSG00000163293	NIPAL1	P coding	0,21	1,16	1,90	3,01	0,002710587	0,018730933	-2,683
ENSG00000272744	AC107214.2	lncRNA	0,17	1,12	0,52	3,01	0,00271443	0,018752923	-2,685
ENSG00000214024	RPL23AP29	PP	0,24	1,18	0,37	3,01	0,002721657	0,018793691	-2,687
ENSG00000263647	BPTFP1	unPP	-0,33	-1,26	1,85	-3,01	0,002726242	0,018820766	-2,689
ENSG00000231560	CLEC12A-AS1	lncRNA	0,13	1,09	1,05	3,01	0,002727732	0,018826464	-2,689
ENSG00000110237	ARHGEF17	P coding	-0,47	-1,39	1,34	-3,01	0,002734644	0,018869579	-2,691
ENSG00000165669	FAM204A	P coding	0,17	1,13	5,41	3,01	0,002736709	0,018879231	-2,692
ENSG00000250126	AC116563.1	lncRNA	0,22	1,16	0,51	3,01	0,00273802	0,01888368	-2,693
ENSG00000212579	AL033519.1	snRNA	0,55	1,47	0,91	3,01	0,002752762	0,018978509	-2,697
ENSG00000235655	H3P6	PP	0,36	1,28	7,97	3,01	0,002753495	0,018978509	-2,698
ENSG00000183171	BX322650.1	PP	-0,21	-1,16	0,60	-3,01	0,002753779	0,018978509	-2,698
ENSG00000254367	AC087269.1	lncRNA	0,16	1,12	0,66	3,01	0,002756236	0,01898783	-2,699
ENSG00000111786	SRSF9	P coding	0,16	1,12	7,30	3,01	0,002756471	0,01898783	-2,699
ENSG00000182993	C12orf60	P coding	0,17	1,13	1,17	3,00	0,00276049	0,019010893	-2,700
ENSG00000258413	AL158801.2	lncRNA	0,23	1,18	0,90	3,00	0,002767884	0,019057185	-2,702
ENSG00000136731	UGGT1	P coding	0,25	1,19	4,95	3,00	0,002768779	0,019058722	-2,703
ENSG00000250328	AC022101.1	lncRNA	0,18	1,13	0,56	3,00	0,00277037	0,019065043	-2,703
ENSG00000047644	WWC3	P coding	0,30	1,23	4,52	3,00	0,002780261	0,019128465	-2,706
ENSG00000262410	AC024361.1	lncRNA	0,27	1,20	1,93	3,00	0,002781569	0,019132822	-2,707
ENSG00000096746	HNRNPH3	P coding	0,23	1,17	7,18	3,00	0,00279816	0,019238597	-2,712
ENSG00000121073	SLC35B1	P coding	0,22	1,17	7,38	3,00	0,002798304	0,019238597	-2,712
ENSG00000165178	NCF1C	unPP	-0,29	-1,22	5,26	-3,00	0,002804125	0,019273937	-2,714
ENSG00000116161	CACYBP	P coding	0,30	1,23	5,93	3,00	0,002806035	0,019282389	-2,715
ENSG00000254258	AC087354.1	lncRNA	0,25	1,19	3,08	3,00	0,002813839	0,019327261	-2,717
ENSG00000270194	AC097359.2	lncRNA	0,22	1,17	1,07	3,00	0,002813928	0,019327261	-2,717
ENSG00000102158	MAGT1	P coding	0,28	1,22	6,12	3,00	0,002814833	0,019328792	-2,718
ENSG00000158864	NDUF52	P coding	0,23	1,18	6,15	3,00	0,0028158	0,019330749	-2,718
ENSG00000246792	AC106038.1	lncRNA	0,15	1,11	0,38	3,00	0,002817028	0,019334501	-2,718

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000092978	GPATCH2	P coding	0,30	1,23	3,73	3,00	0,002819076	0,019343868	-2,719
ENSG00000229043	AC091729.3	lncRNA	0,35	1,28	2,68	3,00	0,002826957	0,019393254	-2,722
ENSG00000198711	SSBP3-AS1	lncRNA	0,18	1,13	0,87	3,00	0,002828731	0,019400729	-2,722
ENSG00000111530	CAND1	P coding	0,23	1,17	5,30	3,00	0,002832017	0,019415627	-2,723
ENSG00000167524	RSKR	P coding	0,36	1,28	3,89	3,00	0,002832273	0,019415627	-2,723
ENSG00000099203	TMED1	P coding	-0,23	-1,17	5,01	-3,00	0,002838492	0,019453554	-2,725
ENSG00000217078	AL021407.1	PP	0,21	1,16	0,50	3,00	0,002847361	0,019509618	-2,728
ENSG00000188672	RHCE	P coding	0,28	1,21	0,96	3,00	0,00284872	0,019514211	-2,729
ENSG00000212389	RNU6-1275P	snRNA	0,56	1,47	1,53	2,99	0,002852698	0,019536743	-2,730
ENSG00000132507	EIF5A	P coding	0,20	1,15	8,45	2,99	0,002853696	0,01953886	-2,730
ENSG00000187243	MAGED4B	P coding	0,76	1,69	2,28	2,99	0,002858935	0,019565275	-2,732
ENSG00000100865	CINP	P coding	0,19	1,14	4,91	2,99	0,002865138	0,019602992	-2,734
ENSG00000129514	FOXA1	P coding	0,39	1,31	0,30	2,99	0,002866145	0,019605153	-2,734
ENSG00000253744	AC025442.1	lncRNA	0,22	1,17	0,95	2,99	0,002871836	0,019634605	-2,736
ENSG00000184428	TOP1MT	P coding	-0,32	-1,25	4,28	-2,99	0,00287385	0,019643634	-2,737
ENSG00000159915	ZNF233	P coding	0,30	1,23	1,89	2,99	0,002875551	0,019650523	-2,737
ENSG00000084092	NOA1	P coding	-0,19	-1,14	3,79	-2,99	0,002880352	0,019678585	-2,739
ENSG00000257900	AL162632.1	lncRNA	0,25	1,19	3,21	2,99	0,002887339	0,01972157	-2,741
ENSG00000159346	ADIPOR1	P coding	0,20	1,15	6,96	2,99	0,002889777	0,019729602	-2,742
ENSG00000265094	AC007922.3	lncRNA	0,24	1,18	1,48	2,99	0,002889907	0,019729602	-2,742
ENSG00000169282	KCNAB1	P coding	-0,27	-1,21	2,36	-2,99	0,002904707	0,019825869	-2,746
ENSG00000213222	TOMM40P4	PP	0,23	1,18	0,94	2,99	0,002908514	0,019845705	-2,747
ENSG00000230790	AC012456.2	lncRNA	0,23	1,18	0,66	2,99	0,002913071	0,019868604	-2,749
ENSG00000142494	SLC47A1	P coding	-0,74	-1,67	3,89	-2,99	0,002917111	0,019891371	-2,750
ENSG00000120306	CYSTM1	P coding	-0,27	-1,20	5,04	-2,99	0,002921496	0,019916478	-2,752
ENSG00000173083	HPSE	P coding	0,38	1,31	1,24	2,99	0,002922986	0,019916963	-2,752
ENSG00000268592	AL355312.3	lncRNA	0,17	1,13	0,66	2,99	0,002923016	0,019916963	-2,752
ENSG00000234636	MED14OS	lncRNA	0,17	1,13	1,29	2,99	0,002923675	0,019916963	-2,752
ENSG00000120802	TMPO	P coding	0,36	1,29	5,11	2,99	0,002925283	0,019923132	-2,753
ENSG00000182487	NCF1B	TUP	-0,30	-1,23	5,04	-2,99	0,002927808	0,01993554	-2,753
ENSG00000131386	GALNT15	P coding	-0,12	-1,08	0,56	-2,99	0,002929158	0,019939941	-2,754
ENSG00000175229	GAL3ST3	P coding	0,27	1,21	0,28	2,99	0,002930673	0,019945465	-2,754
ENSG00000132716	DCAF8	P coding	0,27	1,21	8,05	2,99	0,002938477	0,019993778	-2,757
ENSG00000204262	COL5A2	P coding	0,18	1,13	0,78	2,99	0,002940429	0,020001857	-2,757
ENSG00000256537	SMIM10L1	P coding	0,24	1,18	4,99	2,99	0,002941076	0,020001857	-2,758
ENSG00000144040	SFXN5	P coding	0,29	1,22	3,21	2,98	0,002944557	0,020020729	-2,759
ENSG00000201183	RNVU1-3	snRNA	0,64	1,56	3,15	2,98	0,002948692	0,020039232	-2,760
ENSG00000196476	C20orf96	P coding	-0,28	-1,21	3,22	-2,98	0,002950754	0,020048434	-2,761
ENSG00000136643	RPS6KC1	P coding	0,33	1,26	3,10	2,98	0,002951957	0,020051806	-2,761
ENSG00000136383	ALPK3	P coding	-0,21	-1,16	0,68	-2,98	0,002953479	0,020057337	-2,761
ENSG00000170748	RBMXL2	P coding	-0,17	-1,12	0,54	-2,98	0,002958167	0,020081496	-2,763
ENSG00000172901	LVRN	P coding	-0,19	-1,14	0,62	-2,98	0,002958454	0,020081496	-2,763
ENSG00000000460	C1orf112	P coding	0,32	1,24	2,05	2,98	0,002961085	0,020094547	-2,764
ENSG00000136040	PLXNC1	P coding	0,34	1,27	4,92	2,98	0,002963657	0,020107185	-2,765
ENSG00000100601	ALKBH1	P coding	0,21	1,16	2,53	2,98	0,002969068	0,020130728	-2,766
ENSG00000117697	NSL1	P coding	0,36	1,28	3,86	2,98	0,002969258	0,020130728	-2,766
ENSG00000168273	SMIM4	P coding	0,25	1,19	5,23	2,98	0,002972552	0,020135504	-2,767
ENSG00000104472	CHRA1	P coding	0,24	1,18	4,83	2,98	0,002973101	0,020135504	-2,767

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000028528	SNX1	P coding	-0,23	-1,17	6,37	-2,98	0,002973514	0,020135504	-2,768
ENSG00000072401	UBE2D1	P coding	0,25	1,19	3,85	2,98	0,002975872	0,020146658	-2,768
ENSG00000132603	NIP7	P coding	0,23	1,17	3,84	2,98	0,002980298	0,020171615	-2,770
ENSG00000168016	TRANK1	P coding	-0,44	-1,35	4,25	-2,98	0,002980981	0,020171615	-2,770
ENSG00000232098	AC012313.1	lncRNA	0,29	1,22	3,52	2,98	0,002990876	0,020233743	-2,773
ENSG00000135297	MTO1	P coding	0,28	1,21	4,82	2,98	0,002992905	0,020237805	-2,773
ENSG00000089091	DZANK1	P coding	-0,27	-1,21	1,95	-2,98	0,002995755	0,020250951	-2,774
ENSG00000248476	BACH1-IT1	lncRNA	0,19	1,14	1,00	2,98	0,002996278	0,020250951	-2,774
ENSG00000207008	SNORA54	snoRNA	0,58	1,49	3,29	2,98	0,002998396	0,020257858	-2,775
ENSG00000102383	ZDHC15	P coding	0,24	1,18	2,54	2,98	0,002998729	0,020257858	-2,775
ENSG00000103197	TSC2	P coding	0,24	1,18	5,23	2,98	0,003005424	0,020297933	-2,777
ENSG00000225900	HSPE1P13	PP	0,17	1,13	0,34	2,98	0,003006093	0,020297933	-2,777
ENSG00000234160	AL513165.1	lncRNA	-0,40	-1,32	3,66	-2,98	0,003007381	0,020301788	-2,778
ENSG00000085415	SEH1L	P coding	0,21	1,16	4,23	2,98	0,00300878	0,020306398	-2,778
ENSG00000089280	FUS	P coding	0,25	1,19	7,54	2,98	0,003011388	0,020319166	-2,779
ENSG00000160785	SLC25A44	P coding	0,23	1,18	3,88	2,98	0,003018956	0,020362119	-2,781
ENSG00000234719	NPIB2	P coding	0,33	1,26	3,55	2,98	0,003019191	0,020362119	-2,781
ENSG00000132824	SERINC3	P coding	0,23	1,18	5,73	2,98	0,00302127	0,020371296	-2,782
ENSG00000145390	USP53	P coding	0,34	1,27	3,74	2,98	0,003023105	0,020378822	-2,783
ENSG00000118816	CCNI	P coding	0,21	1,16	6,87	2,98	0,0030257	0,020391464	-2,783
ENSG00000125743	SNRPD2	P coding	-0,20	-1,15	8,21	-2,98	0,003027364	0,020395208	-2,784
ENSG00000237991	RPL35P1	PP	-0,18	-1,13	0,73	-2,98	0,003027695	0,020395208	-2,784
ENSG00000229212	AC044860.1	TUP	-0,31	-1,24	2,09	-2,98	0,003029914	0,020405305	-2,785
ENSG00000081721	DUSP12	P coding	0,23	1,17	5,45	2,98	0,003032934	0,020420796	-2,786
ENSG00000146147	MLIP	P coding	-0,83	-1,78	1,95	-2,98	0,003034784	0,020425379	-2,786
ENSG00000262304	AC027796.3	P coding	0,25	1,19	1,35	2,98	0,003035766	0,020425379	-2,786
ENSG00000267587	AC090241.1	PP	0,12	1,09	0,52	2,98	0,003035777	0,020425379	-2,786
ENSG00000175197	DDIT3	P coding	0,52	1,43	5,57	2,98	0,00303861	0,020434798	-2,787
ENSG00000086475	SEPHS1	P coding	0,25	1,19	5,10	2,98	0,003038618	0,020434798	-2,787
ENSG00000151718	WWC2	P coding	0,52	1,44	1,15	2,97	0,00304145	0,020448991	-2,788
ENSG00000259715	AC022087.1	lncRNA	0,36	1,28	2,75	2,97	0,003042924	0,02045158	-2,789
ENSG00000252993	AL365398.1	snoRNA	0,24	1,18	0,21	2,97	0,003043278	0,02045158	-2,789
ENSG00000174749	FAM241A	P coding	0,21	1,16	3,40	2,97	0,003045333	0,020460539	-2,789
ENSG00000264304	AC024267.4	lncRNA	0,24	1,18	1,17	2,97	0,003050824	0,020491423	-2,791
ENSG00000186715	MST1L	TUP	-0,32	-1,25	1,79	-2,97	0,003051376	0,020491423	-2,791
ENSG00000272402	AL031775.2	lncRNA	0,24	1,18	1,83	2,97	0,003054608	0,020508273	-2,792
ENSG00000167702	KIFC2	P coding	-0,30	-1,23	5,55	-2,97	0,003057502	0,020522842	-2,793
ENSG00000225764	P3H2-AS1	lncRNA	0,21	1,15	1,72	2,97	0,003058667	0,020525802	-2,793
ENSG00000227354	RBM26-AS1	lncRNA	0,25	1,19	2,60	2,97	0,003060352	0,020532246	-2,794
ENSG00000105289	TJP3	P coding	-0,37	-1,29	1,38	-2,97	0,003066662	0,020569541	-2,796
ENSG00000261645	DISC1FP1	lncRNA	-0,45	-1,36	1,86	-2,97	0,003069134	0,020576555	-2,796
ENSG00000079482	OPHN1	P coding	0,22	1,16	1,55	2,97	0,003070659	0,020581912	-2,797
ENSG00000273036	AL390726.4	TPP	0,20	1,15	0,20	2,97	0,00307284	0,020591658	-2,797
ENSG00000114113	RBP2	P coding	0,26	1,20	0,83	2,97	0,003074762	0,020598686	-2,798
ENSG00000159433	STARD9	P coding	-0,32	-1,25	2,98	-2,97	0,003075342	0,020598686	-2,798
ENSG00000142002	DPP9	P coding	-0,20	-1,15	5,43	-2,97	0,003082735	0,02064333	-2,800
ENSG00000111452	ADGRD1	P coding	0,36	1,29	1,11	2,97	0,003100531	0,020757596	-2,806
ENSG00000059691	GATB	P coding	0,24	1,18	3,34	2,97	0,003102347	0,020764847	-2,806

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000143365	RORC	P coding	0,43	1,35	0,68	2,97	0,003108075	0,020798277	-2,808
ENSG00000139117	CPNE8	P coding	0,63	1,54	2,11	2,97	0,003109914	0,020805673	-2,808
ENSG00000163444	TMEM183A	P coding	0,21	1,16	5,77	2,97	0,003111512	0,020811449	-2,809
ENSG00000162894	FCMR	P coding	0,70	1,63	2,86	2,97	0,003114562	0,020826934	-2,810
ENSG00000207364	RNU6-939P	snRNA	0,44	1,36	0,55	2,97	0,003121325	0,020867232	-2,812
ENSG00000128165	ADM2	P coding	0,50	1,41	3,32	2,97	0,003126887	0,020895515	-2,813
ENSG00000201868	AL590434.1	misc_RNA	0,37	1,29	0,49	2,97	0,003127029	0,020895515	-2,813
ENSG00000228980	LINC01205	lncRNA	0,15	1,11	1,02	2,97	0,003131096	0,02091776	-2,814
ENSG00000155792	DEPTOR	P coding	0,65	1,57	4,81	2,97	0,003132493	0,020922163	-2,815
ENSG00000254876	SUGT1P4-STRA6LP	lncRNA	-0,20	-1,15	1,02	-2,97	0,003136595	0,020944621	-2,816
ENSG00000244376	RN7SL636P	misc_RNA	0,15	1,11	0,32	2,96	0,003140186	0,02096366	-2,817
ENSG00000248588	AC008517.1	lncRNA	0,23	1,17	0,40	2,96	0,003145202	0,020990389	-2,819
ENSG00000112130	RNF8	P coding	-0,20	-1,15	3,43	-2,96	0,00314567	0,020990389	-2,819
ENSG00000267543	AC015802.3	lncRNA	0,22	1,17	1,99	2,96	0,003148529	0,020995054	-2,820
ENSG00000116194	ANGPTL1	P coding	0,26	1,20	1,02	2,96	0,003150551	0,02100318	-2,820
ENSG00000174514	MFSD4A	P coding	0,20	1,15	1,13	2,96	0,003151917	0,021007343	-2,821
ENSG00000106133	NSUN5P2	TUP	-0,33	-1,26	4,66	-2,96	0,003156909	0,021035671	-2,822
ENSG00000196526	AFAP1	P coding	0,22	1,17	1,05	2,96	0,003159021	0,021044793	-2,823
ENSG00000259732	AC092757.2	lncRNA	0,21	1,16	0,27	2,96	0,003160455	0,021049404	-2,823
ENSG00000108061	SHOC2	P coding	0,23	1,17	4,26	2,96	0,003162366	0,021057182	-2,824
ENSG00000133138	TBC1D8B	P coding	0,28	1,22	2,89	2,96	0,003163383	0,02105901	-2,824
ENSG00000148219	ASTN2	P coding	0,23	1,17	2,90	2,96	0,003166086	0,02107205	-2,825
ENSG00000231922	AL138479.1	PP	0,14	1,10	0,54	2,96	0,003167532	0,021076728	-2,825
ENSG00000046653	GPM6B	P coding	0,38	1,30	1,63	2,96	0,003170734	0,021088737	-2,826
ENSG00000110011	DNAJC4	P coding	-0,22	-1,17	6,72	-2,96	0,003170825	0,021088737	-2,826
ENSG00000162616	DNAJB4	P coding	0,40	1,32	3,80	2,96	0,003178011	0,021128841	-2,828
ENSG00000168803	ADAL	P coding	-0,29	-1,22	3,12	-2,96	0,003178345	0,021128841	-2,828
ENSG00000149218	ENDOD1	P coding	0,35	1,27	1,74	2,96	0,003180883	0,02114075	-2,829
ENSG00000197858	GPAA1	P coding	0,24	1,18	6,80	2,96	0,003185238	0,021154954	-2,830
ENSG00000122359	ANXA11	P coding	0,37	1,29	5,87	2,96	0,003185259	0,021154954	-2,830
ENSG00000206812	RNU6-38P	snRNA	0,22	1,17	0,13	2,96	0,00319494	0,021214284	-2,833
ENSG00000168026	TTC21A	P coding	-0,33	-1,26	3,56	-2,96	0,003197902	0,021228978	-2,834
ENSG00000150093	ITGB1	P coding	0,56	1,47	4,97	2,96	0,003204162	0,021265555	-2,835
ENSG00000213590	AL807752.1	PP	0,12	1,09	0,88	2,96	0,003213435	0,021312125	-2,838
ENSG00000168675	LDLRAD4	P coding	0,49	1,40	4,02	2,96	0,003215336	0,021314762	-2,839
ENSG00000163029	SMC6	P coding	0,27	1,20	3,77	2,96	0,003217438	0,021323708	-2,839
ENSG00000065970	FOXJ2	P coding	0,23	1,18	3,09	2,96	0,003229457	0,021398358	-2,843
ENSG00000261783	AC009054.2	lncRNA	0,23	1,17	2,15	2,96	0,003231968	0,021406017	-2,843
ENSG00000171448	ZBTB26	P coding	0,27	1,21	2,96	2,96	0,003232123	0,021406017	-2,843
ENSG00000049541	RFC2	P coding	0,25	1,19	3,50	2,96	0,003233286	0,021408718	-2,844
ENSG00000105997	HOXA3	P coding	-0,28	-1,21	0,55	-2,96	0,003235068	0,021415513	-2,844
ENSG00000115875	SRSF7	P coding	0,34	1,27	8,09	2,96	0,003237492	0,021426556	-2,845
ENSG00000135549	PKIB	P coding	0,23	1,17	1,12	2,96	0,003239063	0,021431952	-2,845
ENSG00000178631	ACTG1P1	PP	0,18	1,13	1,06	2,96	0,003240187	0,021434384	-2,846
ENSG00000225886	AL445490.1	lncRNA	0,37	1,30	1,88	2,95	0,003252225	0,021508999	-2,849
ENSG00000182827	ACBD3	P coding	0,29	1,22	5,49	2,95	0,003254252	0,021517382	-2,850
ENSG00000142945	KIF2C	P coding	0,35	1,27	1,51	2,95	0,003256291	0,021522816	-2,850
ENSG00000089737	DDX24	P coding	0,27	1,21	6,64	2,95	0,003256592	0,021522816	-2,850

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000137504	CREBZF	P coding	-0,26	-1,20	6,28	-2,95	0,003259934	0,021539878	-2,851
ENSG00000265494	AC005304.2	lncRNA	0,20	1,15	2,07	2,95	0,003262287	0,021545406	-2,852
ENSG00000268945	AC010422.2	lncRNA	0,12	1,09	0,67	2,95	0,003262229	0,021545406	-2,852
ENSG00000090006	LTBP4	P coding	-0,32	-1,24	6,13	-2,95	0,003265679	0,021562759	-2,853
ENSG00000244748	RN7SL153P	misc_RNA	0,18	1,13	0,46	2,95	0,003270577	0,021585493	-2,854
ENSG00000083857	FAT1	P coding	0,19	1,14	0,87	2,95	0,003270645	0,021585493	-2,854
ENSG00000198715	GLMP	P coding	0,35	1,27	5,34	2,95	0,003280454	0,021645195	-2,857
ENSG00000073150	PANX2	P coding	0,30	1,23	0,57	2,95	0,00328563	0,021670556	-2,858
ENSG00000161016	RPL8	P coding	-0,20	-1,15	11,32	-2,95	0,003285827	0,021670556	-2,858
ENSG00000233844	KCNQ5-IT1	lncRNA	0,22	1,16	0,63	2,95	0,00329129	0,021701537	-2,860
ENSG00000163132	MSX1	P coding	-0,16	-1,12	0,65	-2,95	0,003295256	0,021722631	-2,861
ENSG00000122033	MTIF3	P coding	-0,29	-1,22	5,97	-2,95	0,003296226	0,021723975	-2,861
ENSG00000231336	AC017006.1	lncRNA	0,21	1,16	1,11	2,95	0,003303863	0,021769244	-2,863
ENSG00000080815	PSEN1	P coding	0,22	1,16	4,34	2,95	0,003306474	0,021781389	-2,864
ENSG00000169967	MAP3K2	P coding	0,23	1,17	4,30	2,95	0,003307562	0,021783491	-2,864
ENSG00000263072	ZNF213-AS1	lncRNA	0,34	1,26	3,88	2,95	0,003326991	0,021901274	-2,870
ENSG00000137970	RPL7P9	PP	-0,22	-1,16	1,87	-2,95	0,003328132	0,021903699	-2,870
ENSG00000248564	AC079140.1	PP	0,18	1,14	0,52	2,95	0,003334818	0,021937514	-2,872
ENSG00000247765	AC068446.2	lncRNA	0,42	1,34	0,97	2,95	0,003336299	0,021942167	-2,872
ENSG00000104774	MAN2B1	P coding	-0,27	-1,21	7,18	-2,95	0,003338472	0,021949114	-2,873
ENSG00000136636	KCTD3	P coding	0,32	1,25	4,35	2,95	0,003338904	0,021949114	-2,873
ENSG00000253619	AC068413.1	lncRNA	-0,34	-1,27	0,66	-2,95	0,003343857	0,021976572	-2,874
ENSG00000106526	ACTR3C	P coding	0,24	1,18	2,13	2,94	0,003358649	0,022063562	-2,878
ENSG00000112306	RPS12	P coding	-0,26	-1,20	11,51	-2,94	0,003360152	0,022068318	-2,879
ENSG00000162704	ARPC5	P coding	0,35	1,28	5,93	2,94	0,003362456	0,022078339	-2,879
ENSG00000100376	FAM118A	P coding	-0,49	-1,40	4,80	-2,94	0,003365548	0,022088409	-2,880
ENSG00000213190	MLLT11	P coding	0,31	1,24	2,13	2,94	0,00336722	0,022094265	-2,880
ENSG00000233080	LINC01399	TPP	-0,33	-1,25	0,82	-2,94	0,003369756	0,022105783	-2,881
ENSG00000239779	WBP1	P coding	0,20	1,15	6,67	2,94	0,003372665	0,022119751	-2,882
ENSG00000257698	GIHCG	lncRNA	0,39	1,31	3,99	2,94	0,003375926	0,022136017	-2,883
ENSG00000119640	ACYP1	P coding	0,32	1,24	3,80	2,94	0,003387621	0,022207564	-2,886
ENSG00000257381	MIR3179-2	miRNA	0,21	1,16	0,99	2,94	0,003390084	0,022217461	-2,887
ENSG00000214942	AC113167.1	lncRNA	0,14	1,10	0,73	2,94	0,003390698	0,022217461	-2,887
ENSG00000149256	TENM4	P coding	-0,28	-1,21	0,86	-2,94	0,003405311	0,022308051	-2,891
ENSG00000134070	IRAK2	P coding	-0,44	-1,36	2,28	-2,94	0,003406714	0,022312085	-2,891
ENSG00000267060	PTGES3L	P coding	0,17	1,13	1,64	2,94	0,003409092	0,022322504	-2,892
ENSG00000230510	PPP5D1	P coding	0,15	1,11	1,10	2,94	0,003412481	0,022339533	-2,893
ENSG00000115841	RMDN2	P coding	0,32	1,25	2,98	2,94	0,003419404	0,022379687	-2,894
ENSG00000255565	AC073651.1	lncRNA	0,18	1,13	0,65	2,94	0,003427767	0,022424068	-2,897
ENSG00000151131	C12orf45	P coding	-0,28	-1,22	4,77	-2,94	0,003431104	0,022440721	-2,898
ENSG00000256116	AP001453.2	lncRNA	0,29	1,22	2,40	2,93	0,003455634	0,022595939	-2,904
ENSG00000236756	DNAJC9-AS1	lncRNA	0,18	1,13	0,86	2,93	0,003472242	0,022694069	-2,908
ENSG00000257464	AC125611.1	PP	0,34	1,27	0,84	2,93	0,003473728	0,022698544	-2,909
ENSG00000237400	AC006960.3	lncRNA	0,13	1,10	0,45	2,93	0,003488123	0,022787358	-2,912
ENSG00000254340	AC022784.5	lncRNA	0,17	1,12	0,68	2,93	0,00349131	0,022799801	-2,913
ENSG00000157353	FCSK	P coding	0,27	1,21	3,97	2,93	0,003491637	0,022799801	-2,913
ENSG00000232346	Z74021.1	PP	-0,18	-1,13	0,82	-2,93	0,003510337	0,022916633	-2,918
ENSG00000225644	RPL35AP4	PP	0,29	1,23	0,29	2,93	0,003521343	0,022983186	-2,921

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000266258	LINC01909	lncRNA	0,18	1,14	0,60	2,93	0,003526892	0,02301411	-2,923
ENSG00000159261	CLDN14	P coding	0,69	1,61	2,31	2,93	0,003528651	0,023020287	-2,923
ENSG00000127452	FBXL12	P coding	-0,23	-1,17	4,40	-2,93	0,003533471	0,023046424	-2,924
ENSG00000129351	ILF3	P coding	-0,21	-1,16	7,27	-2,93	0,003549099	0,023137706	-2,928
ENSG00000136758	YME1L1	P coding	0,21	1,16	6,00	2,93	0,003561165	0,023210643	-2,931
ENSG00000067955	CBFB	P coding	0,23	1,17	5,10	2,93	0,003561924	0,023210643	-2,931
ENSG00000198157	HMGNS	P coding	0,47	1,38	3,05	2,93	0,003563337	0,023214514	-2,932
ENSG00000246263	UBR5-AS1	lncRNA	0,25	1,19	2,41	2,92	0,003567894	0,023238862	-2,933
ENSG00000158615	PPP1R15B	P coding	0,29	1,22	6,09	2,92	0,003575855	0,023285364	-2,935
ENSG00000187955	COL14A1	P coding	0,19	1,14	0,56	2,92	0,003589153	0,023364973	-2,938
ENSG00000230021	AL669831.3	TPP	0,25	1,19	1,21	2,92	0,003589729	0,023364973	-2,939
ENSG00000237276	ANO7L1	TUP	0,45	1,37	3,94	2,92	0,003591102	0,023368541	-2,939
ENSG00000207642	MIR571	miRNA	0,44	1,36	0,74	2,92	0,003591965	0,023368796	-2,939
ENSG00000155660	PDIA4	P coding	0,41	1,32	8,08	2,92	0,003593454	0,023373115	-2,939
ENSG00000233125	ACTBP12	PP	0,11	1,08	0,54	2,92	0,003596133	0,023385176	-2,940
ENSG00000241170	AP001992.1	TPP	0,30	1,23	3,01	2,92	0,003599143	0,023399381	-2,941
ENSG00000132670	PTPRA	P coding	0,21	1,16	4,98	2,92	0,003608536	0,023446126	-2,943
ENSG00000259539	AC051619.5	lncRNA	0,15	1,11	0,71	2,92	0,003608802	0,023446126	-2,943
ENSG00000196922	ZNF252P	TUP	0,33	1,26	3,80	2,92	0,003608814	0,023446126	-2,943
ENSG00000198894	CIPC	P coding	0,27	1,20	3,12	2,92	0,00361321	0,023469303	-2,944
ENSG00000156697	UTP14A	P coding	-0,24	-1,18	3,98	-2,92	0,003621561	0,023518161	-2,947
ENSG00000126749	EMG1	P coding	0,23	1,18	4,58	2,92	0,003624252	0,023530243	-2,947
ENSG00000047597	XK	P coding	0,45	1,36	2,25	2,92	0,003637889	0,023613372	-2,951
ENSG00000273188	AL022328.3	lncRNA	0,31	1,24	2,70	2,92	0,003643831	0,023646529	-2,952
ENSG00000259631	AC104316.2	lncRNA	-0,28	-1,21	0,92	-2,92	0,003646229	0,023656673	-2,953
ENSG00000149761	NUDT22	P coding	-0,23	-1,17	6,77	-2,92	0,003647409	0,023658912	-2,953
ENSG00000230289	AL358781.2	lncRNA	-0,23	-1,17	0,84	-2,92	0,003651678	0,023676038	-2,954
ENSG00000154589	LY96	P coding	0,42	1,34	6,78	2,92	0,003651719	0,023676038	-2,954
ENSG00000231102	AL035588.1	lncRNA	0,24	1,18	0,67	2,92	0,003653598	0,023682799	-2,954
ENSG00000112576	CCND3	P coding	0,57	1,49	5,88	2,92	0,003654456	0,023682945	-2,955
ENSG00000214389	RPS3AP26	PP	-0,23	-1,17	1,47	-2,92	0,00365711	0,023694731	-2,955
ENSG00000196600	SLC22A25	P coding	0,12	1,09	0,76	2,92	0,003662831	0,023726375	-2,957
ENSG00000268401	AC007785.3	lncRNA	-0,20	-1,15	1,39	-2,92	0,00366987	0,02376654	-2,959
ENSG00000134769	DTNA	P coding	0,44	1,36	1,18	2,92	0,003672928	0,023780912	-2,959
ENSG00000168394	TAP1	P coding	0,33	1,26	7,36	2,92	0,003678473	0,023805935	-2,961
ENSG00000136167	LCP1	P coding	0,88	1,84	4,05	2,92	0,003679984	0,023808935	-2,961
ENSG00000252656	RN75KP88	misc_RNA	0,21	1,15	0,50	2,92	0,003680616	0,023808935	-2,961
ENSG00000163746	PLSCR2	P coding	0,14	1,10	0,41	2,91	0,003684585	0,023829166	-2,962
ENSG00000069849	ATP1B3	P coding	-0,34	-1,26	5,73	-2,91	0,003696513	0,023900857	-2,965
ENSG00000141736	ERBB2	P coding	0,24	1,18	1,76	2,91	0,003697817	0,023903838	-2,965
ENSG00000002549	LAP3	P coding	0,31	1,24	6,88	2,91	0,003699099	0,02390667	-2,966
ENSG00000247853	AC006064.2	lncRNA	0,20	1,15	1,27	2,91	0,003700736	0,023911798	-2,966
ENSG00000236086	HMGNS2P28	PP	0,28	1,22	1,20	2,91	0,00371037	0,023968587	-2,968
ENSG00000103489	XYLT1	P coding	0,57	1,48	1,96	2,91	0,003712325	0,023975748	-2,969
ENSG00000169871	TRIM56	P coding	0,32	1,25	3,25	2,91	0,003723121	0,02404	-2,972
ENSG00000178209	PLEC	P coding	0,39	1,31	4,88	2,91	0,003724131	0,024041044	-2,972
ENSG00000255753	AC009533.3	PP	0,36	1,28	1,51	2,91	0,003728769	0,024065499	-2,973
ENSG00000230186	AC246680.1	lncRNA	0,23	1,17	0,61	2,91	0,003730588	0,024071758	-2,973

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000106144	CASP2	P coding	0,22	1,17	3,46	2,91	0,003739159	0,024121575	-2,975
ENSG00000135775	COG2	P coding	0,24	1,18	4,60	2,91	0,003744868	0,024152907	-2,977
ENSG00000167397	VKORC1	P coding	0,30	1,23	6,74	2,91	0,003757979	0,024231954	-2,980
ENSG00000244627	TPTEP2	TUP	0,48	1,40	3,68	2,91	0,003765283	0,024273533	-2,982
ENSG00000007520	TSR3	P coding	0,20	1,15	5,57	2,91	0,003768212	0,02428689	-2,982
ENSG00000256400	AC018630.1	PP	0,34	1,27	0,43	2,91	0,00376922	0,024287864	-2,983
ENSG00000066427	ATXN3	P coding	0,21	1,16	2,97	2,91	0,003779627	0,024349389	-2,985
ENSG00000272661	AC021097.1	lncRNA	-0,35	-1,27	1,66	-2,91	0,003782871	0,024364748	-2,986
ENSG00000266601	AC018521.6	lncRNA	0,24	1,18	1,19	2,91	0,003797038	0,024444888	-2,989
ENSG00000233665	AC060234.2	lncRNA	0,19	1,14	1,61	2,90	0,003799675	0,024452401	-2,990
ENSG00000143248	RGS5	P coding	0,28	1,22	2,15	2,90	0,00379993	0,024452401	-2,990
ENSG00000162390	ACOT11	P coding	0,17	1,12	1,44	2,90	0,003805972	0,024485721	-2,992
ENSG00000230937	MIR205HG	lncRNA	0,19	1,14	1,40	2,90	0,00380865	0,024497387	-2,992
ENSG00000229124	VIM-AS1	lncRNA	0,33	1,25	3,38	2,90	0,00381525	0,024534271	-2,994
ENSG00000265681	RPL17	P coding	-0,24	-1,18	11,51	-2,90	0,00381784	0,024545357	-2,994
ENSG00000123609	NMI	P coding	0,29	1,22	3,66	2,90	0,003820923	0,024559611	-2,995
ENSG00000111834	RSPH4A	P coding	0,33	1,25	1,59	2,90	0,003825261	0,024581923	-2,996
ENSG00000143799	PARP1	P coding	0,30	1,23	6,83	2,90	0,003828529	0,024597343	-2,997
ENSG00000138678	GPAT3	P coding	0,26	1,20	0,48	2,90	0,003830985	0,024607549	-2,997
ENSG00000167552	TUBA1A	P coding	0,60	1,52	3,02	2,90	0,003832403	0,024611078	-2,998
ENSG00000184207	PGP	P coding	0,25	1,19	3,21	2,90	0,003833292	0,024611212	-2,998
ENSG00000198937	CCDC167	P coding	0,39	1,31	5,04	2,90	0,003835677	0,024620946	-2,999
ENSG00000100307	CBX7	P coding	0,36	1,28	5,78	2,90	0,003844035	0,02466901	-3,001
ENSG00000200875	RNU6-340P	snRNA	0,27	1,21	0,21	2,90	0,003851955	0,024714242	-3,002
ENSG00000250378	AC114296.1	lncRNA	-0,16	-1,11	0,21	-2,90	0,003855663	0,024726837	-3,003
ENSG00000035687	ADSS2	P coding	0,23	1,17	5,17	2,90	0,003859667	0,024740861	-3,004
ENSG00000205560	CPT1B	P coding	-0,35	-1,28	4,92	-2,90	0,003859785	0,024740861	-3,004
ENSG00000258526	AL049828.1	lncRNA	0,15	1,11	0,66	2,90	0,003862103	0,024745744	-3,005
ENSG00000135655	USP15	P coding	0,23	1,18	5,93	2,90	0,003880265	0,024851802	-3,009
ENSG00000185361	TNFAIP8L1	P coding	-0,24	-1,18	2,89	-2,90	0,00388057	0,024851802	-3,009
ENSG00000197183	NOL4L	P coding	0,44	1,35	2,45	2,90	0,003881286	0,024851802	-3,009
ENSG00000196345	ZKSCAN7	P coding	-0,30	-1,23	1,51	-2,90	0,003882966	0,024856944	-3,010
ENSG00000156875	MFS14A	P coding	0,26	1,20	5,38	2,90	0,003893198	0,024916818	-3,012
ENSG00000121851	POLR3GL	P coding	0,26	1,20	5,19	2,90	0,003896699	0,024933599	-3,013
ENSG00000235453	SMIM27	P coding	0,23	1,17	5,50	2,90	0,003898222	0,024937712	-3,013
ENSG00000135913	USP37	P coding	0,22	1,16	2,47	2,90	0,003900544	0,024946935	-3,014
ENSG00000139211	AMIGO2	P coding	-0,48	-1,40	2,27	-2,90	0,003908	0,024988988	-3,015
ENSG00000201558	RNVU1-6	snRNA	0,56	1,48	7,37	2,90	0,003913564	0,025010923	-3,017
ENSG00000069248	NUP133	P coding	0,23	1,17	4,34	2,90	0,003913719	0,025010923	-3,017
ENSG00000170631	ZNF16	P coding	0,18	1,13	2,51	2,90	0,003914078	0,025010923	-3,017
ENSG00000171817	ZNF540	P coding	0,41	1,33	1,56	2,89	0,003927892	0,025093539	-3,020
ENSG00000180530	NRIP1	P coding	0,37	1,30	1,27	2,89	0,003929498	0,025098138	-3,020
ENSG00000252839	RNU6-419P	snRNA	0,19	1,14	0,13	2,89	0,003933411	0,025117416	-3,021
ENSG00000211580	MIR769	miRNA	-0,47	-1,38	1,20	-2,89	0,003934288	0,025117416	-3,022
ENSG00000242258	LINC00996	lncRNA	-0,61	-1,53	3,61	-2,89	0,00393644	0,025125499	-3,022
ENSG00000235531	MSC-AS1	lncRNA	0,21	1,16	0,32	2,89	0,003938111	0,025127422	-3,022
ENSG00000231703	AL354993.1	lncRNA	0,10	1,07	0,60	2,89	0,003938515	0,025127422	-3,022
ENSG00000196531	NACA	P coding	-0,19	-1,14	10,58	-2,89	0,003941225	0,025133403	-3,023

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000255931	AP003108.1	lncRNA	-0,27	-1,21	0,60	-2,89	0,003949223	0,025178739	-3,025
ENSG00000116819	TFAP2E	P coding	-0,19	-1,14	1,54	-2,89	0,003950695	0,025182458	-3,025
ENSG00000240306	RN7SL100P	misc_RNA	0,25	1,19	1,04	2,89	0,003954163	0,025198901	-3,026
ENSG00000115738	ID2	P coding	0,59	1,51	6,14	2,89	0,003957414	0,025209778	-3,027
ENSG00000182810	DDX28	P coding	0,21	1,16	2,88	2,89	0,003958397	0,025209778	-3,027
ENSG00000099994	SUSD2	P coding	-0,15	-1,11	0,57	-2,89	0,003958538	0,025209778	-3,027
ENSG00000208028	MIR616	miRNA	0,60	1,51	6,92	2,89	0,003962345	0,025223329	-3,028
ENSG00000169964	TMEM42	P coding	0,24	1,18	4,14	2,89	0,003962446	0,025223329	-3,028
ENSG00000164924	YWHAZ	P coding	0,24	1,18	8,13	2,89	0,003964372	0,025229925	-3,028
ENSG00000089157	RPLP0	P coding	-0,23	-1,17	11,56	-2,89	0,003969881	0,025259312	-3,030
ENSG00000172578	KLHL6	P coding	-0,35	-1,27	6,01	-2,89	0,003973709	0,025277995	-3,031
ENSG00000265443	AC127024.3	lncRNA	0,16	1,12	0,97	2,89	0,003987728	0,025361485	-3,034
ENSG00000259251	AC104590.1	lncRNA	0,13	1,09	0,47	2,89	0,003997866	0,025420261	-3,036
ENSG00000130159	ECSIT	P coding	-0,23	-1,17	5,30	-2,89	0,004004265	0,025455016	-3,037
ENSG00000265919	MIR4280	miRNA	0,21	1,15	0,16	2,89	0,004005129	0,025455016	-3,038
ENSG00000130713	EXOSC2	P coding	-0,26	-1,19	4,84	-2,89	0,004009412	0,025476531	-3,039
ENSG00000065615	CYB5R4	P coding	-0,27	-1,21	4,68	-2,89	0,004020483	0,025536131	-3,041
ENSG00000171451	DSEL	P coding	0,37	1,29	0,91	2,89	0,004020594	0,025536131	-3,041
ENSG00000132763	MMACHC	P coding	0,31	1,24	2,15	2,89	0,004029285	0,025585599	-3,043
ENSG00000268465	AC008403.1	P coding	-0,17	-1,12	0,36	-2,89	0,004031153	0,02559173	-3,044
ENSG00000172466	ZNF24	P coding	0,24	1,18	4,88	2,88	0,0040482	0,025694196	-3,047
ENSG00000072803	FBXW11	P coding	-0,18	-1,14	5,13	-2,88	0,004049325	0,025695586	-3,048
ENSG00000162746	FCRLB	P coding	0,70	1,63	3,17	2,88	0,004055895	0,025731514	-3,049
ENSG00000145757	SPATA9	P coding	-0,18	-1,13	0,76	-2,88	0,004058007	0,025739149	-3,050
ENSG00000229848	AC139149.1	lncRNA	0,30	1,23	1,96	2,88	0,00406448	0,025768677	-3,051
ENSG00000115107	STEAP3	P coding	0,46	1,38	1,99	2,88	0,004069373	0,025793931	-3,052
ENSG00000145700	ANKRD31	P coding	-0,16	-1,12	0,57	-2,88	0,004071219	0,025797926	-3,052
ENSG00000184979	USP18	P coding	0,57	1,49	2,36	2,88	0,004071824	0,025797926	-3,053
ENSG00000142235	LMTK3	P coding	-0,33	-1,26	1,32	-2,88	0,004074209	0,025807267	-3,053
ENSG00000255339	AL133352.1	P coding	-0,30	-1,23	2,60	-2,88	0,004077236	0,025820675	-3,054
ENSG00000136379	ABHD17C	P coding	-0,35	-1,27	2,23	-2,88	0,004080282	0,02583419	-3,054
ENSG00000162144	CYB561A3	P coding	-0,19	-1,14	4,69	-2,88	0,004090426	0,025886851	-3,057
ENSG00000165283	STOML2	P coding	-0,16	-1,12	6,78	-2,88	0,00409439	0,025906155	-3,058
ENSG00000158717	RNF166	P coding	0,28	1,22	5,19	2,88	0,004098535	0,025926595	-3,059
ENSG00000236824	BCYRN1	scRNA	0,08	1,06	0,67	2,88	0,004107537	0,025977745	-3,060
ENSG00000105855	ITGB8	P coding	0,37	1,29	1,27	2,88	0,004108978	0,025981062	-3,061
ENSG00000095906	NUBP2	P coding	0,20	1,15	5,28	2,88	0,004119062	0,026039013	-3,063
ENSG00000198832	SELENOM	P coding	0,44	1,36	7,77	2,88	0,004122174	0,026052875	-3,064
ENSG00000172932	ANKRD13D	P coding	-0,22	-1,16	5,60	-2,88	0,004123638	0,026056319	-3,064
ENSG00000150636	CCDC102B	P coding	0,29	1,22	1,82	2,88	0,004131166	0,026085287	-3,066
ENSG00000105671	DDX49	P coding	-0,19	-1,14	5,35	-2,88	0,004132369	0,026085287	-3,066
ENSG00000156504	FAM122B	P coding	-0,26	-1,20	5,12	-2,88	0,004132434	0,026085287	-3,066
ENSG00000255038	AP006287.2	lncRNA	0,28	1,21	1,43	2,88	0,004132824	0,026085287	-3,066
ENSG00000241420	RN7SL505P	misc_RNA	0,24	1,18	1,24	2,88	0,004135421	0,026095871	-3,067
ENSG00000213402	PTPRCAP	P coding	1,00	2,00	4,80	2,88	0,004149156	0,026176714	-3,070
ENSG00000198793	MTOR	P coding	0,21	1,15	4,53	2,88	0,00415306	0,026195204	-3,070
ENSG00000223343	AC137630.1	lncRNA	0,16	1,12	0,75	2,88	0,004153935	0,026195204	-3,071
ENSG00000233081	AL353764.1	lncRNA	0,37	1,29	1,91	2,88	0,004155389	0,026198544	-3,071

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000090470	PDCD7	P coding	-0,24	-1,18	4,01	-2,88	0,004163596	0,026244453	-3,073
ENSG00000267348	GEMIN7-AS1	lncRNA	0,25	1,19	2,14	2,88	0,004165886	0,026253048	-3,073
ENSG00000246203	AL353807.3	unPP	0,15	1,11	0,64	2,88	0,004168288	0,026262344	-3,074
ENSG00000183155	RAB1F	P coding	0,27	1,21	3,04	2,88	0,004169996	0,026267266	-3,074
ENSG00000197334	AC087579.1	misc_RNA	0,27	1,21	1,63	2,88	0,004171397	0,026270254	-3,074
ENSG00000248445	SEMA6A-AS1	lncRNA	0,26	1,20	2,43	2,87	0,004177827	0,026300448	-3,076
ENSG00000156026	MCU	P coding	0,24	1,18	3,70	2,87	0,004178067	0,026300448	-3,076
ENSG00000143537	ADAM15	P coding	0,32	1,24	5,00	2,87	0,004179447	0,026300448	-3,076
ENSG00000197580	BCO2	P coding	-0,22	-1,16	1,75	-2,87	0,004179903	0,026300448	-3,076
ENSG00000162783	IER5	P coding	0,42	1,34	6,13	2,87	0,004188294	0,026347399	-3,078
ENSG00000129646	QRICH2	P coding	-0,25	-1,19	2,10	-2,87	0,00418929	0,02634782	-3,078
ENSG00000188419	CHM	P coding	0,25	1,19	2,99	2,87	0,004192091	0,026359586	-3,079
ENSG00000158406	H4C8	P coding	0,41	1,33	4,35	2,87	0,004202363	0,026412459	-3,081
ENSG00000183496	MEX3B	P coding	-0,31	-1,24	1,17	-2,87	0,004203399	0,026413109	-3,081
ENSG00000260507	AC133919.1	lncRNA	0,18	1,13	1,24	2,87	0,004220429	0,026514249	-3,085
ENSG00000243660	ZNF487	P coding	0,30	1,23	2,36	2,87	0,004227899	0,026555287	-3,087
ENSG00000087253	LPCAT2	P coding	0,48	1,39	1,22	2,87	0,004230265	0,026564267	-3,087
ENSG00000170899	GSTA4	P coding	0,49	1,41	3,02	2,87	0,004239698	0,026617603	-3,089
ENSG00000221829	FANCG	P coding	-0,23	-1,17	5,00	-2,87	0,004243388	0,026634872	-3,090
ENSG00000179941	BBS10	P coding	0,34	1,27	2,34	2,87	0,004245282	0,026640859	-3,090
ENSG00000169047	IRS1	P coding	0,40	1,32	3,56	2,87	0,004260476	0,026730293	-3,094
ENSG00000139629	GALNT6	P coding	-0,32	-1,25	3,11	-2,87	0,004265771	0,026757592	-3,095
ENSG00000198830	HMGN2	P coding	0,24	1,18	8,18	2,87	0,004268623	0,026769554	-3,095
ENSG00000264188	AC106037.2	lncRNA	0,24	1,18	2,91	2,87	0,004270755	0,026776999	-3,096
ENSG00000184182	UBE2F	P coding	0,20	1,15	5,16	2,87	0,004276116	0,026804686	-3,097
ENSG00000164082	GRM2	P coding	-0,13	-1,10	0,44	-2,87	0,004277287	0,026806096	-3,097
ENSG00000204792	LINC01291	lncRNA	0,31	1,24	0,88	2,87	0,004283851	0,026835371	-3,098
ENSG00000148484	RSU1	P coding	0,28	1,21	4,69	2,87	0,004286733	0,026847488	-3,099
ENSG00000079335	CDC14A	P coding	0,39	1,31	1,99	2,87	0,004293255	0,026882395	-3,100
ENSG00000125656	CLPP	P coding	-0,17	-1,13	6,52	-2,87	0,004298564	0,026900237	-3,102
ENSG00000132704	FCRL2	P coding	0,79	1,73	5,01	2,87	0,004298951	0,026900237	-3,102
ENSG00000260608	AC024270.4	lncRNA	0,21	1,16	1,09	2,86	0,004307953	0,026950618	-3,104
ENSG00000232136	DUXAP7	PP	0,15	1,11	0,59	2,86	0,004311142	0,026960998	-3,104
ENSG00000139641	ESYT1	P coding	0,27	1,21	5,77	2,86	0,004311515	0,026960998	-3,104
ENSG00000137959	IFI44L	P coding	0,73	1,66	2,28	2,86	0,004314704	0,026974986	-3,105
ENSG00000151322	NPAS3	P coding	0,30	1,23	0,78	2,86	0,004317219	0,026984761	-3,105
ENSG00000171931	FBXW10	P coding	0,14	1,10	0,77	2,86	0,004326468	0,027036612	-3,107
ENSG00000196584	XRCC2	P coding	0,26	1,20	1,81	2,86	0,004327955	0,027039944	-3,108
ENSG00000178538	CA8	P coding	0,59	1,51	1,31	2,86	0,004331935	0,027058841	-3,109
ENSG00000205307	SAP25	P coding	0,32	1,25	0,52	2,86	0,004333311	0,027061477	-3,109
ENSG00000198929	NOS1AP	P coding	0,29	1,22	0,58	2,86	0,004338706	0,0270892	-3,110
ENSG00000258994	LINC02309	lncRNA	-0,58	-1,50	2,85	-2,86	0,004349646	0,027147193	-3,112
ENSG00000233672	RNASEH2B-AS1	lncRNA	0,21	1,15	1,29	2,86	0,00434991	0,027147193	-3,112
ENSG00000189079	ARID2	P coding	0,24	1,18	3,32	2,86	0,004355151	0,02717392	-3,113
ENSG00000269069	AC007842.1	PP	0,29	1,22	2,04	2,86	0,004359945	0,027197843	-3,114
ENSG00000254202	AC015522.1	lncRNA	0,16	1,12	1,23	2,86	0,004369303	0,027250221	-3,116
ENSG00000111012	CYP27B1	P coding	-0,32	-1,25	3,09	-2,86	0,004374872	0,027278951	-3,117
ENSG00000200885	RNU1-146P	snRNA	0,15	1,11	0,13	2,86	0,004377191	0,02728741	-3,118

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000100596	SPTLC2	P coding	0,24	1,18	2,80	2,86	0,004378905	0,027292094	-3,118
ENSG00000262074	SNORD3B-2	snoRNA	0,63	1,55	4,63	2,86	0,004389924	0,027354758	-3,121
ENSG00000166295	ANAPC16	P coding	0,23	1,17	7,46	2,86	0,004408375	0,027459056	-3,124
ENSG00000252105	RNU1-143P	snRNA	0,43	1,35	1,94	2,86	0,004409568	0,027459056	-3,125
ENSG00000173727	AP000769.1	TUP	0,34	1,27	2,12	2,86	0,004411884	0,027467443	-3,125
ENSG00000207574	MIR661	miRNA	0,47	1,39	1,19	2,86	0,004416175	0,027486942	-3,126
ENSG00000239774	AC125618.2	lncRNA	0,16	1,12	0,86	2,86	0,004417277	0,027486942	-3,126
ENSG00000177455	CD19	P coding	-0,67	-1,59	1,59	-2,86	0,004417925	0,027486942	-3,126
ENSG00000170581	STAT2	P coding	0,31	1,24	6,92	2,86	0,004424036	0,027514533	-3,128
ENSG00000214787	MS4A4E	P coding	0,20	1,15	0,85	2,86	0,004424301	0,027514533	-3,128
ENSG00000167900	TK1	P coding	0,42	1,34	2,92	2,86	0,004427977	0,027531352	-3,128
ENSG00000222370	SNORA36B	snoRNA	0,38	1,30	0,62	2,86	0,004437205	0,027582681	-3,130
ENSG00000233509	ZNF197-AS1	lncRNA	0,13	1,10	0,74	2,86	0,004441568	0,027603744	-3,131
ENSG0000010030	ETV7	P coding	0,50	1,41	0,98	2,86	0,004443095	0,027607185	-3,131
ENSG00000168329	CX3CR1	P coding	0,51	1,42	0,68	2,85	0,004448098	0,027632213	-3,132
ENSG00000117419	ERI3	P coding	0,19	1,14	5,03	2,85	0,004452138	0,02765125	-3,133
ENSG00000137337	MDC1	P coding	0,26	1,20	4,37	2,85	0,004484103	0,027843674	-3,140
ENSG00000132356	PRKAA1	P coding	-0,23	-1,17	5,32	-2,85	0,004492335	0,027885992	-3,141
ENSG00000138821	SLC39A8	P coding	0,30	1,23	5,90	2,85	0,004493336	0,027885992	-3,142
ENSG00000228668	TRGV5P	TR_V_pseudogene	-0,50	-1,41	2,56	-2,85	0,004493869	0,027885992	-3,142
ENSG00000213949	ITGA1	P coding	0,10	1,08	0,62	2,85	0,004499113	0,027912424	-3,143
ENSG0000021355	SERPINB1	P coding	0,29	1,22	5,60	2,85	0,00451202	0,027986369	-3,145
ENSG00000231170	AC002451.1	lncRNA	0,41	1,33	1,27	2,85	0,004514344	0,02799466	-3,146
ENSG00000244586	WNT5A-AS1	lncRNA	0,68	1,61	2,76	2,85	0,00451805	0,028011512	-3,147
ENSG00000203880	PCMTD2	P coding	0,28	1,22	5,73	2,85	0,00452153	0,028026963	-3,147
ENSG00000140057	AK7	P coding	0,13	1,09	0,65	2,85	0,004529973	0,028073158	-3,149
ENSG00000100603	SNW1	P coding	0,20	1,14	5,18	2,85	0,004532364	0,028081834	-3,149
ENSG00000102098	SCML2	P coding	0,21	1,16	0,73	2,85	0,004533744	0,028084243	-3,150
ENSG00000260588	AC027702.2	lncRNA	0,15	1,11	0,54	2,85	0,004535707	0,028090266	-3,150
ENSG00000225527	AL450384.1	lncRNA	0,14	1,10	0,37	2,85	0,00453933	0,028106563	-3,151
ENSG00000130511	SSBP4	P coding	-0,46	-1,37	4,83	-2,85	0,004540962	0,028110531	-3,151
ENSG00000135114	OASL	P coding	0,46	1,37	1,82	2,85	0,004554254	0,028186655	-3,154
ENSG00000115364	MRPL19	P coding	0,25	1,19	4,14	2,85	0,004556423	0,028193923	-3,154
ENSG00000253476	AC091185.1	lncRNA	0,21	1,15	1,88	2,85	0,004557692	0,028195619	-3,154
ENSG00000130638	ATXN10	P coding	0,20	1,15	6,05	2,85	0,00456056	0,028207207	-3,155
ENSG00000166341	DCHS1	P coding	-0,20	-1,15	0,93	-2,85	0,004562146	0,02821086	-3,155
ENSG00000105063	PPP6R1	P coding	-0,21	-1,15	6,14	-2,85	0,004570642	0,028257234	-3,157
ENSG00000134809	TIMM10	P coding	-0,23	-1,17	5,69	-2,85	0,004578729	0,028301056	-3,159
ENSG00000095303	PTGS1	P coding	-0,41	-1,33	1,40	-2,84	0,004585097	0,028334241	-3,160
ENSG00000263410	RN7SL460P	misc_RNA	0,23	1,17	0,94	2,84	0,004601649	0,028427945	-3,163
ENSG00000165795	NDRG2	P coding	0,50	1,41	3,42	2,84	0,00460251	0,028427945	-3,163
ENSG00000251349	MSANTD3-TMEFF1	P coding	-0,40	-1,32	0,85	-2,84	0,004603269	0,028427945	-3,163
ENSG00000204525	HLA-C	P coding	0,35	1,28	11,15	2,84	0,004608469	0,028453858	-3,164
ENSG00000199179	MIRLET7I	miRNA	0,50	1,42	2,97	2,84	0,004628173	0,028563069	-3,168
ENSG00000226245	ZNF32-AS1	lncRNA	0,22	1,17	0,89	2,84	0,004636474	0,028608075	-3,170
ENSG00000272108	AC244517.1	lncRNA	0,13	1,09	1,01	2,84	0,004639032	0,02861159	-3,170
ENSG00000182183	SHISAL2A	P coding	0,38	1,31	4,18	2,84	0,004639063	0,02861159	-3,170
ENSG00000254254	AC012349.1	lncRNA	0,18	1,13	1,33	2,84	0,004643086	0,028623946	-3,171

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000143303	RRNAD1	P coding	0,26	1,20	5,70	2,84	0,004652041	0,028672916	-3,173
ENSG00000244532	RN75L380P	misc_RNA	0,26	1,20	1,37	2,84	0,004654643	0,028677814	-3,173
ENSG00000178409	BEND3	P coding	0,18	1,13	1,31	2,84	0,004654859	0,028677814	-3,173
ENSG00000240889	NDUFB2-AS1	lncRNA	0,13	1,09	1,10	2,84	0,004656107	0,028679275	-3,174
ENSG00000089063	TMEM230	P coding	0,23	1,17	7,18	2,84	0,004658589	0,028683853	-3,174
ENSG00000127528	KLF2	P coding	0,51	1,42	9,22	2,84	0,004658875	0,028683853	-3,174
ENSG00000107021	TBC1D13	P coding	-0,18	-1,13	4,03	-2,84	0,004661885	0,028696156	-3,175
ENSG00000144199	FAHD2B	P coding	-0,22	-1,17	4,68	-2,84	0,004663289	0,028698564	-3,175
ENSG00000267737	AC087645.2	lncRNA	0,16	1,12	0,36	2,84	0,004674793	0,028763069	-3,177
ENSG00000128408	RIBC2	P coding	0,25	1,19	0,64	2,84	0,0046758	0,028763069	-3,178
ENSG00000080823	MOK	P coding	0,26	1,20	2,61	2,84	0,004680211	0,028783957	-3,178
ENSG00000206627	RNU6-969P	snRNA	-0,47	-1,39	1,11	-2,84	0,004689873	0,028837123	-3,180
ENSG00000230943	LINC02541	lncRNA	-0,67	-1,59	2,92	-2,84	0,004697099	0,028875291	-3,182
ENSG00000239969	AC091390.5	TUP	0,33	1,26	4,21	2,84	0,004704413	0,028913983	-3,183
ENSG00000068784	SRBD1	P coding	0,23	1,18	3,16	2,84	0,004706374	0,028919768	-3,183
ENSG00000100815	TRIP11	P coding	0,22	1,17	4,09	2,84	0,00471711	0,028973655	-3,185
ENSG00000217646	H2BC16P	PP	0,17	1,13	0,34	2,84	0,004717308	0,028973655	-3,185
ENSG00000145919	BOD1	P coding	-0,18	-1,14	5,10	-2,84	0,004719232	0,028973655	-3,186
ENSG00000254691	AP002812.3	lncRNA	0,19	1,14	1,35	2,84	0,004721178	0,028974274	-3,186
ENSG00000104892	KLC3	P coding	0,13	1,09	1,01	2,84	0,004721378	0,028974274	-3,186
ENSG00000133687	TMTC1	P coding	0,30	1,23	0,88	2,84	0,004723686	0,028982165	-3,187
ENSG00000178700	DHFR2	P coding	0,29	1,23	2,37	2,83	0,004730111	0,029009029	-3,188
ENSG00000251405	AC016571.1	lncRNA	-0,28	-1,22	1,31	-2,83	0,004735953	0,02903857	-3,189
ENSG00000267595	AC060780.3	unPP	0,48	1,40	5,19	2,83	0,004737908	0,029044279	-3,189
ENSG00000105146	AURKC	P coding	-0,24	-1,18	1,73	-2,83	0,004746616	0,029091368	-3,191
ENSG00000108639	SYNGR2	P coding	0,33	1,25	7,26	2,83	0,004766818	0,02920887	-3,195
ENSG00000240235	RN75L794P	misc_RNA	-0,25	-1,19	0,72	-2,83	0,004779553	0,029280571	-3,197
ENSG00000197013	ZNF429	P coding	0,32	1,25	2,43	2,83	0,004785278	0,029309312	-3,198
ENSG00000135185	TMEM243	P coding	-0,23	-1,18	7,36	-2,83	0,00478901	0,029325833	-3,199
ENSG00000202360	RN75SKP249	misc_RNA	0,16	1,12	0,52	2,83	0,004790972	0,029331507	-3,199
ENSG00000107796	ACTA2	P coding	0,23	1,17	1,50	2,83	0,004795469	0,0293527	-3,200
ENSG00000258701	LINC00638	lncRNA	0,16	1,12	0,65	2,83	0,004799689	0,029372189	-3,201
ENSG00000185339	TCN2	P coding	0,64	1,56	3,75	2,83	0,004805232	0,029393463	-3,202
ENSG00000249679	AC106897.2	lncRNA	0,44	1,35	4,68	2,83	0,004805239	0,029393463	-3,202
ENSG00000139160	ETFBKMT	P coding	0,19	1,14	1,90	2,83	0,004807763	0,029402557	-3,203
ENSG00000198740	ZNF652	P coding	0,20	1,15	3,41	2,83	0,004814029	0,029434526	-3,204
ENSG00000168679	SLC16A4	P coding	0,13	1,10	0,84	2,83	0,004815876	0,029439468	-3,204
ENSG00000267249	AP005482.4	lncRNA	0,15	1,11	1,76	2,83	0,004817498	0,029443036	-3,204
ENSG00000154358	OBSCN	P coding	0,52	1,43	2,81	2,83	0,004835232	0,029538682	-3,208
ENSG00000176393	RNPEP	P coding	0,24	1,18	4,74	2,83	0,004837001	0,029543119	-3,208
ENSG00000138640	FAM13A	P coding	-0,43	-1,35	5,17	-2,83	0,004846554	0,029595093	-3,210
ENSG00000127540	UQCR11	P coding	-0,21	-1,15	7,99	-2,83	0,004849666	0,029607718	-3,210
ENSG00000261654	AL360270.2	lncRNA	0,19	1,14	2,10	2,83	0,004852238	0,029617039	-3,211
ENSG00000226756	AC007365.1	lncRNA	0,22	1,16	0,93	2,83	0,004859417	0,029654472	-3,212
ENSG00000207174	SNORD116-15	snoRNA	0,53	1,45	1,50	2,83	0,004866991	0,029694301	-3,214
ENSG00000165023	DIRAS2	P coding	0,40	1,32	0,82	2,83	0,00487512	0,029733765	-3,215
ENSG00000168228	ZCCHC4	P coding	0,18	1,13	2,60	2,82	0,004875557	0,029733765	-3,215
ENSG00000260874	AC106820.5	lncRNA	0,21	1,16	0,99	2,82	0,004880906	0,029759984	-3,216

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000167083	GNGT2	P coding	-0,33	-1,26	0,86	-2,82	0,004882875	0,029761576	-3,217
ENSG00000229672	AL450322.2	lncRNA	0,18	1,13	0,47	2,82	0,004883267	0,029761576	-3,217
ENSG00000258744	AL132800.1	lncRNA	0,18	1,13	0,63	2,82	0,004888897	0,029782379	-3,218
ENSG00000163817	SLC6A20	P coding	0,18	1,13	1,17	2,82	0,004891197	0,029782379	-3,218
ENSG00000143344	RGL1	P coding	0,52	1,43	1,42	2,82	0,004892006	0,029782379	-3,218
ENSG00000114698	PLSCR4	P coding	0,35	1,28	0,71	2,82	0,004892117	0,029782379	-3,218
ENSG00000160679	CHTOP	P coding	0,26	1,20	5,61	2,82	0,004893486	0,029782379	-3,219
ENSG00000121895	TMEM156	P coding	-0,77	-1,71	5,03	-2,82	0,004894697	0,029782379	-3,219
ENSG00000257947	AC025030.2	lncRNA	0,17	1,12	0,77	2,82	0,004895086	0,029782379	-3,219
ENSG00000185485	SDHAP1	TUP	-0,23	-1,18	5,29	-2,82	0,004903756	0,029828728	-3,220
ENSG00000143633	C1orf131	P coding	0,23	1,17	3,63	2,82	0,004906149	0,029836881	-3,221
ENSG00000230651	RGPD4-AS1	lncRNA	0,23	1,17	2,60	2,82	0,004917446	0,029899167	-3,223
ENSG00000100422	CERK	P coding	0,30	1,23	5,76	2,82	0,004923867	0,02992537	-3,224
ENSG00000229399	AL592148.1	PP	0,20	1,15	1,05	2,82	0,004927674	0,029931754	-3,225
ENSG00000153531	ADPRHL1	P coding	-0,22	-1,16	0,89	-2,82	0,004927707	0,029931754	-3,225
ENSG00000226758	DISC1-IT1	lncRNA	0,22	1,16	1,88	2,82	0,004928085	0,029931754	-3,225
ENSG00000114503	NCBP2	P coding	-0,20	-1,15	5,97	-2,82	0,004933935	0,029956327	-3,226
ENSG00000265321	MIR4263	miRNA	0,51	1,42	1,69	2,82	0,004934244	0,029956327	-3,226
ENSG00000089692	LAG3	P coding	-0,84	-1,79	2,38	-2,82	0,004938654	0,029976678	-3,227
ENSG0000021300	PLEKHB1	P coding	-0,43	-1,34	2,66	-2,82	0,004950632	0,030042949	-3,229
ENSG00000134339	SAA2	P coding	-0,15	-1,11	0,77	-2,82	0,004952659	0,030048815	-3,229
ENSG00000187650	VMAC	P coding	-0,27	-1,21	3,85	-2,82	0,004956824	0,030067653	-3,230
ENSG00000260400	AL513534.3	lncRNA	0,30	1,23	2,06	2,82	0,00496103	0,030086727	-3,231
ENSG00000238279	BX470102.1	lncRNA	0,35	1,28	1,15	2,82	0,004962763	0,030090797	-3,231
ENSG00000269825	AC022150.4	lncRNA	0,22	1,16	1,27	2,82	0,004964379	0,030094159	-3,232
ENSG00000137055	PLAA	P coding	-0,20	-1,15	4,77	-2,82	0,00496853	0,030112884	-3,232
ENSG00000264386	MIR4513	miRNA	0,58	1,50	3,28	2,82	0,004970988	0,030121337	-3,233
ENSG00000174132	FAM174A	P coding	-0,34	-1,27	6,12	-2,82	0,004978597	0,030159356	-3,234
ENSG00000265871	MIR3174	miRNA	0,50	1,41	1,28	2,82	0,00497939	0,030159356	-3,234
ENSG00000207475	SNORA80E	snoRNA	0,49	1,41	2,73	2,82	0,004981987	0,03016864	-3,235
ENSG00000225335	AC016027.1	lncRNA	0,20	1,15	1,50	2,82	0,004984899	0,030179824	-3,235
ENSG00000142937	RPS8	P coding	-0,21	-1,16	11,22	-2,82	0,004988069	0,030192572	-3,236
ENSG00000143207	COP1	P coding	0,18	1,14	4,40	2,82	0,005006169	0,030295658	-3,239
ENSG00000267195	MIR212	miRNA	0,27	1,21	0,27	2,82	0,005008937	0,030305938	-3,240
ENSG00000269955	FMC1-LUC7L2	P coding	0,23	1,17	4,20	2,82	0,005020786	0,030371148	-3,242
ENSG00000261888	AC144831.1	lncRNA	0,17	1,12	0,23	2,81	0,005030566	0,030423818	-3,243
ENSG00000225411	CR786580.1	lncRNA	0,25	1,19	1,65	2,81	0,005038982	0,030461718	-3,245
ENSG00000124249	KCNK15	P coding	0,32	1,25	0,45	2,81	0,005041017	0,030467521	-3,245
ENSG00000201827	AC022296.1	snoRNA	0,36	1,28	0,87	2,81	0,005046986	0,030497093	-3,246
ENSG00000105479	CCDC114	P coding	-0,26	-1,20	1,15	-2,81	0,005056462	0,030541331	-3,248
ENSG00000117153	KLHL12	P coding	0,23	1,17	4,17	2,81	0,005060051	0,03054999	-3,249
ENSG00000189091	SF3B3	P coding	0,26	1,20	5,28	2,81	0,005063177	0,030562354	-3,249
ENSG00000165156	ZHX1	P coding	0,25	1,19	3,68	2,81	0,005067652	0,030582855	-3,250
ENSG00000223831	AC005006.1	lncRNA	0,21	1,16	0,77	2,81	0,005070361	0,030592686	-3,251
ENSG00000181444	ZNF467	P coding	0,46	1,38	1,80	2,81	0,005071627	0,030593818	-3,251
ENSG00000067248	DHX29	P coding	-0,18	-1,14	4,16	-2,81	0,005083448	0,030658597	-3,253
ENSG00000132612	VPS4A	P coding	0,20	1,14	5,80	2,81	0,005110677	0,030816263	-3,258
ENSG00000025800	KPNA6	P coding	0,18	1,14	3,44	2,81	0,005120838	0,030870963	-3,259

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000143869	GDF7	P coding	0,20	1,15	0,18	2,81	0,005126269	0,030896654	-3,260
ENSG00000013563	DNASE1L1	P coding	-0,27	-1,21	4,82	-2,81	0,005127279	0,030896654	-3,261
ENSG00000185745	IFIT1	P coding	0,69	1,62	3,38	2,81	0,005129094	0,030901022	-3,261
ENSG00000103426	CORO7-PAM16	P coding	0,16	1,12	0,31	2,81	0,005133716	0,030922296	-3,262
ENSG00000158113	LRRC43	P coding	-0,13	-1,09	0,41	-2,81	0,005138094	0,030935514	-3,263
ENSG00000202445	RNU6-669P	snRNA	0,18	1,13	0,13	2,81	0,00514343	0,03096107	-3,263
ENSG00000198625	MDM4	P coding	0,31	1,24	5,02	2,81	0,005146335	0,030961169	-3,264
ENSG00000218537	MIF-AS1	lncRNA	0,17	1,12	1,10	2,81	0,005146657	0,030961169	-3,264
ENSG00000071626	DAZAP1	P coding	0,15	1,11	6,76	2,81	0,005146965	0,030961169	-3,264
ENSG00000151532	VT11A	P coding	0,19	1,14	3,80	2,81	0,005147816	0,030961169	-3,264
ENSG00000234042	AL591438.2	PP	0,17	1,13	0,79	2,81	0,005150806	0,030963898	-3,265
ENSG00000151151	IPMK	P coding	0,19	1,14	2,09	2,81	0,005151426	0,030963898	-3,265
ENSG00000078369	GNB1	P coding	0,21	1,15	6,77	2,81	0,005151547	0,030963898	-3,265
ENSG00000168411	RFWD3	P coding	0,25	1,19	3,47	2,81	0,00515348	0,030966171	-3,265
ENSG00000102858	MGRN1	P coding	0,20	1,15	4,49	2,81	0,00515411	0,030966171	-3,265
ENSG00000185522	LMNTD2	P coding	-0,29	-1,22	3,94	-2,81	0,005157208	0,03097822	-3,266
ENSG00000162441	LZIC	P coding	0,25	1,19	3,75	2,81	0,00516095	0,03099316	-3,266
ENSG00000176974	SHMT1	P coding	0,34	1,27	3,26	2,81	0,00516263	0,03099316	-3,267
ENSG00000166128	RAB8B	P coding	-0,37	-1,30	4,02	-2,81	0,005162975	0,03099316	-3,267
ENSG00000158517	NCF1	P coding	-0,28	-1,21	5,83	-2,81	0,005168548	0,031020046	-3,268
ENSG00000079462	PAFAH1B3	P coding	-0,26	-1,20	4,06	-2,81	0,005172074	0,031034635	-3,268
ENSG00000182307	C8orf33	P coding	0,19	1,14	4,46	2,81	0,005175356	0,031047755	-3,269
ENSG00000140263	SORD	P coding	-0,39	-1,31	2,47	-2,81	0,005181728	0,031079404	-3,270
ENSG00000227906	SNAP25-AS1	lncRNA	0,17	1,12	0,27	2,81	0,005183267	0,031082057	-3,270
ENSG00000257231	DYNLL1P4	PP	0,14	1,10	0,27	2,80	0,005195104	0,031146449	-3,272
ENSG00000120519	SLC10A7	P coding	0,27	1,21	3,39	2,80	0,005199068	0,0311158	-3,273
ENSG00000144591	GMPPA	P coding	0,29	1,23	6,35	2,80	0,005199229	0,0311158	-3,273
ENSG00000271147	ARMCX5-GPRASP2	lncRNA	0,33	1,25	3,07	2,80	0,005201339	0,031164055	-3,274
ENSG00000053371	AKR7A2	P coding	0,28	1,21	4,22	2,80	0,005206312	0,031187263	-3,274
ENSG00000185127	C6orf120	P coding	0,24	1,18	4,46	2,80	0,005213873	0,031219361	-3,276
ENSG00000141367	CLTC	P coding	0,22	1,16	6,02	2,80	0,005215985	0,031219863	-3,276
ENSG00000135299	ANKRD6	P coding	-0,26	-1,20	3,60	-2,80	0,00521616	0,031219863	-3,276
ENSG00000166987	MBD6	P coding	0,26	1,20	4,99	2,80	0,005226103	0,031272769	-3,278
ENSG00000204311	PJVK	P coding	0,26	1,19	2,48	2,80	0,005239699	0,031347509	-3,280
ENSG00000100129	EIF3L	P coding	-0,20	-1,15	8,48	-2,80	0,005252412	0,031410309	-3,282
ENSG00000230593	PPIAP40	PP	0,24	1,18	1,49	2,80	0,005254142	0,031414026	-3,283
ENSG00000110852	CLEC2B	P coding	0,78	1,72	3,09	2,80	0,005257819	0,031427486	-3,283
ENSG00000229273	BX664615.1	PP	0,39	1,31	3,56	2,80	0,005259203	0,031427486	-3,283
ENSG00000236562	IFITM3P1	PP	0,18	1,13	0,26	2,80	0,005259719	0,031427486	-3,284
ENSG00000125895	TMEM74B	P coding	0,23	1,17	0,70	2,80	0,005268147	0,031471214	-3,285
ENSG00000170779	CDCA4	P coding	0,26	1,20	2,43	2,80	0,005278358	0,031525568	-3,287
ENSG00000174586	ZNF497	P coding	-0,18	-1,13	0,76	-2,80	0,005294689	0,031616441	-3,290
ENSG00000272359	RNU4-89P	snRNA	0,48	1,39	1,63	2,80	0,005301299	0,031649245	-3,291
ENSG00000263616	RN7SL178P	misc_RNA	0,17	1,12	0,51	2,80	0,00530246	0,031649513	-3,291
ENSG00000163159	VPS72	P coding	0,32	1,25	4,76	2,80	0,005307748	0,031674407	-3,292
ENSG00000143013	LMO4	P coding	0,32	1,25	6,98	2,80	0,005324653	0,031766095	-3,295
ENSG00000225062	CATIP-AS1	lncRNA	0,37	1,29	1,63	2,80	0,005326266	0,031766095	-3,295
ENSG00000255328	AC136475.5	lncRNA	0,44	1,35	2,31	2,80	0,00532834	0,031766095	-3,295

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000239005	AC097376.1	snoRNA	0,43	1,34	1,21	2,80	0,00532902	0,031766095	-3,295
ENSG00000117472	TSPAN1	P coding	-0,26	-1,20	0,79	-2,80	0,005330172	0,031766095	-3,296
ENSG00000262228	AC087392.3	lncRNA	0,11	1,08	0,62	2,80	0,005330872	0,031766095	-3,296
ENSG00000242086	MUC20-OT1	lncRNA	-0,26	-1,20	6,31	-2,80	0,005330957	0,031766095	-3,296
ENSG00000258803	AL355103.1	lncRNA	0,10	1,07	0,49	2,80	0,005335305	0,031785323	-3,296
ENSG00000103657	HERC1	P coding	-0,23	-1,17	5,25	-2,80	0,005340672	0,031810606	-3,297
ENSG00000119608	PROX2	P coding	-0,13	-1,09	0,48	-2,79	0,005353119	0,031878049	-3,299
ENSG00000170634	ACYP2	P coding	0,21	1,15	5,07	2,79	0,005356111	0,031889164	-3,300
ENSG00000204116	CHIC1	P coding	0,23	1,17	2,92	2,79	0,005359485	0,031898071	-3,300
ENSG00000259212	AC103739.1	lncRNA	-0,33	-1,26	1,61	-2,79	0,005359857	0,031898071	-3,301
ENSG00000064490	RFXANK	P coding	-0,17	-1,12	6,43	-2,79	0,005361486	0,031901066	-3,301
ENSG00000152642	GPD1L	P coding	-0,24	-1,18	3,75	-2,79	0,005376172	0,031980479	-3,303
ENSG00000104998	IL27RA	P coding	0,56	1,48	3,79	2,79	0,005377425	0,031980479	-3,303
ENSG00000143442	POGZ	P coding	0,25	1,19	5,35	2,79	0,005379204	0,031980479	-3,304
ENSG00000103363	ELOB	P coding	0,18	1,13	7,70	2,79	0,005379345	0,031980479	-3,304
ENSG00000254756	AP001107.6	lncRNA	-0,16	-1,12	0,78	-2,79	0,005383475	0,031998321	-3,304
ENSG00000172725	CORO1B	P coding	0,35	1,27	5,41	2,79	0,005387128	0,032010755	-3,305
ENSG00000141002	TCF25	P coding	0,25	1,19	7,02	2,79	0,005387826	0,032010755	-3,305
ENSG00000205038	PKHD1L1	P coding	-0,35	-1,27	4,76	-2,79	0,005398129	0,032065246	-3,307
ENSG00000107949	BCCIP	P coding	0,16	1,12	5,51	2,79	0,005404995	0,032099304	-3,308
ENSG00000249948	GBA3	polymorphic_p seudogene	-0,84	-1,79	3,41	-2,79	0,005407071	0,032104912	-3,308
ENSG00000200170	AL607035.1	misc_ RNA	0,61	1,52	2,72	2,79	0,005410823	0,03212046	-3,309
ENSG00000169727	GPS1	P coding	0,20	1,15	5,84	2,79	0,005416375	0,032141679	-3,310
ENSG00000204576	PRR3	P coding	0,20	1,15	3,97	2,79	0,005416666	0,032141679	-3,310
ENSG00000201955	RNY3P1	misc_ RNA	0,37	1,29	0,50	2,79	0,005425151	0,03217856	-3,311
ENSG00000120370	GORAB	P coding	0,27	1,20	4,46	2,79	0,0054314	0,032208882	-3,312
ENSG00000160404	TOR2A	P coding	-0,22	-1,17	4,96	-2,79	0,005435879	0,032228704	-3,313
ENSG00000255292	AP002884.2	P coding	-0,19	-1,14	0,95	-2,79	0,005445028	0,032276193	-3,315
ENSG00000236675	MTX1P1	unPP	0,22	1,16	1,01	2,79	0,005449807	0,032297771	-3,316
ENSG00000270100	AC012065.4	lncRNA	0,19	1,14	0,66	2,79	0,005454395	0,032318201	-3,316
ENSG00000127804	METTL16	P coding	0,20	1,15	3,34	2,79	0,005459899	0,032344055	-3,317
ENSG00000070182	SPTB	P coding	0,39	1,31	1,21	2,79	0,005466704	0,032377602	-3,318
ENSG00000228412	LNC-LBCS	lncRNA	0,17	1,13	0,17	2,79	0,005470145	0,03239121	-3,319
ENSG00000262172	AC116025.2	lncRNA	0,33	1,26	0,50	2,79	0,005479011	0,032436936	-3,320
ENSG00000249349	AC114928.1	lncRNA	0,20	1,15	2,01	2,79	0,005480162	0,032436977	-3,321
ENSG00000270926	AC008013.4	unPP	0,26	1,20	1,00	2,79	0,005491642	0,032498142	-3,322
ENSG00000225796	MTND4P23	unPP	0,18	1,13	0,75	2,79	0,005497166	0,03252404	-3,323
ENSG00000183386	FHL3	P coding	0,32	1,25	0,94	2,79	0,005499093	0,032528648	-3,324
ENSG00000154721	JAM2	P coding	0,28	1,21	0,89	2,79	0,005501485	0,03253601	-3,324
ENSG00000236423	LINC01134	lncRNA	0,23	1,17	1,15	2,79	0,005507448	0,032562717	-3,325
ENSG00000138674	SEC31A	P coding	0,22	1,17	7,00	2,79	0,005508298	0,032562717	-3,325
ENSG00000221988	PPT2	P coding	-0,47	-1,39	3,38	-2,79	0,005510404	0,032568369	-3,325
ENSG00000240021	TEX35	P coding	0,19	1,14	1,67	2,78	0,005517138	0,032601373	-3,327
ENSG00000150593	PDCD4	P coding	-0,42	-1,34	7,25	-2,78	0,005529786	0,032660134	-3,329
ENSG00000111237	VPS29	P coding	0,17	1,12	7,27	2,78	0,005530053	0,032660134	-3,329
ENSG00000139910	NOVA1	P coding	0,21	1,16	0,29	2,78	0,005530538	0,032660134	-3,329
ENSG00000234263	MAP3K5-AS1	lncRNA	0,13	1,10	0,43	2,78	0,005537459	0,03269419	-3,330
ENSG00000131966	ACTR10	P coding	0,21	1,15	5,12	2,78	0,005540488	0,03270526	-3,330

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000100605	ITPK1	P coding	0,30	1,23	4,06	2,78	0,005545184	0,032726167	-3,331
ENSG00000031003	FAM13B	P coding	-0,21	-1,16	3,71	-2,78	0,005557067	0,03278947	-3,333
ENSG00000186654	PRR5	P coding	0,63	1,55	3,46	2,78	0,005559029	0,032794223	-3,333
ENSG00000099385	BCL7C	P coding	0,21	1,16	3,85	2,78	0,005567536	0,032837573	-3,335
ENSG00000136485	DCAF7	P coding	0,20	1,15	4,15	2,78	0,005568779	0,032838069	-3,335
ENSG00000200428	AC078818.1	misc_RNA	0,47	1,39	1,43	2,78	0,005571065	0,032838269	-3,335
ENSG00000204188	GGNBP1	TUnP	-0,14	-1,10	0,51	-2,78	0,00557113	0,032838269	-3,335
ENSG00000188760	TMEM198	P coding	-0,30	-1,23	4,07	-2,78	0,005587445	0,032927589	-3,338
ENSG00000196642	RABL6	P coding	-0,17	-1,13	5,98	-2,78	0,005591005	0,032941721	-3,339
ENSG00000236054	Z82246.1	lncRNA	-0,21	-1,16	0,81	-2,78	0,005601098	0,032987479	-3,340
ENSG00000186812	ZNF397	P coding	0,29	1,22	3,94	2,78	0,005604238	0,032999115	-3,341
ENSG00000176623	RMDN1	P coding	0,23	1,17	5,33	2,78	0,00563313	0,033155461	-3,345
ENSG00000253524	AC124290.2	lncRNA	-0,53	-1,44	1,54	-2,78	0,005635547	0,033157693	-3,346
ENSG00000105619	TFPT	P coding	-0,19	-1,14	4,07	-2,78	0,005635849	0,033157693	-3,346
ENSG00000223803	RPS20P14	PP	-0,13	-1,09	0,39	-2,78	0,005641726	0,033185382	-3,347
ENSG00000257365	FNTB	P coding	0,22	1,17	3,40	2,78	0,005645257	0,033196025	-3,347
ENSG00000116711	PLA2G4A	P coding	0,37	1,30	2,58	2,78	0,005646463	0,033196025	-3,347
ENSG00000108771	DHX58	P coding	0,41	1,32	3,35	2,78	0,005651883	0,033217559	-3,348
ENSG00000267383	AC011447.3	lncRNA	0,27	1,21	3,53	2,78	0,0056725	0,033323894	-3,352
ENSG00000234332	BCAS2P2	PP	0,19	1,14	0,30	2,78	0,005673503	0,033323894	-3,352
ENSG00000092330	TINF2	P coding	0,20	1,15	5,77	2,77	0,005684436	0,033381193	-3,353
ENSG00000255478	AP000944.1	lncRNA	0,14	1,10	1,07	2,77	0,005689544	0,033397355	-3,354
ENSG00000212829	RPS26P3	PP	0,13	1,10	0,55	2,77	0,005698851	0,03344501	-3,356
ENSG00000265374	LINC01908	lncRNA	0,16	1,12	0,69	2,77	0,005700023	0,03344501	-3,356
ENSG00000267765	AC100793.3	lncRNA	0,29	1,22	1,05	2,77	0,00570164	0,033447576	-3,356
ENSG00000118596	SLC16A7	P coding	0,33	1,25	3,56	2,77	0,005704114	0,033455165	-3,357
ENSG00000273284	AP001033.4	lncRNA	0,27	1,21	1,76	2,77	0,00570845	0,033473671	-3,357
ENSG00000111196	MAGOHB	P coding	0,28	1,21	4,68	2,77	0,005711794	0,033481667	-3,358
ENSG00000258891	AC005480.1	lncRNA	0,17	1,13	1,22	2,77	0,005713238	0,033481667	-3,358
ENSG00000135919	SERPINE2	P coding	0,76	1,69	1,72	2,77	0,005713357	0,033481667	-3,358
ENSG00000259617	AC020661.3	lncRNA	-0,17	-1,12	0,51	-2,77	0,005725111	0,033543615	-3,360
ENSG00000103275	UBE2I	P coding	0,20	1,15	6,14	2,77	0,005728604	0,033557142	-3,360
ENSG00000182459	TEX19	P coding	-0,20	-1,15	0,50	-2,77	0,005730373	0,033560568	-3,361
ENSG00000160087	UBE2J2	P coding	0,17	1,13	5,36	2,77	0,005733272	0,03357061	-3,361
ENSG00000232533	AC093673.1	lncRNA	0,45	1,37	1,87	2,77	0,005737453	0,033588156	-3,362
ENSG00000132196	HSD17B7	P coding	0,26	1,20	4,36	2,77	0,005752343	0,033668371	-3,364
ENSG00000239382	ALKBH6	P coding	-0,19	-1,14	4,42	-2,77	0,005756427	0,033685319	-3,365
ENSG00000236830	CBR3-AS1	lncRNA	0,18	1,13	1,14	2,77	0,005758452	0,033690214	-3,365
ENSG00000197934	CYYR1-AS1	lncRNA	0,11	1,08	0,88	2,77	0,005762817	0,033704871	-3,366
ENSG00000258177	AC008149.1	lncRNA	0,24	1,18	1,53	2,77	0,005763336	0,033704871	-3,366
ENSG00000243574	AC006148.2	lncRNA	-0,27	-1,21	0,92	-2,77	0,005765583	0,033710168	-3,366
ENSG00000124783	SSR1	P coding	0,25	1,19	7,44	2,77	0,00576662	0,033710168	-3,366
ENSG00000235280	MCF2L-AS1	lncRNA	0,54	1,45	1,35	2,77	0,005767843	0,033710365	-3,366
ENSG00000112531	QKI	P coding	0,28	1,21	4,75	2,77	0,005771471	0,033724616	-3,367
ENSG00000162910	MRPL55	P coding	0,23	1,17	6,71	2,77	0,005773781	0,033731163	-3,367
ENSG00000259404	EFL1P1	TUP	-0,24	-1,18	0,61	-2,77	0,005783951	0,033776083	-3,369
ENSG00000235795	AC093157.2	lncRNA	0,16	1,12	0,96	2,77	0,005784316	0,033776083	-3,369
ENSG00000199370	AC083849.1	snoRNA	-0,55	-1,46	0,97	-2,77	0,005785133	0,033776083	-3,369

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000160948	VPS28	P coding	0,17	1,12	7,17	2,77	0,005786298	0,033776083	-3,369
ENSG00000165527	ARF6	P coding	0,24	1,18	6,45	2,77	0,005787428	0,033776083	-3,370
ENSG00000214226	C17orf67	P coding	0,27	1,20	1,86	2,77	0,005793426	0,033796197	-3,370
ENSG00000239039	SNORD13	snoRNA	0,81	1,76	3,88	2,77	0,005793853	0,033796197	-3,371
ENSG00000179820	MYADM	P coding	0,93	1,91	3,94	2,77	0,005794451	0,033796197	-3,371
ENSG00000233040	FAM204BP	PP	0,14	1,10	0,33	2,77	0,005795771	0,033796938	-3,371
ENSG00000269834	ZNF528-AS1	lncRNA	0,24	1,18	1,73	2,77	0,005797955	0,033802724	-3,371
ENSG00000230898	AL596087.3	lncRNA	0,19	1,14	1,30	2,77	0,005804513	0,033833062	-3,372
ENSG00000124357	NAGK	P coding	0,27	1,21	5,96	2,77	0,005806027	0,033833062	-3,372
ENSG00000165591	FAAH2	P coding	0,35	1,28	3,97	2,77	0,005807264	0,033833062	-3,373
ENSG00000196263	ZNF471	P coding	0,23	1,17	1,43	2,77	0,005809127	0,033833062	-3,373
ENSG00000196954	CASP4	P coding	-0,32	-1,24	6,45	-2,77	0,005810783	0,033835754	-3,373
ENSG00000135801	TAF5L	P coding	0,25	1,19	4,12	2,77	0,005813418	0,033844148	-3,374
ENSG00000143947	RPS27A	P coding	-0,19	-1,14	11,07	-2,77	0,005818201	0,033865035	-3,374
ENSG00000264916	RN7SL230P	misc_RNA	0,19	1,14	0,71	2,77	0,005834068	0,033950416	-3,377
ENSG00000172458	IL17D	P coding	-0,20	-1,15	0,77	-2,77	0,005840418	0,033980394	-3,378
ENSG00000117385	P3H1	P coding	0,22	1,16	4,40	2,77	0,005848312	0,034019341	-3,379
ENSG00000132932	ATP8A2	P coding	-0,43	-1,35	1,26	-2,77	0,005855425	0,034053729	-3,380
ENSG00000134717	BTF3L4	P coding	0,20	1,15	5,08	2,76	0,005868872	0,034117935	-3,382
ENSG00000172840	PDP2	P coding	0,24	1,18	2,05	2,76	0,005879811	0,03417452	-3,384
ENSG00000230946	HNRNPA1P68	PP	0,12	1,09	0,39	2,76	0,005885449	0,034194062	-3,385
ENSG00000187492	CDHR4	P coding	0,14	1,10	0,52	2,76	0,005885586	0,034194062	-3,385
ENSG00000140829	DHX38	P coding	0,25	1,19	5,26	2,76	0,005895923	0,034240079	-3,386
ENSG00000140367	UBE2Q2	P coding	-0,26	-1,19	5,26	-2,76	0,005911827	0,03432109	-3,389
ENSG00000235077	AC073842.1	lncRNA	0,20	1,15	0,89	2,76	0,005912294	0,03432109	-3,389
ENSG00000075420	FNDC3B	P coding	-0,26	-1,20	6,57	-2,76	0,005914226	0,034325278	-3,389
ENSG00000200332	Z83840.1	misc_RNA	0,48	1,39	1,26	2,76	0,005922352	0,034365401	-3,390
ENSG00000258949	AL049870.3	lncRNA	0,24	1,18	1,11	2,76	0,00592463	0,034371587	-3,391
ENSG00000114013	CD86	P coding	0,61	1,52	3,64	2,76	0,005927355	0,034380356	-3,391
ENSG00000128040	SPINK2	P coding	0,56	1,47	1,96	2,76	0,0059308	0,034388275	-3,392
ENSG00000102362	SYTL4	P coding	0,18	1,13	0,65	2,76	0,005931146	0,034388275	-3,392
ENSG00000120158	RCL1	P coding	-0,19	-1,14	4,43	-2,76	0,005934376	0,034399966	-3,392
ENSG00000259332	ST20-MTHFS	P coding	0,24	1,18	0,74	2,76	0,005942795	0,034434684	-3,393
ENSG00000176595	KBTBD11	P coding	0,19	1,14	0,27	2,76	0,005950721	0,034473563	-3,395
ENSG00000054654	SYNE2	P coding	0,40	1,32	4,54	2,76	0,005958089	0,034509196	-3,396
ENSG00000137992	DBT	P coding	0,20	1,15	2,47	2,76	0,005960979	0,034518878	-3,396
ENSG00000205959	AC105345.1	lncRNA	0,20	1,15	1,13	2,76	0,005963396	0,034525824	-3,396
ENSG00000223908	AC068657.2	PP	0,13	1,10	0,37	2,76	0,005967998	0,034545413	-3,397
ENSG00000248131	LINC01194	lncRNA	0,26	1,20	0,64	2,76	0,005975082	0,034572294	-3,398
ENSG00000155275	TRMT44	P coding	0,20	1,15	3,51	2,76	0,005976363	0,034572652	-3,398
ENSG00000178722	C5orf64	lncRNA	-0,29	-1,22	0,95	-2,76	0,005978468	0,034577772	-3,399
ENSG00000272264	AC009686.2	lncRNA	0,31	1,24	2,21	2,76	0,005983976	0,034602567	-3,400
ENSG00000171490	RSL1D1	P coding	-0,22	-1,17	6,55	-2,76	0,005989462	0,034627224	-3,400
ENSG00000166548	TK2	P coding	0,29	1,22	4,92	2,76	0,005993472	0,034637833	-3,401
ENSG00000244676	AL109761.1	lncRNA	0,34	1,26	3,27	2,76	0,005994707	0,034637833	-3,401
ENSG00000140961	OSGIN1	P coding	0,26	1,20	1,72	2,76	0,005994963	0,034637833	-3,401
ENSG00000154040	CABYR	P coding	0,16	1,12	0,53	2,76	0,005996827	0,034641544	-3,401
ENSG00000258181	AC008083.3	lncRNA	-0,39	-1,31	2,65	-2,76	0,006002599	0,034660761	-3,402

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000269460	AC005515.2	lncRNA	0,39	1,31	0,75	2,76	0,006015488	0,034728111	-3,404
ENSG00000089902	RCOR1	P coding	0,25	1,19	2,61	2,76	0,006017529	0,034732819	-3,405
ENSG00000253138	LINC00967	lncRNA	0,28	1,22	1,93	2,76	0,006020178	0,034741033	-3,405
ENSG00000254231	AC103760.1	lncRNA	0,12	1,09	0,99	2,76	0,006024745	0,034760316	-3,406
ENSG00000169432	SCN9A	P coding	0,43	1,35	1,78	2,76	0,006028955	0,034771227	-3,406
ENSG00000177595	PIDD1	P coding	-0,21	-1,16	4,39	-2,76	0,00602909	0,034771227	-3,406
ENSG00000202461	AL096840.1	misc_RNA	0,49	1,40	1,62	2,75	0,006056776	0,034913262	-3,410
ENSG00000147912	FBXO10	P coding	-0,34	-1,27	4,54	-2,75	0,006056946	0,034913262	-3,410
ENSG00000112242	E2F3	P coding	-0,26	-1,20	3,41	-2,75	0,006057413	0,034913262	-3,410
ENSG00000144369	FAM171B	P coding	0,37	1,30	1,49	2,75	0,006064989	0,03494982	-3,412
ENSG00000250988	SNHG21	lncRNA	0,26	1,20	3,70	2,75	0,006076119	0,035003774	-3,413
ENSG00000242299	AC073861.1	PP	-0,21	-1,15	2,69	-2,75	0,006076821	0,035003774	-3,413
ENSG00000271833	AL445222.2	lncRNA	-0,24	-1,18	1,16	-2,75	0,006087492	0,035058113	-3,415
ENSG00000267871	ZNF460-AS1	lncRNA	0,28	1,21	2,14	2,75	0,006095019	0,035094333	-3,416
ENSG00000257506	AC133555.1	unPP	0,19	1,14	0,22	2,75	0,006098101	0,035102342	-3,416
ENSG00000165661	QSOX2	P coding	-0,29	-1,22	4,39	-2,75	0,006098886	0,035102342	-3,417
ENSG00000252003	RNU7-154P	snRNA	-0,34	-1,26	0,54	-2,75	0,006102192	0,035114239	-3,417
ENSG00000174996	KLC2	P coding	-0,22	-1,16	4,77	-2,75	0,006110078	0,035152483	-3,418
ENSG00000165271	NOL6	P coding	-0,22	-1,16	4,98	-2,75	0,006112108	0,035157026	-3,419
ENSG00000259274	AC107241.1	lncRNA	0,15	1,11	0,66	2,75	0,006115413	0,035168896	-3,419
ENSG00000159685	CHCHD6	P coding	-0,25	-1,19	3,46	-2,75	0,006119281	0,03517687	-3,420
ENSG00000206848	RNU6-890P	snRNA	-0,55	-1,46	2,46	-2,75	0,006122164	0,035186305	-3,420
ENSG00000054967	RELT	P coding	-0,39	-1,31	3,44	-2,75	0,006137185	0,035256026	-3,422
ENSG00000233476	EEF1A1P6	PP	-0,22	-1,16	3,27	-2,75	0,006138026	0,035256026	-3,422
ENSG00000237718	AC009095.1	lncRNA	0,19	1,14	1,17	2,75	0,006143418	0,035279845	-3,423
ENSG00000100221	JOSD1	P coding	0,27	1,21	4,92	2,75	0,006147393	0,035295522	-3,424
ENSG00000241679	AC018450.1	lncRNA	-0,62	-1,54	2,96	-2,75	0,006155497	0,035334896	-3,425
ENSG00000113734	BNIP1	P coding	-0,19	-1,14	3,55	-2,75	0,006167697	0,035397758	-3,427
ENSG00000197380	DACT3	P coding	0,09	1,06	0,67	2,75	0,00616981	0,035398015	-3,427
ENSG00000146859	TMEM140	P coding	0,27	1,20	5,14	2,75	0,006170239	0,035398015	-3,427
ENSG00000185267	CDNF	P coding	0,28	1,21	3,23	2,75	0,006178911	0,035440593	-3,428
ENSG00000257594	GALNT4	P coding	0,25	1,19	2,78	2,75	0,006180555	0,035442852	-3,429
ENSG00000100220	RTCB	P coding	0,23	1,17	5,28	2,75	0,006181897	0,035443375	-3,429
ENSG00000268869	ESPNP	TUP	-0,51	-1,43	1,17	-2,75	0,006186804	0,035460844	-3,429
ENSG00000159593	NAE1	P coding	0,19	1,14	5,17	2,75	0,006187446	0,035460844	-3,430
ENSG00000249717	PARM1-AS1	lncRNA	0,23	1,17	0,61	2,75	0,006191892	0,035479154	-3,430
ENSG00000233175	AC008105.1	lncRNA	-0,27	-1,21	2,36	-2,75	0,006193442	0,035480863	-3,430
ENSG00000230565	ZNF32-AS2	lncRNA	0,27	1,20	1,71	2,75	0,006199516	0,03550848	-3,431
ENSG00000198373	WWP2	P coding	0,21	1,15	4,18	2,75	0,006208951	0,035555338	-3,433
ENSG00000137502	RAB30	P coding	-0,45	-1,37	6,14	-2,74	0,006223157	0,035629493	-3,435
ENSG00000205707	ETFRF1	P coding	0,24	1,18	5,67	2,74	0,006232466	0,035668377	-3,436
ENSG00000182179	UBA7	P coding	-0,37	-1,30	6,83	-2,74	0,006242877	0,035720749	-3,438
ENSG00000235813	AL672032.1	lncRNA	0,10	1,07	0,54	2,74	0,006259367	0,035807876	-3,440
ENSG00000099804	CDC34	P coding	-0,17	-1,12	5,52	-2,74	0,006267175	0,03584531	-3,441
ENSG00000156466	GDF6	P coding	0,27	1,20	0,49	2,74	0,006270733	0,035858425	-3,442
ENSG00000166595	CIAO2B	P coding	0,21	1,16	6,39	2,74	0,006275856	0,035880476	-3,442
ENSG00000255183	LINC02711	lncRNA	-0,27	-1,21	0,64	-2,74	0,006278208	0,035886685	-3,443
ENSG00000142173	COL6A2	P coding	0,38	1,30	0,75	2,74	0,006280632	0,035889769	-3,443

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000232164	LINC01873	lncRNA	0,32	1,25	3,82	2,74	0,006281279	0,035889769	-3,443
ENSG00000144218	AFF3	P coding	0,15	1,11	0,77	2,74	0,006284908	0,035903267	-3,444
ENSG00000221838	AP4M1	P coding	-0,20	-1,15	3,96	-2,74	0,006291415	0,035927693	-3,444
ENSG000000089101	CFAP61	P coding	-0,38	-1,30	0,78	-2,74	0,006291719	0,035927693	-3,445
ENSG00000273275	AC017083.2	lncRNA	0,23	1,18	3,66	2,74	0,006293427	0,03593021	-3,445
ENSG00000167671	UBXN6	P coding	-0,17	-1,12	6,39	-2,74	0,006306168	0,035993065	-3,447
ENSG00000135823	STX6	P coding	0,23	1,18	2,99	2,74	0,006306976	0,035993065	-3,447
ENSG00000267707	AC015961.2	lncRNA	0,15	1,11	0,49	2,74	0,006309894	0,036002465	-3,447
ENSG00000137878	GCOM1	P coding	0,26	1,20	0,46	2,74	0,006313	0,036012938	-3,448
ENSG00000165934	CPSF2	P coding	0,24	1,18	4,05	2,74	0,006327694	0,0360895	-3,450
ENSG00000225289	RPL29P29	PP	-0,24	-1,18	0,57	-2,74	0,006339176	0,036137875	-3,451
ENSG00000178458	H3P16	PP	0,20	1,15	1,06	2,74	0,006346036	0,036165004	-3,452
ENSG00000232879	AL591806.2	PP	0,30	1,23	0,73	2,74	0,006360333	0,036239195	-3,454
ENSG00000215472	RPL17-C18orf32	P coding	-0,28	-1,22	2,17	-2,74	0,006380175	0,036344947	-3,457
ENSG00000230658	KLHL7-DT	lncRNA	0,16	1,12	1,92	2,74	0,006388735	0,036386392	-3,458
ENSG00000165891	E2F7	P coding	0,40	1,32	1,61	2,74	0,006394033	0,036409251	-3,459
ENSG00000169740	ZNF32	P coding	0,29	1,23	4,51	2,74	0,006395966	0,036412946	-3,459
ENSG00000136021	SCYL2	P coding	-0,43	-1,35	5,95	-2,74	0,006405475	0,036451948	-3,461
ENSG00000238045	AC009133.1	lncRNA	0,25	1,19	2,99	2,74	0,006406597	0,036451948	-3,461
ENSG00000002933	TMEM176A	P coding	0,54	1,45	1,29	2,74	0,006406675	0,036451948	-3,461
ENSG00000249738	AC008691.1	lncRNA	0,25	1,19	0,35	2,73	0,006412164	0,036475859	-3,462
ENSG00000198551	ZNF627	P coding	0,19	1,14	3,05	2,73	0,006414056	0,036479299	-3,462
ENSG00000185905	C16orf54	P coding	0,58	1,50	5,03	2,73	0,006417598	0,03649212	-3,462
ENSG00000227611	LINC01074	lncRNA	-0,28	-1,21	0,46	-2,73	0,006421459	0,036501587	-3,463
ENSG00000139433	GLTP	P coding	0,19	1,14	4,03	2,73	0,006421838	0,036501587	-3,463
ENSG00000107242	PIP5K1B	P coding	-0,40	-1,32	5,44	-2,73	0,006424153	0,036507425	-3,463
ENSG00000127334	DYRK2	P coding	0,34	1,27	2,85	2,73	0,006425768	0,036509282	-3,463
ENSG00000251580	LINC02482	lncRNA	0,31	1,24	1,60	2,73	0,006428276	0,036509929	-3,464
ENSG00000234329	AL604028.2	PP	0,19	1,14	1,11	2,73	0,006428457	0,036509929	-3,464
ENSG00000140400	MAN2C1	P coding	-0,24	-1,18	7,92	-2,73	0,006433916	0,036527428	-3,465
ENSG00000269667	AC092723.1	lncRNA	0,16	1,12	0,93	2,73	0,006434116	0,036527428	-3,465
ENSG00000196724	ZNF418	P coding	0,35	1,27	1,31	2,73	0,006437857	0,036535938	-3,465
ENSG0000026025	VIM	P coding	0,44	1,36	10,28	2,73	0,006438193	0,036535938	-3,465
ENSG00000116128	BCL9	P coding	0,32	1,25	3,91	2,73	0,006450342	0,036597556	-3,467
ENSG00000118246	FASTKD2	P coding	0,19	1,14	4,02	2,73	0,006454399	0,036613249	-3,467
ENSG00000117242	PINK1-AS	lncRNA	0,23	1,17	2,10	2,73	0,006461661	0,036637447	-3,468
ENSG00000178449	COX14	P coding	0,17	1,13	5,76	2,73	0,006462543	0,036637447	-3,469
ENSG00000243422	RPL23AP49	TPP	0,38	1,30	0,71	2,73	0,006464231	0,036639693	-3,469
ENSG00000139626	ITGB7	P coding	0,74	1,67	6,88	2,73	0,006470796	0,03666957	-3,470
ENSG00000185591	SP1	P coding	0,26	1,19	4,04	2,73	0,006472667	0,036672838	-3,470
ENSG00000153029	MR1	P coding	0,26	1,20	4,49	2,73	0,0064745	0,036675893	-3,470
ENSG00000170819	BFSP2	P coding	-0,45	-1,37	3,58	-2,73	0,00648317	0,036707493	-3,471
ENSG00000178741	COX5A	P coding	-0,24	-1,18	8,78	-2,73	0,006483963	0,036707493	-3,472
ENSG00000255046	AC069185.1	lncRNA	0,18	1,13	1,23	2,73	0,006491298	0,036741678	-3,473
ENSG00000223525	RABGAP1L-IT1	lncRNA	0,27	1,20	3,46	2,73	0,006506683	0,036821411	-3,475
ENSG00000140455	USP3	P coding	-0,27	-1,21	5,73	-2,73	0,006511879	0,036839605	-3,475
ENSG00000133328	PLAAT2	P coding	0,73	1,66	2,40	2,73	0,006514801	0,03684528	-3,476
ENSG00000187244	BCAM	P coding	0,25	1,19	1,43	2,73	0,006521551	0,036868745	-3,477

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000134152	KATNB1	P coding	-0,20	-1,15	5,29	-2,73	0,006525939	0,036886193	-3,477
ENSG00000231233	CFAP58-DT	lncRNA	0,57	1,49	2,70	2,73	0,006529008	0,036896186	-3,478
ENSG00000070269	TMEM260	P coding	0,27	1,20	3,64	2,73	0,006536359	0,036930362	-3,479
ENSG00000117425	PTCH2	P coding	0,28	1,22	1,76	2,73	0,006538883	0,036937262	-3,479
ENSG00000268230	AC012313.3	lncRNA	-0,17	-1,13	0,59	-2,73	0,006540577	0,03693947	-3,479
ENSG00000129993	CBFA2T3	P coding	0,36	1,28	5,01	2,73	0,006561318	0,037043851	-3,482
ENSG00000136710	CCDC115	P coding	0,22	1,16	4,11	2,73	0,006561673	0,037043851	-3,482
ENSG00000184254	ALDH1A3	P coding	0,22	1,16	0,96	2,73	0,006565804	0,03705979	-3,483
ENSG00000233358	AL035401.1	lncRNA	0,17	1,13	0,72	2,73	0,006568657	0,037068513	-3,483
ENSG00000160766	GBAP1	TUP	0,34	1,26	2,32	2,73	0,006572898	0,037085064	-3,484
ENSG00000254495	AP000487.2	lncRNA	0,20	1,14	1,16	2,73	0,00658707	0,037157632	-3,486
ENSG00000267177	AP002505.1	lncRNA	0,29	1,23	2,42	2,73	0,006589727	0,037157826	-3,486
ENSG00000151461	UPF2	P coding	0,18	1,13	3,51	2,73	0,006591265	0,037159108	-3,486
ENSG00000175305	CCNE2	P coding	0,36	1,28	3,51	2,73	0,00659602	0,037178521	-3,487
ENSG00000134548	SPX	P coding	0,27	1,21	0,67	2,73	0,006600303	0,037186207	-3,487
ENSG00000184293	CLECL1	P coding	0,57	1,48	4,83	2,73	0,00660062	0,037186207	-3,487
ENSG00000254198	AC113191.1	PP	0,33	1,26	2,10	2,73	0,006601319	0,037186207	-3,488
ENSG00000253715	AC083841.2	lncRNA	0,13	1,09	0,60	2,72	0,006625698	0,037316122	-3,491
ENSG00000242615	AC022415.2	TPP	-0,26	-1,20	1,29	-2,72	0,006628435	0,037324119	-3,491
ENSG00000164764	SBSPON	P coding	0,10	1,07	0,76	2,72	0,006638537	0,037373579	-3,493
ENSG00000100284	TOM1	P coding	0,24	1,18	3,85	2,72	0,006653509	0,037450428	-3,495
ENSG00000224691	AL133553.1	lncRNA	0,20	1,15	1,53	2,72	0,006657518	0,037465558	-3,495
ENSG00000115963	RND3	P coding	0,90	1,87	3,15	2,72	0,006663267	0,037483024	-3,496
ENSG00000235821	IFITM4P	PP	0,22	1,16	0,52	2,72	0,00666496	0,037485108	-3,496
ENSG00000215492	HNRNPA1P7	PP	0,19	1,14	2,49	2,72	0,006668014	0,037494848	-3,497
ENSG00000122545	SEPTIN7	P coding	0,17	1,12	6,18	2,72	0,006672457	0,037512392	-3,497
ENSG00000207101	AC027702.1	misc_RNA	0,21	1,16	0,18	2,72	0,006675064	0,037519606	-3,498
ENSG00000134419	RPS15A	P coding	-0,19	-1,14	11,29	-2,72	0,006682333	0,037553013	-3,499
ENSG00000175040	CHST2	P coding	-0,69	-1,61	4,66	-2,72	0,006699264	0,037633241	-3,501
ENSG00000167487	KLHL26	P coding	-0,19	-1,14	2,32	-2,72	0,006700899	0,037634969	-3,501
ENSG0000013503	POLR3B	P coding	0,20	1,15	2,21	2,72	0,006708735	0,037671512	-3,502
ENSG00000187824	TMEM220	P coding	0,49	1,40	3,22	2,72	0,006714254	0,037689334	-3,503
ENSG00000116747	RO60	P coding	0,26	1,20	4,49	2,72	0,006714568	0,037689334	-3,503
ENSG00000226284	ARPC3P1	PP	0,13	1,09	0,54	2,72	0,006717518	0,037698427	-3,503
ENSG00000228862	AC068389.1	lncRNA	0,15	1,11	0,79	2,72	0,006719977	0,037704765	-3,504
ENSG00000134516	DOCK2	P coding	-0,18	-1,14	5,39	-2,72	0,006734997	0,037781558	-3,506
ENSG00000228950	AC023137.2	lncRNA	0,17	1,13	0,36	2,72	0,006740548	0,037805217	-3,506
ENSG00000165832	TRUB1	P coding	0,23	1,17	3,56	2,72	0,006763704	0,037919985	-3,509
ENSG00000215421	ZNF407	P coding	0,16	1,11	2,04	2,72	0,00676481	0,037919985	-3,510
ENSG00000126773	PCNX4	P coding	0,26	1,20	3,99	2,72	0,006765722	0,037919985	-3,510
ENSG00000198756	COLGALT2	P coding	0,19	1,14	0,29	2,72	0,006766362	0,037919985	-3,510
ENSG00000212452	SNORD69	snRNA	-0,37	-1,29	4,55	-2,72	0,006767778	0,037920425	-3,510
ENSG00000197852	INKA2	P coding	0,24	1,18	2,47	2,72	0,00678148	0,037980523	-3,512
ENSG00000229278	AL133353.1	lncRNA	0,26	1,20	0,76	2,72	0,006783488	0,037980523	-3,512
ENSG00000204581	ACOXL-AS1	lncRNA	0,33	1,26	1,81	2,72	0,006783863	0,037980523	-3,512
ENSG00000257452	AC004551.1	lncRNA	0,20	1,15	1,75	2,71	0,006814644	0,038137787	-3,516
ENSG00000165416	SUGT1	P coding	-0,18	-1,13	4,59	-2,71	0,006819601	0,038157998	-3,517
ENSG00000155495	MAGEC1	P coding	-0,78	-1,71	2,91	-2,71	0,006824508	0,038177919	-3,517

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000233953	AC009970.1	lncRNA	0,23	1,18	0,68	2,71	0,006829159	0,03819111	-3,518
ENSG00000127080	IPPK	P coding	-0,17	-1,13	3,23	-2,71	0,006829561	0,03819111	-3,518
ENSG00000255026	AC136475.3	lncRNA	0,77	1,70	3,63	2,71	0,006831907	0,038196695	-3,518
ENSG00000129151	BBOX1	P coding	-0,68	-1,61	1,08	-2,71	0,006839698	0,038232713	-3,519
ENSG00000129559	NEDD8	P coding	0,16	1,12	7,35	2,71	0,006843187	0,038244674	-3,520
ENSG00000077420	APBB1IP	P coding	0,56	1,48	3,12	2,71	0,006850063	0,038275553	-3,521
ENSG00000010072	SPRTN	P coding	0,22	1,16	2,79	2,71	0,006852533	0,038281811	-3,521
ENSG00000213801	ZNF321P	TPP	0,36	1,28	1,64	2,71	0,006855893	0,038293031	-3,521
ENSG00000089022	MAPKAPK5	P coding	0,14	1,11	5,02	2,71	0,006859027	0,038302988	-3,522
ENSG00000196754	S100A2	P coding	0,26	1,20	0,54	2,71	0,006862872	0,038316913	-3,522
ENSG00000234745	HLA-B	P coding	0,37	1,29	11,53	2,71	0,006869178	0,038343525	-3,523
ENSG00000197462	AC003975.1	lncRNA	0,17	1,13	1,27	2,71	0,006870344	0,038343525	-3,523
ENSG00000186329	TMEM212	P coding	0,22	1,17	2,77	2,71	0,006878925	0,038383861	-3,524
ENSG00000137100	DCTN3	P coding	-0,17	-1,13	6,51	-2,71	0,006881956	0,038393216	-3,525
ENSG00000223960	CHROMR	lncRNA	0,31	1,24	4,13	2,71	0,006888635	0,038421665	-3,526
ENSG00000207775	MIR548A1	miRNA	0,40	1,32	0,64	2,71	0,006889767	0,038421665	-3,526
ENSG00000023892	DEF6	P coding	0,22	1,16	6,81	2,71	0,006896404	0,038451114	-3,527
ENSG00000166173	LARP6	P coding	0,43	1,34	0,67	2,71	0,006902569	0,038477919	-3,528
ENSG00000244568	RN7SL654P	misc_RNA	-0,35	-1,28	1,52	-2,71	0,006912332	0,038524767	-3,529
ENSG00000204217	BMPR2	P coding	0,26	1,20	3,22	2,71	0,006918159	0,038549665	-3,530
ENSG00000164053	ATRIP	P coding	-0,19	-1,14	3,07	-2,71	0,006923309	0,038570778	-3,530
ENSG00000206888	RNU6-48P	snRNA	0,48	1,39	3,47	2,71	0,006928127	0,038582451	-3,531
ENSG00000254303	AC037486.1	lncRNA	0,14	1,10	0,86	2,71	0,006931603	0,038586651	-3,531
ENSG00000224409	AC114489.2	lncRNA	0,14	1,10	0,75	2,71	0,006938914	0,038619765	-3,532
ENSG00000267165	CHMP1B-AS1	lncRNA	0,33	1,25	4,36	2,71	0,0069404	0,038620449	-3,532
ENSG00000264371	MIR4425	miRNA	0,20	1,15	0,16	2,71	0,006954526	0,038691462	-3,534
ENSG00000228160	AL158069.1	lncRNA	-0,34	-1,27	0,37	-2,71	0,00695692	0,038697188	-3,535
ENSG00000263672	RN7SL750P	misc_RNA	0,26	1,19	1,49	2,71	0,006960142	0,03870533	-3,535
ENSG00000124160	NCOA5	P coding	0,19	1,14	4,28	2,71	0,006961115	0,03870533	-3,535
ENSG00000113328	CCNG1	P coding	-0,23	-1,17	6,19	-2,71	0,006967939	0,038732654	-3,536
ENSG00000147231	RADX	P coding	0,43	1,35	2,47	2,71	0,006968762	0,038732654	-3,536
ENSG00000207505	RNU6-1105P	snRNA	0,28	1,21	0,32	2,71	0,006975969	0,038765107	-3,537
ENSG00000125962	ARMCX5	P coding	0,27	1,20	3,14	2,71	0,006985732	0,038811753	-3,538
ENSG00000162913	OBSCN-AS1	lncRNA	0,31	1,24	0,91	2,71	0,006988907	0,038821784	-3,539
ENSG00000230555	AL450326.1	lncRNA	0,22	1,16	2,21	2,71	0,00699898	0,038870119	-3,540
ENSG00000135870	RC3H1	P coding	0,25	1,19	3,09	2,71	0,007003473	0,038887451	-3,541
ENSG00000204531	POU5F1	P coding	0,21	1,16	1,02	2,71	0,007008525	0,038907881	-3,541
ENSG00000140395	WDR61	P coding	-0,20	-1,15	5,79	-2,70	0,007018824	0,038949801	-3,543
ENSG00000233061	TTL7-IT1	lncRNA	0,25	1,19	2,04	2,70	0,007028733	0,038997156	-3,544
ENSG00000094804	CDC6	P coding	0,39	1,31	2,98	2,70	0,007035113	0,039024916	-3,545
ENSG00000258007	AC063947.1	lncRNA	-0,16	-1,12	1,02	-2,70	0,007053093	0,039107785	-3,547
ENSG00000095397	WHRN	P coding	0,56	1,47	5,12	2,70	0,007054191	0,039107785	-3,547
ENSG00000205625	AL591499.1	PP	0,13	1,09	0,92	2,70	0,007059848	0,039131495	-3,548
ENSG00000266918	AC091132.3	TEC	0,21	1,15	1,28	2,70	0,007063501	0,039144089	-3,548
ENSG00000126602	TRAP1	P coding	0,21	1,15	5,66	2,70	0,007077358	0,03921321	-3,550
ENSG00000106565	TMEM176B	P coding	0,61	1,53	1,68	2,70	0,007093799	0,039295617	-3,552
ENSG00000267014	LINC01532	lncRNA	0,11	1,08	0,52	2,70	0,007095003	0,039295617	-3,552
ENSG00000264880	AP005901.2	lncRNA	0,15	1,11	0,57	2,70	0,007096475	0,039296088	-3,552

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000207605	MIR191	miRNA	0,49	1,40	1,46	2,70	0,007098668	0,039300554	-3,553
ENSG00000235449	AC098934.3	PP	-0,38	-1,30	2,27	-2,70	0,007103263	0,039318318	-3,553
ENSG00000259959	AC107068.1	lncRNA	0,20	1,15	1,89	2,70	0,007116972	0,039378817	-3,555
ENSG00000085274	MYNN	P coding	-0,19	-1,14	3,96	-2,70	0,007121022	0,03939354	-3,555
ENSG00000204394	VAR51	P coding	0,22	1,17	6,79	2,70	0,00712265	0,039394855	-3,556
ENSG00000163867	ZMYM6	P coding	0,18	1,13	4,53	2,70	0,007140971	0,039480779	-3,558
ENSG00000197619	ZNF615	P coding	0,23	1,17	2,28	2,70	0,007147771	0,039510672	-3,559
ENSG00000273451	AL031666.3	lncRNA	0,22	1,17	0,83	2,70	0,007152755	0,039529691	-3,559
ENSG00000164022	AIMP1	P coding	0,17	1,13	5,53	2,70	0,007154001	0,039529691	-3,560
ENSG00000136826	KLF4	P coding	0,97	1,96	4,70	2,70	0,007158701	0,039547953	-3,560
ENSG00000271214	AL138895.2	PP	0,63	1,54	3,51	2,70	0,007174812	0,039629232	-3,562
ENSG00000237200	ZBTB40-IT1	lncRNA	-0,41	-1,33	3,29	-2,70	0,007181384	0,039657805	-3,563
ENSG00000146555	SDK1	P coding	0,25	1,19	0,31	2,70	0,007183032	0,039659178	-3,563
ENSG00000070814	TCOF1	P coding	-0,18	-1,14	4,67	-2,70	0,0071987	0,039737945	-3,565
ENSG00000233862	AC016907.2	lncRNA	0,12	1,09	1,04	2,70	0,007204046	0,039759715	-3,566
ENSG00000264273	AC107982.2	lncRNA	0,17	1,13	0,67	2,70	0,007205732	0,039761274	-3,566
ENSG00000214029	ZNF891	P coding	0,23	1,18	1,15	2,70	0,007212937	0,039793286	-3,567
ENSG00000253598	SLC10A5	P coding	0,11	1,08	0,61	2,70	0,007216571	0,039805587	-3,567
ENSG00000172795	DCP2	P coding	-0,21	-1,16	3,34	-2,70	0,007223415	0,039834231	-3,568
ENSG00000188707	ZBED6CL	P coding	0,23	1,17	2,70	2,69	0,007224574	0,039834231	-3,568
ENSG00000133313	CNDP2	P coding	0,27	1,21	6,84	2,69	0,007233257	0,039874347	-3,569
ENSG00000243193	PRKAR2B-AS1	lncRNA	0,16	1,11	1,40	2,69	0,007235004	0,039876225	-3,570
ENSG00000244733	AL132656.2	lncRNA	0,17	1,12	2,12	2,69	0,007265562	0,040032801	-3,573
ENSG00000260618	AC025917.1	lncRNA	-0,35	-1,27	4,90	-2,69	0,007266237	0,040032801	-3,573
ENSG00000143545	RAB13	P coding	-0,40	-1,32	4,29	-2,69	0,007275582	0,040074478	-3,575
ENSG00000138764	CCNG2	P coding	-0,36	-1,29	3,80	-2,69	0,007277767	0,040074478	-3,575
ENSG00000162542	TMCO4	P coding	-0,24	-1,18	3,75	-2,69	0,007278043	0,040074478	-3,575
ENSG00000224184	MIR3681HG	lncRNA	0,20	1,15	0,56	2,69	0,007283631	0,040097456	-3,576
ENSG00000067369	TP53BP1	P coding	-0,19	-1,14	4,28	-2,69	0,007289901	0,04012418	-3,576
ENSG00000173801	JUP	P coding	0,62	1,54	2,05	2,69	0,007299569	0,040161797	-3,578
ENSG00000133985	TTC9	P coding	-0,42	-1,34	1,08	-2,69	0,00730508	0,04018432	-3,578
ENSG00000268947	AC002128.1	lncRNA	0,18	1,14	1,48	2,69	0,007311411	0,040211342	-3,579
ENSG00000008282	SYPL1	P coding	0,52	1,43	4,85	2,69	0,007324711	0,040276677	-3,581
ENSG00000242296	DEFB109A	unPP	-0,17	-1,12	0,28	-2,69	0,007328564	0,040290048	-3,581
ENSG00000232040	ZBED9	P coding	0,31	1,24	1,32	2,69	0,007348437	0,040391464	-3,584
ENSG00000261488	TBILA	lncRNA	0,18	1,13	0,64	2,69	0,007356844	0,040429839	-3,585
ENSG00000264964	AP001033.3	lncRNA	0,36	1,28	1,59	2,69	0,007359396	0,040436022	-3,585
ENSG00000141338	ABCA8	P coding	0,14	1,10	0,67	2,69	0,007367078	0,040470387	-3,586
ENSG00000175029	CTBP2	P coding	0,31	1,24	1,47	2,69	0,007369675	0,040473783	-3,586
ENSG00000154479	CCDC173	P coding	0,30	1,23	0,98	2,69	0,007370552	0,040473783	-3,586
ENSG00000135677	GNS	P coding	0,24	1,18	4,66	2,69	0,007378422	0,040507902	-3,587
ENSG00000239268	AC092691.1	lncRNA	-0,63	-1,55	1,24	-2,69	0,007379623	0,040507902	-3,587
ENSG00000102763	VWA8	P coding	-0,20	-1,15	2,95	-2,69	0,007400201	0,040605129	-3,590
ENSG00000239453	SIDT1-AS1	lncRNA	-0,25	-1,19	1,12	-2,69	0,007402538	0,040610091	-3,590
ENSG00000243069	ARHGEF26-AS1	lncRNA	0,17	1,13	1,96	2,69	0,007408589	0,040635421	-3,591
ENSG00000134443	GRP	P coding	-0,19	-1,14	0,25	-2,69	0,007418235	0,040680035	-3,592
ENSG00000198799	LRIG2	P coding	0,19	1,14	2,74	2,69	0,007419593	0,040680035	-3,592
ENSG00000137266	SLC22A23	P coding	0,45	1,37	1,87	2,69	0,007433468	0,040748228	-3,594

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000060718	COL11A1	P coding	0,42	1,34	0,85	2,68	0,007446369	0,040811053	-3,595
ENSG00000244239	AC007009.1	lncRNA	0,45	1,37	1,35	2,68	0,007454501	0,040847723	-3,596
ENSG00000117360	PRPF3	P coding	0,22	1,16	5,55	2,68	0,00745697	0,040853357	-3,597
ENSG00000251935	RN7SKP179	misc_RNA	0,18	1,13	0,33	2,68	0,007469268	0,04090786	-3,598
ENSG00000259659	AC009996.1	lncRNA	-0,18	-1,13	1,18	-2,68	0,007469805	0,04090786	-3,598
ENSG00000221641	MIR1268A	miRNA	0,43	1,35	1,49	2,68	0,007478607	0,040948154	-3,599
ENSG00000205572	SERF1B	P coding	-0,22	-1,17	4,68	-2,68	0,007483475	0,040966893	-3,600
ENSG00000267696	ERVK-28	lncRNA	0,24	1,18	4,64	2,68	0,007485376	0,040969388	-3,600
ENSG00000184281	TSSC4	P coding	-0,17	-1,13	5,64	-2,68	0,007501449	0,041049433	-3,602
ENSG00000143793	C1orf35	P coding	0,26	1,20	3,96	2,68	0,007514658	0,041113778	-3,604
ENSG00000199881	AL158040.1	misc_RNA	0,15	1,11	0,09	2,68	0,007525717	0,041158396	-3,605
ENSG00000244716	BX679664.3	PP	-0,21	-1,16	1,91	-2,68	0,007533644	0,041193803	-3,606
ENSG00000188580	NKAIN2	P coding	0,24	1,18	0,29	2,68	0,007541967	0,041231362	-3,607
ENSG00000112419	PHACTR2	P coding	0,34	1,26	1,09	2,68	0,007550382	0,041269404	-3,608
ENSG00000229127	KANSL1L-AS1	lncRNA	0,17	1,13	1,44	2,68	0,007562738	0,041328973	-3,609
ENSG00000238178	AC078993.1	lncRNA	0,19	1,14	0,60	2,68	0,007567441	0,041346699	-3,610
ENSG00000189067	LITAF	P coding	0,27	1,21	6,10	2,68	0,007572855	0,04136831	-3,610
ENSG00000180008	SOCS4	P coding	0,21	1,16	3,23	2,68	0,007584839	0,041425666	-3,612
ENSG00000258454	AC016526.2	lncRNA	0,14	1,10	0,61	2,68	0,007586278	0,041425666	-3,612
ENSG00000179588	ZFPM1	P coding	0,29	1,23	2,08	2,68	0,007607246	0,041532166	-3,614
ENSG00000258240	AC002351.1	lncRNA	-0,38	-1,30	1,01	-2,68	0,007611389	0,041546781	-3,615
ENSG00000267395	DM1-AS	lncRNA	0,24	1,18	3,48	2,68	0,007614669	0,041556684	-3,615
ENSG00000264763	MIR4295	miRNA	0,19	1,14	0,15	2,68	0,00763044	0,041634733	-3,617
ENSG00000226377	AC084809.1	lncRNA	-0,26	-1,20	1,95	-2,68	0,007632845	0,041639843	-3,617
ENSG00000139287	TPH2	P coding	0,17	1,12	1,80	2,68	0,007640027	0,041665704	-3,618
ENSG00000148824	MTG1	P coding	0,27	1,20	5,21	2,68	0,007641177	0,041665704	-3,618
ENSG00000273102	AP000569.1	lncRNA	-0,34	-1,27	0,92	-2,68	0,007642838	0,041665704	-3,619
ENSG00000149929	HIRIP3	P coding	0,26	1,20	3,79	2,68	0,007643465	0,041665704	-3,619
ENSG00000116750	UCHL5	P coding	0,24	1,18	5,16	2,68	0,007652358	0,04170094	-3,620
ENSG00000200495	RNU6-1205P	snRNA	0,34	1,26	0,54	2,68	0,007652871	0,04170094	-3,620
ENSG00000237039	AC018738.1	PP	-0,37	-1,30	1,46	-2,68	0,007656148	0,041710776	-3,620
ENSG00000148308	GTF3C5	P coding	-0,19	-1,14	5,44	-2,68	0,007661243	0,041730287	-3,621
ENSG00000260671	AC010536.2	lncRNA	0,34	1,26	1,20	2,68	0,007662674	0,041730287	-3,621
ENSG00000225975	LINC01534	lncRNA	0,28	1,22	2,64	2,67	0,007669682	0,041760431	-3,622
ENSG00000197599	CCDC154	P coding	-0,25	-1,19	1,48	-2,67	0,007692991	0,041879302	-3,624
ENSG00000205771	CATSPER2P1	TUP	0,19	1,14	1,65	2,67	0,007696476	0,04189023	-3,625
ENSG00000140105	WARS1	P coding	0,48	1,40	7,86	2,67	0,00769972	0,041899838	-3,625
ENSG00000067798	NAV3	P coding	0,23	1,18	2,67	2,67	0,007718795	0,041995579	-3,627
ENSG00000171227	TMEM37	P coding	0,50	1,41	1,50	2,67	0,007728479	0,042040196	-3,629
ENSG00000264462	MIR3648-2	miRNA	0,52	1,43	3,96	2,67	0,007733657	0,042060293	-3,629
ENSG00000171017	LRRC8E	P coding	0,16	1,12	0,78	2,67	0,007736175	0,042064402	-3,629
ENSG00000149131	SERPING1	P coding	0,55	1,47	1,81	2,67	0,007737381	0,042064402	-3,630
ENSG00000200737	AL355490.1	misc_RNA	0,52	1,43	2,86	2,67	0,00774384	0,042091444	-3,630
ENSG00000233266	HMGB1P31	PP	0,16	1,12	0,65	2,67	0,007760313	0,042166543	-3,632
ENSG00000213722	DDAH2	P coding	0,30	1,23	4,77	2,67	0,007760631	0,042166543	-3,632
ENSG00000253474	AC044893.1	lncRNA	0,18	1,13	0,61	2,67	0,007763789	0,042175613	-3,633
ENSG00000173442	EHBP1L1	P coding	0,25	1,19	6,91	2,67	0,007768783	0,042194659	-3,633
ENSG00000103150	MLYCD	P coding	0,23	1,17	2,65	2,67	0,007770934	0,042198257	-3,633

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000069869	NEDD4	P coding	0,27	1,21	5,80	2,67	0,007781511	0,042247598	-3,635
ENSG00000256673	AC141557.1	unPP	0,30	1,23	1,49	2,67	0,007786385	0,042265968	-3,635
ENSG00000178162	FAR2P2	TUP	0,44	1,35	1,68	2,67	0,007796588	0,042313246	-3,636
ENSG00000258521	AL157871.2	lncRNA	0,37	1,29	1,60	2,67	0,007809019	0,042372598	-3,638
ENSG00000187764	SEMA4D	P coding	-0,37	-1,29	5,02	-2,67	0,007813682	0,042381677	-3,638
ENSG00000227838	AL121885.2	lncRNA	-0,27	-1,21	0,33	-2,67	0,007825181	0,042435923	-3,640
ENSG00000183206	POTEC	P coding	0,22	1,17	0,70	2,67	0,007828083	0,04244354	-3,640
ENSG00000189136	UBE2Q2P1	TUP	-0,28	-1,21	2,21	-2,67	0,007838772	0,042483103	-3,641
ENSG00000257303	AC073896.2	lncRNA	0,18	1,13	3,22	2,67	0,007842713	0,042483103	-3,642
ENSG00000229276	REV3L-IT1	lncRNA	0,20	1,15	1,87	2,67	0,007843006	0,042483103	-3,642
ENSG00000273423	OR131P	unPP	0,13	1,10	0,61	2,67	0,007843249	0,042483103	-3,642
ENSG00000185774	KCNIP4	P coding	0,14	1,10	0,81	2,67	0,007844372	0,042483103	-3,642
ENSG00000213853	EMP2	P coding	0,20	1,15	1,29	2,67	0,007845991	0,042483756	-3,642
ENSG00000104969	SGTA	P coding	-0,15	-1,11	5,46	-2,67	0,0078555	0,042527121	-3,643
ENSG00000217801	AL390719.1	TUP	0,28	1,22	2,40	2,67	0,007858292	0,042529876	-3,643
ENSG00000204356	NELFE	P coding	0,18	1,13	6,30	2,67	0,00785901	0,042529876	-3,644
ENSG00000244514	RN75L125P	misc_RNA	0,16	1,12	0,50	2,67	0,007873974	0,042594594	-3,645
ENSG00000266709	AC005224.3	lncRNA	0,22	1,16	0,21	2,67	0,007878811	0,042612625	-3,646
ENSG00000156802	ATAD2	P coding	0,31	1,24	2,51	2,67	0,007883172	0,042628081	-3,646
ENSG00000087053	MTMR2	P coding	0,21	1,16	3,32	2,66	0,007913479	0,042775645	-3,650
ENSG00000235954	TTC28-AS1	lncRNA	0,19	1,14	4,51	2,66	0,007915472	0,042777543	-3,650
ENSG00000187037	GPR141	P coding	0,35	1,27	1,07	2,66	0,007916849	0,042777543	-3,650
ENSG00000266680	AL135905.1	lncRNA	0,16	1,12	0,95	2,66	0,007924292	0,042809603	-3,651
ENSG00000143363	PRUNE1	P coding	0,27	1,21	3,82	2,66	0,007926696	0,042814428	-3,651
ENSG00000117222	RBBP5	P coding	0,23	1,17	3,16	2,66	0,007931002	0,042829527	-3,652
ENSG00000094916	CBX5	P coding	0,28	1,21	2,92	2,66	0,007953345	0,042933826	-3,654
ENSG00000152133	GPATCH11	P coding	0,31	1,24	3,21	2,66	0,007955041	0,042934807	-3,654
ENSG00000147394	ZNF185	P coding	-0,43	-1,35	1,60	-2,66	0,007957549	0,042940167	-3,655
ENSG00000239887	C1orf226	P coding	0,36	1,28	0,85	2,66	0,007971618	0,043007894	-3,656
ENSG00000100519	PSMC6	P coding	0,18	1,13	6,47	2,66	0,007973867	0,0430097	-3,656
ENSG00000176476	SGF29	P coding	0,21	1,16	4,56	2,66	0,007974987	0,0430097	-3,657
ENSG00000169918	OTUD7A	P coding	0,18	1,13	0,70	2,66	0,007985452	0,043057945	-3,658
ENSG00000166816	LDHD	P coding	0,42	1,34	2,23	2,66	0,007994306	0,043097491	-3,659
ENSG00000182197	EXT1	P coding	0,28	1,21	4,23	2,66	0,007998485	0,043111817	-3,659
ENSG00000248605	AC022140.1	lncRNA	0,18	1,13	1,52	2,66	0,008004097	0,043133864	-3,660
ENSG00000140848	CPNE2	P coding	0,32	1,25	1,66	2,66	0,008024188	0,043233915	-3,662
ENSG00000204304	PBX2	P coding	0,19	1,14	6,29	2,66	0,008027191	0,043241875	-3,662
ENSG00000152784	PRDM8	P coding	0,44	1,36	2,07	2,66	0,008029002	0,043243415	-3,663
ENSG00000148399	DPH7	P coding	-0,20	-1,15	6,28	-2,66	0,008035327	0,043269256	-3,663
ENSG00000259129	LINC00648	lncRNA	0,25	1,19	0,53	2,66	0,008056196	0,043366482	-3,666
ENSG00000122783	CYREN	P coding	0,31	1,24	6,96	2,66	0,008056442	0,043366482	-3,666
ENSG00000138435	CHRNA1	P coding	-0,26	-1,19	0,36	-2,66	0,008071023	0,043436721	-3,667
ENSG00000129071	MBD4	P coding	-0,23	-1,17	5,90	-2,66	0,00808732	0,043516166	-3,669
ENSG00000246889	AP000487.1	lncRNA	0,19	1,14	1,56	2,66	0,008094319	0,04354556	-3,670
ENSG00000188869	TMC3	P coding	0,14	1,11	0,98	2,66	0,008096563	0,043549371	-3,670
ENSG00000101003	GIN51	P coding	0,28	1,22	1,56	2,66	0,00809963	0,0435576	-3,670
ENSG00000129515	SNX6	P coding	0,22	1,16	4,72	2,66	0,008109648	0,043589549	-3,672
ENSG00000212952	BX088651.1	PP	0,24	1,18	0,93	2,66	0,008110184	0,043589549	-3,672

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000154930	ACSS1	P coding	-0,30	-1,23	5,79	-2,66	0,008120428	0,043636333	-3,673
ENSG00000269887	AL391001.1	lncRNA	0,17	1,12	0,38	2,66	0,008124824	0,043651677	-3,673
ENSG00000140941	MAP1LC3B	P coding	0,31	1,24	6,11	2,65	0,008132335	0,043676707	-3,674
ENSG00000250131	AC078881.1	lncRNA	0,15	1,11	0,73	2,65	0,008138464	0,043700112	-3,675
ENSG00000252206	RNU7-40P	snRNA	0,45	1,36	2,64	2,65	0,008140448	0,043702487	-3,675
ENSG00000247516	MIR4458HG	lncRNA	0,52	1,43	1,89	2,65	0,008145451	0,043721066	-3,675
ENSG00000256504	AC009509.3	lncRNA	0,26	1,19	1,03	2,65	0,008149797	0,043736115	-3,676
ENSG00000169495	HTRA4	P coding	0,12	1,09	0,95	2,65	0,008161161	0,043782756	-3,677
ENSG00000099256	PRTFDC1	P coding	0,30	1,23	1,33	2,65	0,008162188	0,043782756	-3,677
ENSG00000237429	BX293535.1	lncRNA	0,20	1,15	0,43	2,65	0,008171016	0,043816804	-3,678
ENSG00000228065	LINC01515	lncRNA	0,21	1,16	2,29	2,65	0,008178149	0,043846759	-3,679
ENSG00000101460	MAP1LC3A	P coding	-0,41	-1,33	1,36	-2,65	0,008186438	0,043880421	-3,680
ENSG00000270270	BNIP3P10	PP	0,12	1,09	0,37	2,65	0,008187524	0,043880421	-3,680
ENSG00000221994	ZNF630	P coding	0,21	1,16	2,22	2,65	0,008204441	0,043954465	-3,682
ENSG00000196470	SIAH1	P coding	0,25	1,19	3,65	2,65	0,008230751	0,044087086	-3,685
ENSG00000114902	SPCS1	P coding	0,20	1,15	9,49	2,65	0,008237524	0,044115032	-3,686
ENSG00000111077	TNS2	P coding	0,25	1,19	1,84	2,65	0,00824336	0,044130986	-3,686
ENSG00000167984	NLRC3	P coding	0,22	1,17	0,70	2,65	0,008270803	0,044268159	-3,689
ENSG00000163472	TMEM79	P coding	0,30	1,23	2,52	2,65	0,008275703	0,044286025	-3,690
ENSG00000186951	PPARA	P coding	0,20	1,15	4,06	2,65	0,008278354	0,044291852	-3,690
ENSG00000153786	ZDHHC7	P coding	0,21	1,16	4,20	2,65	0,008285013	0,044315384	-3,691
ENSG00000170043	TRAPPC1	P coding	0,25	1,19	6,30	2,65	0,008285879	0,044315384	-3,691
ENSG00000145194	ECE2	P coding	-0,33	-1,25	2,75	-2,65	0,008301752	0,044391902	-3,692
ENSG00000133398	MED10	P coding	-0,18	-1,13	5,99	-2,65	0,008325065	0,044485472	-3,695
ENSG00000087266	SH3BP2	P coding	0,32	1,25	5,15	2,65	0,008325528	0,044485472	-3,695
ENSG00000272172	AC138696.2	lncRNA	0,31	1,24	1,83	2,65	0,008327433	0,044485621	-3,695
ENSG00000157601	MX1	P coding	0,53	1,44	6,36	2,65	0,008330134	0,044485621	-3,695
ENSG00000238363	SNORA13	snRNA	-0,34	-1,26	4,43	-2,65	0,008332625	0,044485621	-3,696
ENSG00000068697	LAPTM4A	P coding	0,20	1,15	7,31	2,65	0,00833315	0,044485621	-3,696
ENSG00000162892	IL24	P coding	0,34	1,27	0,91	2,65	0,008333444	0,044485621	-3,696
ENSG00000223711	AC069213.1	lncRNA	0,24	1,18	1,26	2,65	0,008334973	0,044485621	-3,696
ENSG00000171766	GATM	P coding	-0,45	-1,36	3,91	-2,65	0,008350997	0,044562755	-3,698
ENSG00000261114	AC012181.1	lncRNA	0,33	1,26	5,90	2,65	0,00835628	0,044574773	-3,698
ENSG00000186312	CA5BP1	TUP	0,20	1,15	4,07	2,65	0,008356394	0,044574773	-3,698
ENSG00000231508	RPL34P20	PP	0,25	1,19	0,83	2,65	0,008360738	0,044589553	-3,699
ENSG00000074319	TSG101	P coding	-0,16	-1,12	6,17	-2,65	0,008365218	0,044605054	-3,699
ENSG00000182463	TSHZ2	P coding	0,43	1,35	1,66	2,64	0,008373889	0,044642891	-3,700
ENSG00000072422	RHOBTB1	P coding	0,41	1,33	1,05	2,64	0,00837917	0,044662648	-3,701
ENSG00000136159	NUDT15	P coding	-0,24	-1,18	2,90	-2,64	0,008385937	0,04469031	-3,701
ENSG00000238005	AL391832.2	lncRNA	0,17	1,12	0,42	2,64	0,008399887	0,044756239	-3,703
ENSG00000223972	DDX11L1	TUP	0,13	1,09	0,52	2,64	0,008402519	0,044761848	-3,703
ENSG00000144455	SUMF1	P coding	0,19	1,14	4,09	2,64	0,008424236	0,04486562	-3,705
ENSG00000072133	RPS6KA6	P coding	0,43	1,35	1,09	2,64	0,008425164	0,04486562	-3,706
ENSG00000207952	MIR624	miRNA	0,32	1,24	0,46	2,64	0,008446461	0,044970584	-3,708
ENSG00000130772	MED18	P coding	0,30	1,23	2,90	2,64	0,008448844	0,04497179	-3,708
ENSG00000084072	PPIE	P coding	0,19	1,14	5,38	2,64	0,008449861	0,04497179	-3,708
ENSG00000044524	EPHA3	P coding	0,20	1,15	0,31	2,64	0,008453579	0,044983131	-3,709
ENSG00000144843	ADPRH	P coding	-0,29	-1,22	2,48	-2,64	0,00845863	0,045001564	-3,709

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000175489	LRRC25	P coding	0,35	1,28	1,16	2,64	0,008472329	0,04505753	-3,711
ENSG00000127483	HP1BP3	P coding	0,25	1,19	7,08	2,64	0,008482986	0,045097286	-3,712
ENSG00000145391	SETD7	P coding	0,30	1,23	4,07	2,64	0,008487732	0,045114057	-3,712
ENSG00000232457	SLC16A6P1	TUP	0,29	1,22	1,98	2,64	0,00849963	0,045168827	-3,713
ENSG00000105676	ARMC6	P coding	-0,28	-1,21	4,47	-2,64	0,008503622	0,045174677	-3,714
ENSG00000077147	TM9SF3	P coding	0,20	1,15	6,34	2,64	0,008503919	0,045174677	-3,714
ENSG00000153094	BCL2L11	P coding	0,40	1,32	6,50	2,64	0,008506228	0,045176259	-3,714
ENSG00000143387	CTSK	P coding	0,30	1,23	2,58	2,64	0,008507404	0,045176259	-3,714
ENSG00000175806	MSRA	P coding	0,32	1,25	3,31	2,64	0,008511013	0,045185747	-3,715
ENSG00000092208	GEMIN2	P coding	0,24	1,18	3,61	2,64	0,008512637	0,045185747	-3,715
ENSG00000253986	AC104561.3	lncRNA	0,17	1,12	0,58	2,64	0,008513973	0,045185747	-3,715
ENSG00000168876	ANKRD49	P coding	-0,22	-1,17	4,96	-2,64	0,008533121	0,04525861	-3,717
ENSG00000259291	ZNF710-AS1	lncRNA	-0,25	-1,19	3,17	-2,64	0,008534088	0,04525861	-3,717
ENSG00000204161	TMEM273	P coding	-0,48	-1,39	1,65	-2,64	0,008545688	0,045311648	-3,718
ENSG00000213397	HAUS7	P coding	-0,25	-1,19	4,03	-2,64	0,008554236	0,045348488	-3,719
ENSG00000255008	LINC02739	lncRNA	-0,18	-1,13	1,51	-2,64	0,008578127	0,045462319	-3,722
ENSG00000224837	GCSHP5	PP	0,33	1,25	3,40	2,64	0,008578916	0,045462319	-3,722
ENSG00000198108	CHSY3	P coding	-0,55	-1,46	2,91	-2,64	0,008581114	0,045465471	-3,722
ENSG00000206612	SNORA2A	snoRNA	0,41	1,33	3,75	2,64	0,008587211	0,045489269	-3,723
ENSG00000165516	KLHDC2	P coding	0,20	1,15	6,00	2,64	0,008590734	0,045499432	-3,723
ENSG00000158716	DUSP23	P coding	0,42	1,34	4,18	2,64	0,008597428	0,04552556	-3,724
ENSG00000234742	AC144530.1	PP	-0,12	-1,09	0,66	-2,64	0,008603789	0,045534541	-3,724
ENSG00000104313	EYA1	P coding	0,33	1,26	0,98	2,64	0,008607743	0,045546966	-3,725
ENSG00000131471	AOC3	P coding	-0,28	-1,21	1,29	-2,64	0,008611147	0,045548481	-3,725
ENSG00000237732	CT75	TUP	0,20	1,15	1,46	2,64	0,008611244	0,045548481	-3,725
ENSG00000118298	CA14	P coding	0,33	1,26	2,01	2,63	0,008620473	0,045588794	-3,726
ENSG00000239953	RN7SL273P	misc_RNA	0,23	1,17	0,82	2,63	0,008624117	0,045599555	-3,726
ENSG00000265702	AC005821.1	lncRNA	0,10	1,07	0,51	2,63	0,008644177	0,045690732	-3,728
ENSG00000261392	AC087190.2	lncRNA	0,13	1,09	0,96	2,63	0,008644585	0,045690732	-3,728
ENSG00000229119	AC026403.1	PP	-0,31	-1,24	2,02	-2,63	0,00864831	0,045701903	-3,729
ENSG00000204619	PPP1R11	P coding	0,26	1,19	5,49	2,63	0,008655399	0,045727533	-3,730
ENSG00000143476	DTL	P coding	0,37	1,29	2,03	2,63	0,008656387	0,045727533	-3,730
ENSG00000225171	DUTP6	PP	0,21	1,16	1,71	2,63	0,008661887	0,045748061	-3,730
ENSG00000155428	TRIM74	P coding	-0,15	-1,11	1,02	-2,63	0,008668361	0,045773724	-3,731
ENSG00000109689	STIM2	P coding	0,25	1,19	6,15	2,63	0,00868803	0,045869043	-3,733
ENSG00000133318	RTN3	P coding	0,23	1,18	6,42	2,63	0,008700827	0,045912783	-3,734
ENSG00000198563	DDX39B	P coding	0,19	1,14	7,84	2,63	0,008701174	0,045912783	-3,734
ENSG00000143811	PYCR2	P coding	0,33	1,26	6,33	2,63	0,008708798	0,045944459	-3,735
ENSG00000183960	KCNH8	P coding	0,16	1,12	0,27	2,63	0,008713679	0,045953106	-3,736
ENSG00000118894	EEF2KMT	P coding	0,32	1,25	3,91	2,63	0,008718747	0,045971278	-3,736
ENSG00000064102	INTS13	P coding	-0,23	-1,17	4,85	-2,63	0,008747416	0,046105289	-3,739
ENSG00000130165	ELOF1	P coding	-0,17	-1,12	6,31	-2,63	0,008770923	0,046220597	-3,741
ENSG00000076685	NT5C2	P coding	0,21	1,16	5,70	2,63	0,008779096	0,046237878	-3,742
ENSG00000207014	SNORD116-3	snoRNA	0,46	1,37	2,18	2,63	0,008779096	0,046237878	-3,742
ENSG00000206727	SNORD116-9	snoRNA	0,46	1,37	2,18	2,63	0,008779096	0,046237878	-3,742
ENSG00000256139	AC007637.1	lncRNA	0,33	1,25	1,38	2,63	0,008786568	0,046268634	-3,743
ENSG00000183520	UTP11	P coding	0,16	1,12	4,54	2,63	0,008791346	0,046285198	-3,743
ENSG00000269343	ZNF587B	P coding	0,22	1,16	3,67	2,63	0,008805003	0,046348491	-3,745

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000021826	CPS1	P coding	-0,31	-1,24	1,16	-2,63	0,008807676	0,046353953	-3,745
ENSG00000256757	AP002840.1	lncRNA	-0,17	-1,13	0,48	-2,63	0,008810072	0,046357953	-3,745
ENSG00000173653	RCE1	P coding	-0,19	-1,14	4,91	-2,63	0,008820528	0,046404358	-3,746
ENSG00000163075	CFAP221	P coding	0,10	1,07	0,72	2,63	0,008827867	0,046434352	-3,747
ENSG00000245667	AC006064.1	lncRNA	0,14	1,10	1,01	2,63	0,008831417	0,046444407	-3,748
ENSG00000201076	RNU4-51P	snRNA	-0,20	-1,15	0,23	-2,63	0,008841878	0,046485863	-3,749
ENSG00000187323	DCC	P coding	0,55	1,46	1,85	2,63	0,00884258	0,046485863	-3,749
ENSG00000247828	TMEM161B-AS1	lncRNA	0,28	1,21	4,91	2,63	0,00885831	0,046551291	-3,750
ENSG00000156508	EEF1A1	P coding	-0,21	-1,16	13,13	-2,63	0,008869684	0,046602424	-3,751
ENSG00000253540	FAM86HP	TUP	-0,30	-1,23	2,13	-2,62	0,008896519	0,046734751	-3,754
ENSG00000198156	NPIP6	P coding	0,25	1,19	1,19	2,62	0,008900227	0,046745566	-3,754
ENSG00000139842	CUL4A	P coding	-0,20	-1,15	4,97	-2,62	0,008911939	0,046798409	-3,756
ENSG00000238419	RNU7-186P	snRNA	0,23	1,17	0,21	2,62	0,008918337	0,046822209	-3,756
ENSG00000261063	AC009139.2	lncRNA	0,29	1,22	1,86	2,62	0,008919902	0,046822209	-3,756
ENSG00000236069	AL136987.1	lncRNA	0,13	1,09	0,60	2,62	0,008923772	0,046825848	-3,757
ENSG00000169213	RAB3B	P coding	0,36	1,28	1,82	2,62	0,008930546	0,046852722	-3,757
ENSG00000188033	ZNF490	P coding	0,17	1,13	2,50	2,62	0,008937675	0,046881445	-3,758
ENSG00000177685	CRACR2B	P coding	-0,31	-1,24	6,64	-2,62	0,008952298	0,046949463	-3,760
ENSG00000220793	RPL21P119	PP	-0,18	-1,13	0,77	-2,62	0,008958321	0,046972356	-3,760
ENSG00000240015	AC084024.1	lncRNA	0,13	1,10	1,17	2,62	0,008962744	0,046986395	-3,761
ENSG00000148634	HERC4	P coding	0,20	1,15	4,44	2,62	0,008964612	0,046986395	-3,761
ENSG00000267390	AC036176.1	lncRNA	0,26	1,20	2,19	2,62	0,008965971	0,046986395	-3,761
ENSG00000197208	SLC22A4	P coding	0,26	1,20	1,46	2,62	0,008976665	0,047033742	-3,762
ENSG00000142676	RPL11	P coding	-0,18	-1,13	11,26	-2,62	0,008982996	0,047058217	-3,763
ENSG00000141905	NFIC	P coding	0,28	1,21	3,56	2,62	0,008985271	0,047061434	-3,763
ENSG00000080709	KCNN2	P coding	0,14	1,10	0,32	2,62	0,00899583	0,047108036	-3,764
ENSG00000243323	PTPRVP	TUnP	-0,32	-1,25	1,69	-2,62	0,009011513	0,047181447	-3,765
ENSG00000023608	SNAPC1	P coding	0,20	1,15	2,06	2,62	0,009021711	0,047226117	-3,767
ENSG00000130751	NPAS1	P coding	-0,35	-1,27	1,85	-2,62	0,009041851	0,047322803	-3,768
ENSG00000260052	AC023813.3	lncRNA	0,13	1,10	0,68	2,62	0,009048158	0,047347072	-3,769
ENSG00000002016	RAD52	P coding	0,26	1,20	3,03	2,62	0,009054406	0,047371021	-3,770
ENSG00000263955	RN7SL850P	misc_RNA	0,23	1,17	1,38	2,62	0,009059588	0,047389388	-3,770
ENSG00000243056	EIF4EBP3	P coding	-0,41	-1,33	3,54	-2,62	0,009079976	0,04747851	-3,772
ENSG00000269967	AL136115.2	lncRNA	0,18	1,13	0,70	2,62	0,009094767	0,047542518	-3,774
ENSG00000259562	AC090607.2	TPP	-0,23	-1,17	2,86	-2,62	0,009095572	0,047542518	-3,774
ENSG00000271424	AL157791.2	PP	0,18	1,13	0,98	2,62	0,009100118	0,047557514	-3,774
ENSG00000166377	ATP9B	P coding	0,20	1,15	5,02	2,62	0,009131212	0,047702419	-3,777
ENSG00000229227	AL356056.1	lncRNA	0,20	1,15	3,51	2,61	0,00913667	0,047722137	-3,778
ENSG00000231177	LINC00852	lncRNA	-0,17	-1,12	1,78	-2,61	0,009141771	0,047731874	-3,778
ENSG00000127838	PNKD	P coding	0,21	1,16	5,30	2,61	0,009143585	0,047731874	-3,778
ENSG00000006555	TTC22	P coding	0,27	1,21	2,39	2,61	0,009149142	0,04774098	-3,779
ENSG00000214046	SMIM7	P coding	-0,19	-1,14	6,55	-2,61	0,009150383	0,04774098	-3,779
ENSG00000100425	BRD1	P coding	0,20	1,15	3,56	2,61	0,0091533	0,047747414	-3,779
ENSG00000115616	SLC9A2	P coding	0,22	1,16	0,33	2,61	0,009159	0,047768355	-3,780
ENSG00000088298	EDEM2	P coding	0,26	1,20	5,91	2,61	0,009163072	0,047780803	-3,780
ENSG00000143622	RIT1	P coding	0,22	1,17	3,83	2,61	0,009169475	0,047805394	-3,781
ENSG00000187792	ZNF70	P coding	0,26	1,20	1,61	2,61	0,009172225	0,047810941	-3,781
ENSG00000201025	SNORD74B	snoRNA	0,19	1,14	0,16	2,61	0,00917818	0,047832361	-3,782

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000176386	CDC26	P coding	-0,20	-1,15	5,47	-2,61	0,009179709	0,047832361	-3,782
ENSG00000227986	TRIM60P18	unPP	0,20	1,15	0,65	2,61	0,009196028	0,047905262	-3,784
ENSG00000181625	SLX1B	P coding	0,49	1,41	2,45	2,61	0,009201732	0,047920688	-3,784
ENSG00000177675	CD163L1	P coding	-0,60	-1,52	1,98	-2,61	0,009213276	0,047971993	-3,785
ENSG00000223863	LINC01805	lncRNA	0,17	1,12	0,27	2,61	0,009221685	0,04800696	-3,786
ENSG00000185985	SLITRK2	P coding	0,35	1,27	0,31	2,61	0,00922658	0,048023621	-3,786
ENSG00000244144	AC128688.1	PP	0,17	1,12	0,31	2,61	0,009228612	0,048025379	-3,787
ENSG00000157227	MMP14	P coding	0,37	1,29	1,30	2,61	0,009249444	0,048103628	-3,789
ENSG00000009413	REV3L	P coding	0,17	1,12	3,47	2,61	0,009250228	0,048103628	-3,789
ENSG00000272842	AL391834.1	lncRNA	-0,30	-1,23	2,02	-2,61	0,009250956	0,048103628	-3,789
ENSG00000117906	RCN2	P coding	-0,21	-1,15	6,25	-2,61	0,009252134	0,048103628	-3,789
ENSG00000063046	EIF4B	P coding	-0,19	-1,14	7,96	-2,61	0,009257549	0,048122958	-3,789
ENSG00000143742	SRP9	P coding	0,21	1,15	7,49	2,61	0,009267175	0,048164161	-3,790
ENSG00000243847	RN7SL610P	misc_RNA	0,20	1,15	0,90	2,61	0,00927143	0,048177443	-3,791
ENSG00000162999	DUSP19	P coding	0,16	1,11	0,73	2,61	0,009283055	0,048229008	-3,792
ENSG00000230267	HERC2P4	TUP	0,30	1,23	0,86	2,61	0,00929291	0,04826683	-3,793
ENSG00000134138	MEIS2	P coding	-0,78	-1,71	2,24	-2,61	0,00929374	0,04826683	-3,793
ENSG00000183779	ZNF703	P coding	0,23	1,17	0,47	2,61	0,00929692	0,048274499	-3,793
ENSG00000228763	LIMS1-AS1	lncRNA	0,21	1,15	0,99	2,61	0,009305778	0,048310005	-3,794
ENSG00000175874	CREG2	P coding	0,20	1,15	0,68	2,61	0,009307166	0,048310005	-3,794
ENSG00000088543	C3orf18	P coding	-0,29	-1,23	3,46	-2,61	0,009316098	0,04834751	-3,795
ENSG00000148803	FUOM	P coding	0,43	1,34	4,31	2,61	0,009321967	0,048369114	-3,796
ENSG00000177200	CHD9	P coding	0,24	1,18	4,52	2,61	0,0093592	0,048551931	-3,799
ENSG00000198482	ZNF808	P coding	0,36	1,28	1,97	2,61	0,009360626	0,048551931	-3,799
ENSG00000150712	MTMR12	P coding	-0,21	-1,15	4,50	-2,61	0,009383896	0,048648724	-3,802
ENSG00000232774	AL355916.1	lncRNA	0,22	1,17	3,32	2,61	0,009384436	0,048648724	-3,802
ENSG00000213253	RPL12P42	PP	0,15	1,11	0,36	2,60	0,009417283	0,048797707	-3,805
ENSG00000167799	NUDT8	P coding	-0,28	-1,22	3,92	-2,60	0,00941834	0,048797707	-3,805
ENSG00000105610	KLF1	P coding	0,22	1,17	0,45	2,60	0,009425465	0,048824507	-3,805
ENSG00000154065	ANKRD29	P coding	0,28	1,21	0,39	2,60	0,009427821	0,048824507	-3,806
ENSG00000108506	INTS2	P coding	0,23	1,17	2,31	2,60	0,009429319	0,048824507	-3,806
ENSG00000248771	SMIM31	P coding	0,14	1,10	0,89	2,60	0,009430402	0,048824507	-3,806
ENSG00000168685	IL7R	P coding	0,20	1,15	1,55	2,60	0,009438062	0,048850064	-3,807
ENSG00000215022	AL008729.1	lncRNA	0,25	1,19	1,82	2,60	0,009438785	0,048850064	-3,807
ENSG00000073712	FERMT2	P coding	0,41	1,33	1,71	2,60	0,009441274	0,048854028	-3,807
ENSG00000200953	AC087884.1	misc_RNA	0,35	1,27	0,57	2,60	0,009456851	0,048916624	-3,808
ENSG00000207729	MIR556	miRNA	0,24	1,18	0,22	2,60	0,00945715	0,048916624	-3,808
ENSG00000153339	TRAPPC8	P coding	0,19	1,14	4,48	2,60	0,009458548	0,048916624	-3,809
ENSG00000252542	SNORD36C	snoRNA	-0,33	-1,25	6,24	-2,60	0,009461751	0,048917805	-3,809
ENSG00000264063	CR392039.1	miRNA	0,71	1,63	3,80	2,60	0,009463375	0,048917805	-3,809
ENSG00000130150	MOSPD2	P coding	0,25	1,19	3,18	2,60	0,009463954	0,048917805	-3,809
ENSG00000254287	AC007991.4	lncRNA	0,12	1,08	0,65	2,60	0,00948282	0,049006386	-3,811
ENSG00000237576	LINC01888	lncRNA	-0,20	-1,15	0,94	-2,60	0,009484762	0,049007486	-3,811
ENSG00000237125	HAND2-AS1	lncRNA	0,10	1,07	0,68	2,60	0,009487321	0,049011772	-3,811
ENSG00000157349	DDX19B	P coding	0,19	1,14	4,52	2,60	0,009502142	0,049079395	-3,813
ENSG00000233593	LINC02609	lncRNA	-0,29	-1,22	2,57	-2,60	0,009525475	0,04919095	-3,815
ENSG00000172409	CLP1	P coding	-0,22	-1,16	3,17	-2,60	0,009531219	0,049211647	-3,815
ENSG00000241404	EGFL8	P coding	-0,34	-1,27	2,11	-2,60	0,009551035	0,049296906	-3,817

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000134627	PIWIL4	P coding	0,19	1,14	0,66	2,60	0,00955121	0,049296906	-3,817
ENSG00000141447	OSBPL1A	P coding	0,47	1,39	2,99	2,60	0,009566384	0,049358344	-3,819
ENSG00000244307	RN7SL395P	misc_RNA	0,20	1,15	1,14	2,60	0,009566596	0,049358344	-3,819
ENSG00000123143	PKN1	P coding	-0,16	-1,11	5,87	-2,60	0,009571071	0,049372445	-3,819
ENSG00000214145	LINC00887	lncRNA	0,31	1,24	1,07	2,60	0,009581246	0,049415941	-3,820
ENSG00000134508	CABLES1	P coding	0,54	1,45	2,55	2,60	0,009586308	0,049433051	-3,820
ENSG00000241144	RN7SL728P	misc_RNA	0,15	1,11	0,61	2,60	0,009595143	0,049466486	-3,821
ENSG00000116688	MFN2	P coding	0,16	1,12	4,69	2,60	0,009596918	0,049466486	-3,821
ENSG00000197099	AC068631.1	lncRNA	0,18	1,13	1,81	2,60	0,009598548	0,049466486	-3,822
ENSG00000068383	INPP5A	P coding	0,24	1,18	2,67	2,60	0,009599772	0,049466486	-3,822
ENSG00000174945	AMZ1	P coding	0,14	1,10	0,46	2,60	0,009602946	0,049473847	-3,822
ENSG00000168283	BMI1	P coding	0,29	1,22	8,05	2,60	0,009607729	0,049489492	-3,822
ENSG00000128245	YWHAH	P coding	0,29	1,22	5,48	2,60	0,009611434	0,049499583	-3,823
ENSG00000213551	DNAJC9	P coding	0,16	1,12	3,99	2,60	0,009620168	0,049535562	-3,824
ENSG00000260793	AC003102.1	lncRNA	0,23	1,17	1,64	2,60	0,00962942	0,049567996	-3,824
ENSG00000204959	ARHGEF34P	unPP	-0,34	-1,26	1,63	-2,60	0,009629964	0,049567996	-3,825
ENSG00000227348	MTND5P25	unPP	0,16	1,11	0,65	2,60	0,009631784	0,049568364	-3,825
ENSG00000119314	PTBP3	P coding	0,21	1,16	4,26	2,60	0,00965068	0,049636813	-3,826
ENSG00000100997	ABHD12	P coding	0,30	1,23	5,31	2,60	0,009652089	0,049636813	-3,827
ENSG00000072858	SIDT1	P coding	-0,32	-1,25	4,46	-2,60	0,009654293	0,049639144	-3,827
ENSG00000005007	UPF1	P coding	-0,24	-1,18	5,37	-2,60	0,009658155	0,049647572	-3,827
ENSG00000130307	USHBP1	P coding	-0,16	-1,12	1,54	-2,60	0,009660242	0,049647572	-3,827
ENSG00000221823	PPP3R1	P coding	0,18	1,13	4,82	2,60	0,009661187	0,049647572	-3,827
ENSG00000251556	AC091887.1	lncRNA	0,13	1,09	0,56	2,59	0,009680716	0,04973328	-3,829
ENSG00000133083	DCLK1	P coding	-0,52	-1,43	1,53	-2,59	0,009681374	0,04973328	-3,829
ENSG00000229474	PATL2	P coding	0,32	1,25	4,44	2,59	0,009717163	0,049899039	-3,833
ENSG00000171314	PGAM1	P coding	0,16	1,12	6,85	2,59	0,009718993	0,0498994	-3,833
ENSG00000259221	AC023905.1	lncRNA	0,16	1,12	0,87	2,59	0,00972135	0,049902463	-3,833
ENSG00000122085	MTERF4	P coding	0,18	1,13	5,35	2,59	0,00973432	0,049959993	-3,834
ENSG00000184575	XPOT	P coding	0,26	1,20	6,20	2,59	0,009745778	0,050001859	-3,835
ENSG00000250305	TRMT9B	P coding	0,39	1,31	1,30	2,59	0,00975905	0,050059722	-3,836
ENSG00000202198	AL162581.1	misc_RNA	0,38	1,30	6,21	2,59	0,00976556	0,050076616	-3,837
ENSG00000185664	PMEL	P coding	-0,21	-1,16	1,57	-2,59	0,009765876	0,050076616	-3,837
ENSG00000260281	ITFG1-AS1	lncRNA	0,13	1,09	0,53	2,59	0,009770402	0,050084535	-3,837
ENSG00000226754	AL606760.1	lncRNA	0,14	1,10	0,80	2,59	0,009771116	0,050084535	-3,837
ENSG00000213777	AC011487.1	TPP	-0,13	-1,10	0,81	-2,59	0,009772721	0,050084535	-3,838
ENSG00000134779	TPGS2	P coding	0,25	1,19	4,67	2,59	0,009784404	0,050126907	-3,839
ENSG00000184557	SOC33	P coding	0,88	1,84	4,18	2,59	0,009784526	0,050126907	-3,839
ENSG00000235141	COX6CP17	PP	0,21	1,16	0,50	2,59	0,009790284	0,05014734	-3,839
ENSG00000262312	AC004494.1	lncRNA	0,15	1,11	0,49	2,59	0,009795914	0,050166304	-3,840
ENSG00000214184	GCC2-AS1	lncRNA	0,17	1,13	1,28	2,59	0,009797525	0,050166304	-3,840
ENSG00000230490	AL139383.1	lncRNA	0,17	1,13	0,62	2,59	0,009803277	0,050186689	-3,840
ENSG00000176978	DPP7	P coding	-0,30	-1,23	8,68	-2,59	0,009806155	0,050192355	-3,841
ENSG00000133704	IPO8	P coding	0,20	1,15	4,69	2,59	0,009808038	0,050192929	-3,841
ENSG00000264445	BX322234.1	lncRNA	0,15	1,11	0,46	2,59	0,009823981	0,050265443	-3,842
ENSG00000188659	SAXO2	P coding	0,40	1,32	2,53	2,59	0,009835411	0,050314847	-3,843
ENSG00000047457	CP	P coding	0,36	1,29	1,20	2,59	0,009853049	0,050395981	-3,845
ENSG00000126945	HNRNP2	P coding	0,23	1,17	5,66	2,59	0,009870834	0,050477837	-3,846

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000113812	ACTR8	P coding	-0,17	-1,13	4,30	-2,59	0,00987849	0,050507878	-3,847
ENSG00000140464	PML	P coding	-0,21	-1,16	4,61	-2,59	0,009886605	0,050540251	-3,848
ENSG00000254396	AL355432.1	lncRNA	-0,12	-1,09	0,41	-2,59	0,009891418	0,050555738	-3,848
ENSG00000162825	NBPf20	P coding	0,39	1,31	6,23	2,59	0,009894956	0,050562395	-3,849
ENSG00000226877	AL354733.1	lncRNA	-0,20	-1,15	1,65	-2,59	0,009897527	0,050562395	-3,849
ENSG00000270941	AC006254.2	PP	-0,15	-1,11	0,48	-2,59	0,009898071	0,050562395	-3,849
ENSG00000148053	NTRK2	P coding	0,55	1,46	0,74	2,59	0,00991367	0,050623834	-3,850
ENSG00000221355	MIR1288	miRNA	0,15	1,11	0,11	2,59	0,009917187	0,05063267	-3,851
ENSG00000171159	C9orf16	P coding	-0,17	-1,13	6,68	-2,59	0,009920947	0,050642745	-3,851
ENSG00000215512	AP005901.1	TUP	0,31	1,24	0,92	2,59	0,009929574	0,050677657	-3,852
ENSG00000236591	AL357992.1	lncRNA	0,27	1,21	0,22	2,59	0,009936156	0,050702119	-3,852
ENSG00000100600	LGMN	P coding	0,57	1,49	4,82	2,59	0,009939964	0,050712421	-3,853
ENSG00000227163	AL139220.1	PP	0,16	1,12	1,64	2,59	0,009951713	0,050763225	-3,854
ENSG00000267561	AC093155.3	P coding	-0,23	-1,17	0,97	-2,59	0,009954304	0,050767307	-3,854
ENSG00000267740	AC024592.3	P coding	-0,18	-1,13	1,79	-2,58	0,009958123	0,050777648	-3,854
ENSG00000108848	LUC7L3	P coding	-0,25	-1,19	6,89	-2,58	0,009976715	0,050862414	-3,856
ENSG00000149548	CCDC15	P coding	0,19	1,14	0,78	2,58	0,009978335	0,050862414	-3,856
ENSG00000261889	AC108134.2	lncRNA	0,19	1,14	1,18	2,58	0,009980334	0,05086264	-3,856
ENSG00000122696	SLC25A51	P coding	0,20	1,15	3,65	2,58	0,009981968	0,05086264	-3,856
ENSG00000222760	RNU4-53P	snRNA	0,19	1,14	0,23	2,58	0,009998093	0,050935649	-3,858
ENSG00000271119	AC026412.3	lncRNA	0,14	1,10	1,11	2,58	0,010001342	0,050943045	-3,858
ENSG00000259380	AC087473.1	lncRNA	0,29	1,22	4,82	2,58	0,010004361	0,050949268	-3,858
ENSG00000232436	AL360013.2	lncRNA	0,18	1,13	1,68	2,58	0,010013431	0,050986298	-3,859
ENSG00000120253	NUP43	P coding	0,30	1,23	3,01	2,58	0,010021426	0,05101784	-3,860
ENSG00000127666	TICAM1	P coding	-0,24	-1,18	4,48	-2,58	0,010026375	0,051033872	-3,860
ENSG00000105325	FZR1	P coding	-0,22	-1,17	4,95	-2,58	0,010039728	0,051092661	-3,862
ENSG00000256377	AC009509.2	lncRNA	0,25	1,19	0,78	2,58	0,010043461	0,051102486	-3,862
ENSG00000262050	AC005696.1	lncRNA	0,22	1,17	0,82	2,58	0,010061998	0,051187614	-3,863
ENSG00000170209	ANKK1	P coding	-0,27	-1,21	1,70	-2,58	0,01007231	0,051222917	-3,864
ENSG00000235072	ARNILA	lncRNA	0,15	1,11	0,59	2,58	0,010073795	0,051222917	-3,865
ENSG00000186831	KRT17P2	TUP	0,19	1,14	0,21	2,58	0,010074358	0,051222917	-3,865
ENSG00000184208	C22orf46	TUnP	0,27	1,20	3,13	2,58	0,010090632	0,051283005	-3,866
ENSG00000236499	LINC00896	lncRNA	0,26	1,20	0,42	2,58	0,010091604	0,051283005	-3,866
ENSG00000198771	RCS1	P coding	0,32	1,25	5,64	2,58	0,010102357	0,051303533	-3,867
ENSG00000257517	AC026765.2	lncRNA	0,12	1,09	0,43	2,58	0,010103365	0,051303533	-3,867
ENSG00000171121	KCNMB3	P coding	-0,39	-1,31	2,93	-2,58	0,010103579	0,051303533	-3,867
ENSG00000149346	SLX4IP	P coding	0,20	1,15	1,62	2,58	0,010103623	0,051303533	-3,867
ENSG00000135999	EPC2	P coding	0,18	1,13	4,59	2,58	0,010104693	0,051303533	-3,867
ENSG00000092094	OSGEP	P coding	0,20	1,15	5,20	2,58	0,010107088	0,051305845	-3,867
ENSG00000254485	AC026191.1	lncRNA	0,19	1,14	2,31	2,58	0,010108768	0,051305845	-3,868
ENSG00000116771	AGMAT	P coding	0,36	1,28	1,60	2,58	0,010113521	0,051320776	-3,868
ENSG00000109705	NKX3-2	P coding	-0,32	-1,25	0,71	-2,58	0,010122388	0,05135658	-3,869
ENSG00000163602	RYBP	P coding	-0,24	-1,18	4,14	-2,58	0,010126144	0,051364543	-3,869
ENSG00000243532	RN7SL19P	misc_RNA	0,21	1,16	0,88	2,58	0,010127582	0,051364543	-3,869
ENSG00000185658	BRWD1	P coding	0,19	1,14	4,50	2,58	0,010152288	0,05147143	-3,871
ENSG00000035403	VCL	P coding	0,28	1,21	1,98	2,58	0,010156877	0,051476281	-3,872
ENSG00000229870	RPL21P89	PP	0,11	1,08	0,52	2,58	0,010161972	0,051492896	-3,872
ENSG00000222398	RNU6-554P	snRNA	-0,25	-1,19	0,26	-2,58	0,010169164	0,05152013	-3,873

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000257545	AC079385.1	lncRNA	0,15	1,11	0,80	2,58	0,010171621	0,05152337	-3,873
ENSG00000243927	MRPS6	P coding	-0,27	-1,21	4,98	-2,58	0,010179647	0,051538587	-3,874
ENSG00000120053	GOT1	P coding	0,23	1,18	4,96	2,58	0,01018008	0,051538587	-3,874
ENSG00000188266	HYKK	P coding	-0,36	-1,28	2,67	-2,58	0,010182378	0,051541014	-3,874
ENSG00000154655	L3MBTL4	P coding	0,33	1,26	2,07	2,58	0,010190948	0,051569344	-3,875
ENSG00000162757	C1orf74	P coding	0,24	1,18	1,25	2,58	0,010191613	0,051569344	-3,875
ENSG00000185305	ARL15	P coding	-0,22	-1,16	2,59	-2,58	0,010206838	0,051637165	-3,876
ENSG00000137478	FCHSD2	P coding	-0,39	-1,31	6,29	-2,58	0,010213954	0,051658431	-3,877
ENSG00000197024	ZNF398	P coding	0,18	1,13	2,64	2,58	0,010214687	0,051658431	-3,877
ENSG00000104331	IMPAD1	P coding	0,19	1,14	4,91	2,58	0,010223614	0,051694354	-3,878
ENSG00000147481	SNTG1	P coding	0,11	1,08	0,52	2,58	0,010229187	0,051713309	-3,878
ENSG00000169410	PTPN9	P coding	-0,19	-1,14	3,24	-2,58	0,010245229	0,051780897	-3,879
ENSG00000139946	PELI2	P coding	0,28	1,22	0,70	2,58	0,010246209	0,051780897	-3,880
ENSG00000186814	ZSCAN30	P coding	0,24	1,18	3,54	2,57	0,010268498	0,051884286	-3,881
ENSG00000237975	FLG-AS1	lncRNA	0,13	1,10	1,12	2,57	0,010274456	0,051901878	-3,882
ENSG00000125772	GPCPD1	P coding	-0,26	-1,20	5,15	-2,57	0,010276786	0,051901878	-3,882
ENSG00000251586	TET2-AS1	lncRNA	0,13	1,09	0,50	2,57	0,010277473	0,051901878	-3,882
ENSG00000185278	ZBTB37	P coding	0,21	1,16	1,33	2,57	0,010279762	0,051904193	-3,882
ENSG00000124596	OARD1	P coding	0,17	1,13	4,96	2,57	0,010289196	0,051940368	-3,883
ENSG00000185129	PURA	P coding	0,21	1,16	4,29	2,57	0,010292323	0,051940368	-3,884
ENSG00000138326	RPS24	P coding	-0,19	-1,14	11,36	-2,57	0,010292424	0,051940368	-3,884
ENSG00000166086	JAM3	P coding	0,33	1,26	1,19	2,57	0,010310195	0,052020788	-3,885
ENSG00000147883	CDKN2B	P coding	0,33	1,25	1,47	2,57	0,010319722	0,05205033	-3,886
ENSG00000171631	P2RY6	P coding	-0,64	-1,55	2,12	-2,57	0,010328821	0,052077718	-3,887
ENSG00000135272	MDFIC	P coding	0,22	1,16	5,78	2,57	0,010328827	0,052077718	-3,887
ENSG00000129158	SERGEF	P coding	-0,18	-1,14	5,16	-2,57	0,010350836	0,052179405	-3,889
ENSG00000237713	AC011287.2	lncRNA	0,09	1,07	0,70	2,57	0,0103617	0,052215598	-3,890
ENSG00000258674	AC011448.1	P coding	-0,15	-1,11	1,48	-2,57	0,010367111	0,052233581	-3,890
ENSG00000246695	RASSF8-AS1	lncRNA	-0,22	-1,17	2,96	-2,57	0,010385083	0,052305536	-3,892
ENSG0000028310	BRD9	P coding	-0,16	-1,11	5,10	-2,57	0,010391559	0,052328854	-3,892
ENSG00000147100	SLC16A2	P coding	0,14	1,10	0,24	2,57	0,010401774	0,052355093	-3,893
ENSG00000120800	UTP20	P coding	0,20	1,15	2,50	2,57	0,010402207	0,052355093	-3,893
ENSG00000172922	RNASEH2C	P coding	-0,20	-1,15	6,04	-2,57	0,010404088	0,052355093	-3,893
ENSG00000198298	ZNF485	P coding	0,24	1,18	1,58	2,57	0,010417228	0,052405054	-3,894
ENSG00000159239	AC005041.1	P coding	0,36	1,28	3,33	2,57	0,010417783	0,052405054	-3,894
ENSG00000206637	SNORA70H	snoRNA	0,16	1,12	0,15	2,57	0,010454987	0,052568913	-3,897
ENSG00000270133	AC025766.1	lncRNA	0,20	1,15	0,97	2,57	0,010455921	0,052568913	-3,898
ENSG00000107821	KAZALD1	P coding	0,26	1,19	1,40	2,57	0,010462349	0,052591902	-3,898
ENSG00000228701	TNKS2-AS1	lncRNA	0,26	1,20	1,93	2,57	0,010464374	0,052592759	-3,898
ENSG00000254413	CHKB-CPT1B	P coding	-0,30	-1,23	3,12	-2,57	0,010478489	0,052654361	-3,899
ENSG00000228031	AC078842.2	lncRNA	-0,38	-1,30	1,10	-2,57	0,010491623	0,052711016	-3,901
ENSG00000181218	H2AW	P coding	0,71	1,64	1,86	2,57	0,0104983	0,052735216	-3,901
ENSG00000106327	TFR2	P coding	0,23	1,17	0,88	2,57	0,010502421	0,052742463	-3,901
ENSG00000136450	SRSF1	P coding	0,23	1,17	6,67	2,57	0,010503798	0,052742463	-3,902
ENSG00000117682	DHDDS	P coding	0,21	1,15	5,16	2,57	0,010505325	0,052742463	-3,902
ENSG00000254900	AC091053.2	lncRNA	0,13	1,10	0,64	2,57	0,01051094	0,052761307	-3,902
ENSG00000120458	MSANTD2	P coding	0,23	1,18	3,03	2,57	0,010513861	0,052762882	-3,902
ENSG00000204946	ZNF783	P coding	-0,23	-1,17	4,22	-2,57	0,010514976	0,052762882	-3,903

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000171714	ANOS	P coding	0,37	1,29	1,87	2,57	0,010525976	0,052805998	-3,903
ENSG00000205339	IPO7	P coding	-0,25	-1,19	5,39	-2,57	0,010528436	0,052805998	-3,904
ENSG00000089053	ANAPC5	P coding	0,16	1,12	7,17	2,57	0,010529158	0,052805998	-3,904
ENSG00000012963	UBR7	P coding	0,21	1,15	3,87	2,57	0,010537123	0,0528366	-3,904
ENSG00000137714	FDX1	P coding	-0,16	-1,12	4,32	-2,57	0,01054383	0,052860876	-3,905
ENSG00000213023	SYT3	P coding	0,26	1,20	0,34	2,56	0,010555502	0,052910037	-3,906
ENSG00000226601	AL359979.1	lncRNA	0,14	1,10	0,73	2,56	0,010558807	0,052917245	-3,906
ENSG00000153250	RBMS1	P coding	0,33	1,26	5,51	2,56	0,010560715	0,05291745	-3,906
ENSG00000268049	AC012313.2	lncRNA	-0,16	-1,11	0,49	-2,56	0,010564757	0,052928348	-3,907
ENSG00000131831	RAI2	P coding	0,22	1,16	0,25	2,56	0,010585046	0,053020625	-3,908
ENSG00000166268	MYRFL	P coding	-0,22	-1,17	0,87	-2,56	0,010609715	0,053134803	-3,910
ENSG00000117410	ATP6V0B	P coding	0,20	1,15	7,32	2,56	0,0106118	0,053135854	-3,911
ENSG00000120837	NFYB	P coding	0,19	1,14	4,78	2,56	0,010615154	0,053143265	-3,911
ENSG00000120798	NR2C1	P coding	0,21	1,15	4,54	2,56	0,010621088	0,053163583	-3,911
ENSG00000138030	KHK	P coding	-0,27	-1,21	3,30	-2,56	0,01062488	0,053173173	-3,912
ENSG00000263847	AP005899.1	lncRNA	0,32	1,25	2,74	2,56	0,010631329	0,053196057	-3,912
ENSG00000073008	PVR	P coding	0,30	1,23	0,81	2,56	0,010637835	0,053203266	-3,913
ENSG00000241258	CRCP	P coding	-0,16	-1,12	4,43	-2,56	0,010638559	0,053203266	-3,913
ENSG00000130052	STARD8	P coding	0,25	1,19	2,44	2,56	0,010639733	0,053203266	-3,913
ENSG00000064763	FAR2	P coding	0,44	1,36	4,71	2,56	0,010640278	0,053203266	-3,913
ENSG00000163959	SLC51A	P coding	-0,19	-1,14	3,17	-2,56	0,010658496	0,053284961	-3,915
ENSG0000025039	RRAGD	P coding	-0,36	-1,29	5,32	-2,56	0,010669804	0,053322684	-3,915
ENSG00000157388	CACNA1D	P coding	0,18	1,13	0,74	2,56	0,010672682	0,053327665	-3,916
ENSG00000149926	TLCD3B	P coding	0,17	1,12	0,73	2,56	0,01068854	0,053396819	-3,917
ENSG00000267219	AC010504.1	lncRNA	0,16	1,12	1,35	2,56	0,01069029	0,053396819	-3,917
ENSG00000236946	HNRNPA1P70	TPP	0,33	1,26	2,26	2,56	0,010702866	0,053450217	-3,918
ENSG00000150457	LATS2	P coding	-0,27	-1,20	2,20	-2,56	0,010712029	0,053486554	-3,919
ENSG00000108666	C17orf75	P coding	-0,21	-1,16	4,31	-2,56	0,010722144	0,053527634	-3,920
ENSG00000081320	STK17B	P coding	0,40	1,32	5,43	2,56	0,010745907	0,053636814	-3,922
ENSG00000251839	RNU7-12P	snRNA	0,24	1,18	0,31	2,56	0,010752156	0,053658558	-3,922
ENSG00000267127	AC090360.1	P coding	0,21	1,15	0,73	2,56	0,010762804	0,053698962	-3,923
ENSG00000089127	OAS1	P coding	0,43	1,35	5,63	2,56	0,010771913	0,053728779	-3,924
ENSG00000196405	EVL	P coding	-0,55	-1,47	4,31	-2,56	0,010789247	0,05380577	-3,925
ENSG00000208772	SNORD94	snRNA	-0,29	-1,22	5,44	-2,55	0,010854788	0,054104067	-3,931
ENSG00000254812	AC067930.2	lncRNA	0,12	1,08	0,62	2,55	0,010869846	0,054169593	-3,932
ENSG00000085563	ABCB1	P coding	-0,35	-1,27	1,11	-2,55	0,010885606	0,054221879	-3,933
ENSG00000249593	AC011405.1	lncRNA	0,17	1,13	1,13	2,55	0,01088773	0,054221879	-3,933
ENSG00000249226	SUCLG2P4	PP	0,10	1,07	0,54	2,55	0,010888033	0,054221879	-3,933
ENSG00000273183	AC093726.2	lncRNA	0,16	1,12	0,92	2,55	0,010888163	0,054221879	-3,933
ENSG00000226964	RHEBP2	PP	0,24	1,18	0,44	2,55	0,010889902	0,054221879	-3,934
ENSG00000107147	KCNT1	P coding	0,25	1,19	0,71	2,55	0,010901635	0,054270766	-3,935
ENSG00000148700	ADD3	P coding	0,32	1,25	5,60	2,55	0,010908131	0,054293572	-3,935
ENSG00000175137	SH3BP5L	P coding	0,27	1,20	3,74	2,55	0,010910864	0,054295595	-3,935
ENSG00000236377	AC084809.2	lncRNA	-0,18	-1,13	0,73	-2,55	0,010915293	0,054295595	-3,936
ENSG00000047578	KIAA0556	P coding	-0,21	-1,16	3,34	-2,55	0,010916901	0,054295595	-3,936
ENSG00000253219	KRT18P41	PP	0,17	1,12	0,57	2,55	0,010918115	0,054295595	-3,936
ENSG00000269125	AL137002.1	lncRNA	-0,43	-1,35	2,14	-2,55	0,010922087	0,054305821	-3,936
ENSG00000105122	RASAL3	P coding	-0,31	-1,24	4,84	-2,55	0,010930231	0,054336783	-3,937

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000167880	EVPL	P coding	0,13	1,09	0,91	2,55	0,010941943	0,054385469	-3,938
ENSG00000154370	TRIM11	P coding	0,23	1,17	3,84	2,55	0,010947486	0,054403479	-3,938
ENSG00000146416	AIG1	P coding	0,25	1,19	6,53	2,55	0,010951189	0,054405304	-3,939
ENSG00000270696	AC005034.4	lncRNA	0,21	1,16	1,75	2,55	0,010951692	0,054405304	-3,939
ENSG00000265845	AC024267.5	lncRNA	0,23	1,17	1,60	2,55	0,010955602	0,054414335	-3,939
ENSG00000119508	NR4A3	P coding	-0,44	-1,35	1,75	-2,55	0,010957349	0,054414335	-3,939
ENSG00000121766	ZCCHC17	P coding	0,17	1,12	4,20	2,55	0,010960347	0,054419686	-3,939
ENSG00000189375	TBC1D28	P coding	0,16	1,12	0,55	2,55	0,010965247	0,054433242	-3,940
ENSG00000255693	LINC02389	lncRNA	0,18	1,13	0,63	2,55	0,010966918	0,054433242	-3,940
ENSG00000162073	PAQR4	P coding	0,33	1,26	1,96	2,55	0,010974631	0,054461989	-3,940
ENSG00000152213	ARL11	P coding	-0,24	-1,18	1,49	-2,55	0,010979163	0,054465408	-3,941
ENSG00000118690	ARMC2	P coding	-0,39	-1,31	3,93	-2,55	0,01099474	0,054526346	-3,942
ENSG00000188958	UTS2B	P coding	0,14	1,11	1,29	2,55	0,010995294	0,054526346	-3,942
ENSG00000250771	AC106865.1	TUP	0,11	1,08	0,91	2,55	0,011003839	0,054549635	-3,943
ENSG00000251611	FAM160A1-DT	lncRNA	0,27	1,20	1,02	2,55	0,01101664	0,054603546	-3,944
ENSG00000266820	KPNA2P3	TUP	-0,25	-1,19	2,40	-2,55	0,011025123	0,054636037	-3,944
ENSG00000177082	WDR73	P coding	-0,19	-1,14	4,55	-2,55	0,011029856	0,054649937	-3,945
ENSG00000255094	AC090159.1	lncRNA	0,21	1,16	1,19	2,55	0,011033647	0,054659168	-3,945
ENSG00000150776	NKAPD1	P coding	-0,17	-1,13	4,25	-2,55	0,01103722	0,054667312	-3,945
ENSG00000090060	PAPOLA	P coding	0,18	1,13	6,71	2,55	0,011042348	0,054683156	-3,946
ENSG00000108559	NUP88	P coding	0,18	1,13	5,61	2,55	0,011062352	0,054772653	-3,947
ENSG00000231416	AL358472.1	PP	0,19	1,14	0,74	2,55	0,0110783	0,054836597	-3,949
ENSG00000120616	EPC1	P coding	0,22	1,17	6,02	2,55	0,011081695	0,054836597	-3,949
ENSG00000138286	FAM149B1	P coding	0,21	1,16	4,01	2,55	0,01108247	0,054836597	-3,949
ENSG00000091831	ESR1	P coding	0,36	1,28	3,26	2,55	0,011084086	0,054836597	-3,949
ENSG00000173597	SULT1B1	P coding	0,17	1,12	1,73	2,55	0,01108494	0,054836597	-3,949
ENSG00000261418	AC100756.2	unPP	-0,57	-1,48	4,18	-2,55	0,011094899	0,054876286	-3,950
ENSG00000224094	RPS24P8	PP	-0,12	-1,09	0,58	-2,55	0,011101344	0,054877997	-3,951
ENSG00000232878	DPYD-AS1	lncRNA	0,14	1,10	0,40	2,55	0,011102252	0,054877997	-3,951
ENSG00000161677	JOSD2	P coding	-0,22	-1,16	5,01	-2,55	0,011104403	0,054877997	-3,951
ENSG00000235840	AC012363.3	lncRNA	0,12	1,09	0,65	2,55	0,011106444	0,054877997	-3,951
ENSG00000127743	IL17B	P coding	-0,27	-1,21	0,40	-2,55	0,011106861	0,054877997	-3,951
ENSG00000175161	CADM2	P coding	0,35	1,28	0,80	2,55	0,011111838	0,054882423	-3,951
ENSG00000258884	LINC02321	lncRNA	0,17	1,13	0,66	2,55	0,011115044	0,054882423	-3,952
ENSG00000130762	ARHGEF16	P coding	-0,35	-1,27	0,99	-2,55	0,011126677	0,054928035	-3,953
ENSG00000169230	PRELID1	P coding	-0,16	-1,12	7,55	-2,55	0,011140327	0,054985843	-3,954
ENSG00000122592	HOXA7	P coding	-0,36	-1,28	0,48	-2,55	0,011147871	0,055012299	-3,954
ENSG00000108424	KPNB1	P coding	0,18	1,13	6,26	2,55	0,011149568	0,055012299	-3,954
ENSG00000236523	NPM1P40	PP	0,16	1,12	1,56	2,55	0,011156423	0,055036542	-3,955
ENSG00000272941	AC083862.1	lncRNA	0,33	1,26	2,74	2,54	0,011166003	0,055074217	-3,956
ENSG00000187554	TLR5	P coding	0,19	1,14	0,92	2,54	0,011172191	0,055095152	-3,956
ENSG00000125821	DTD1	P coding	-0,16	-1,12	4,83	-2,54	0,011174986	0,055099348	-3,956
ENSG00000273212	AC000068.2	lncRNA	0,22	1,17	1,90	2,54	0,01118457	0,05513701	-3,957
ENSG00000176428	VPS37D	P coding	-0,25	-1,19	1,29	-2,54	0,011188446	0,055146528	-3,958
ENSG00000179388	EGR3	P coding	-0,47	-1,38	1,55	-2,54	0,011199202	0,055183444	-3,958
ENSG00000226763	SRRM5	P coding	-0,14	-1,11	1,04	-2,54	0,011199829	0,055183444	-3,958
ENSG00000131148	EMC8	P coding	0,18	1,13	4,28	2,54	0,011201919	0,055184149	-3,959
ENSG00000001460	STPG1	P coding	-0,20	-1,15	2,00	-2,54	0,011207209	0,055200616	-3,959

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000140307	GTF2A2	P coding	-0,17	-1,13	6,90	-2,54	0,011219609	0,05525209	-3,960
ENSG00000231953	AL031432.1	lncRNA	0,18	1,13	1,05	2,54	0,011224795	0,055268029	-3,960
ENSG00000181026	AEN	P coding	-0,25	-1,19	5,52	-2,54	0,011231541	0,05527405	-3,961
ENSG00000111863	ADTRP	P coding	-0,75	-1,68	4,15	-2,54	0,011231746	0,05527405	-3,961
ENSG00000166788	SAAL1	P coding	-0,19	-1,14	4,43	-2,54	0,011231868	0,05527405	-3,961
ENSG00000250320	EDIL3-DT	lncRNA	0,32	1,25	0,89	2,54	0,011242104	0,05531482	-3,962
ENSG00000099139	PCSK5	P coding	0,30	1,24	1,27	2,54	0,011244979	0,055319365	-3,962
ENSG00000116852	KIF21B	P coding	0,54	1,45	2,64	2,54	0,011257704	0,055372353	-3,963
ENSG00000148343	MIGA2	P coding	-0,20	-1,15	5,06	-2,54	0,011280131	0,05547304	-3,965
ENSG00000187605	TET3	P coding	-0,18	-1,13	2,04	-2,54	0,0112872	0,055490884	-3,965
ENSG00000114423	CBLB	P coding	0,27	1,21	2,31	2,54	0,011287675	0,055490884	-3,965
ENSG00000102967	DHODH	P coding	0,27	1,21	3,05	2,54	0,011298211	0,055533046	-3,966
ENSG00000272896	AL355987.3	P coding	-0,13	-1,09	0,57	-2,54	0,011304886	0,055556222	-3,967
ENSG00000114841	DNAH1	P coding	-0,26	-1,20	4,15	-2,54	0,011316277	0,055597573	-3,968
ENSG00000222337	RN7SKP225	misc_RNA	-0,18	-1,13	0,62	-2,54	0,011317223	0,055597573	-3,968
ENSG00000179454	KLHL28	P coding	0,26	1,20	3,73	2,54	0,01132696	0,055629953	-3,968
ENSG00000207389	RNU1-4	snRNA	1,12	2,17	6,28	2,54	0,011329835	0,055629953	-3,969
ENSG00000207005	RNU1-2	snRNA	1,12	2,17	6,28	2,54	0,011329852	0,055629953	-3,969
ENSG00000206596	RNU1-27P	snRNA	1,12	2,17	6,28	2,54	0,011332172	0,055629953	-3,969
ENSG00000152270	PDE3B	P coding	0,32	1,25	1,04	2,54	0,011333627	0,055629953	-3,969
ENSG00000165684	SNAPC4	P coding	-0,17	-1,12	3,44	-2,54	0,011335733	0,055630661	-3,969
ENSG00000072080	SPP2	P coding	0,27	1,20	2,21	2,54	0,011361445	0,055747191	-3,971
ENSG00000083067	TRPM3	P coding	-0,33	-1,26	0,70	-2,54	0,011365168	0,055755805	-3,971
ENSG00000265213	MIR3684	miRNA	0,28	1,21	0,42	2,54	0,011380327	0,055820514	-3,973
ENSG00000239483	RPS15AP16	PP	-0,13	-1,09	0,44	-2,54	0,011382778	0,055822879	-3,973
ENSG00000188493	C19orf54	P coding	0,22	1,16	4,14	2,54	0,011395002	0,055873159	-3,974
ENSG00000105649	RAB3A	P coding	-0,26	-1,20	1,90	-2,54	0,011405299	0,055904308	-3,974
ENSG00000122406	RPL5	P coding	-0,23	-1,18	10,60	-2,54	0,011408027	0,055908009	-3,975
ENSG00000100461	RBM23	P coding	0,18	1,13	5,35	2,54	0,011413974	0,055920548	-3,975
ENSG00000225234	TRAPP12-AS1	lncRNA	0,18	1,13	0,86	2,54	0,011414531	0,055920548	-3,975
ENSG00000107679	PLEKHA1	P coding	0,45	1,37	1,80	2,54	0,01141778	0,055926802	-3,975
ENSG00000133059	DSTYK	P coding	0,19	1,14	2,19	2,54	0,011421938	0,055937502	-3,976
ENSG00000197872	CYRIA	P coding	-0,50	-1,42	4,48	-2,54	0,011436529	0,055999281	-3,977
ENSG00000269886	AC022382.1	lncRNA	-0,17	-1,12	0,80	-2,54	0,011441108	0,056012027	-3,977
ENSG00000266617	MIR3692	miRNA	0,17	1,12	0,13	2,54	0,011445354	0,056023138	-3,978
ENSG00000230071	RPL4P6	PP	0,10	1,07	0,41	2,54	0,011452177	0,056040343	-3,978
ENSG00000173141	MRPL57	P coding	0,20	1,15	4,01	2,54	0,011456512	0,056045893	-3,978
ENSG00000006837	CDKL3	P coding	0,15	1,11	2,34	2,54	0,011472479	0,056107468	-3,980
ENSG00000172379	ARNT2	P coding	-0,38	-1,30	2,14	-2,54	0,011475047	0,056110349	-3,980
ENSG00000253483	AC104561.2	PP	0,20	1,15	0,90	2,53	0,011484834	0,056148518	-3,981
ENSG00000118960	HS1BP3	P coding	0,20	1,15	3,41	2,53	0,011488367	0,056156106	-3,981
ENSG00000183615	FAM167B	P coding	0,24	1,18	0,94	2,53	0,011492378	0,056166024	-3,981
ENSG00000149970	CNKSR2	P coding	0,22	1,16	1,18	2,53	0,011499751	0,056192368	-3,982
ENSG00000165678	GHITM	P coding	0,17	1,13	7,00	2,53	0,011534156	0,056350773	-3,984
ENSG00000251665	AC005920.3	lncRNA	0,11	1,08	0,56	2,53	0,011540903	0,056374019	-3,985
ENSG00000167123	CERCAM	P coding	-0,42	-1,34	5,88	-2,53	0,011562764	0,056466647	-3,987
ENSG00000116663	FBXO6	P coding	0,25	1,19	3,39	2,53	0,01156385	0,056466647	-3,987
ENSG00000256571	AC079866.2	lncRNA	0,13	1,10	0,81	2,53	0,011583386	0,0565523	-3,988

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000103066	PLA2G15	P coding	0,32	1,25	4,22	2,53	0,011592518	0,056587137	-3,989
ENSG00000231344	AL020997.1	PP	0,13	1,09	0,48	2,53	0,01160866	0,056646425	-3,990
ENSG00000065361	ERBB3	P coding	0,16	1,12	1,19	2,53	0,011630167	0,056741603	-3,992
ENSG00000186088	GSAP	P coding	-0,27	-1,20	4,71	-2,53	0,011644129	0,056799945	-3,993
ENSG00000137947	GTF2B	P coding	0,21	1,16	5,42	2,53	0,011650069	0,056819143	-3,993
ENSG00000253738	OTUD6B-AS1	lncRNA	0,25	1,19	5,07	2,53	0,011658629	0,056851111	-3,994
ENSG00000165899	OTOGL	P coding	-0,38	-1,30	1,55	-2,53	0,011673044	0,056911613	-3,995
ENSG00000141293	SKAP1	P coding	-0,42	-1,34	3,56	-2,53	0,011685222	0,056961189	-3,996
ENSG00000171298	GAA	P coding	-0,29	-1,22	5,33	-2,53	0,01168944	0,056971951	-3,996
ENSG00000207654	MIR128-1	miRNA	-0,30	-1,23	0,50	-2,53	0,011697839	0,056999902	-3,997
ENSG00000136319	TTC5	P coding	0,26	1,20	2,45	2,53	0,011699197	0,056999902	-3,997
ENSG00000143612	C1orf43	P coding	0,16	1,11	7,48	2,53	0,011702573	0,057006552	-3,997
ENSG00000164151	ICE1	P coding	-0,19	-1,14	4,42	-2,53	0,011722727	0,057080352	-3,999
ENSG00000050438	SLC4A8	P coding	-0,20	-1,15	1,54	-2,53	0,011723872	0,057080352	-3,999
ENSG00000138449	SLC40A1	P coding	0,55	1,47	3,81	2,53	0,011725778	0,057080352	-3,999
ENSG00000214485	RPL7P1	PP	-0,21	-1,16	2,09	-2,53	0,011743899	0,057158749	-4,000
ENSG00000253982	AC100810.1	lncRNA	0,34	1,26	2,81	2,53	0,011749844	0,057177866	-4,001
ENSG00000260448	LCMT1-AS1	lncRNA	0,14	1,10	0,91	2,53	0,011759188	0,05720792	-4,002
ENSG00000158805	ZNF276	P coding	0,24	1,18	5,28	2,53	0,011760056	0,05720792	-4,002
ENSG00000263941	RN7SL32P	misc_RNA	0,21	1,16	2,13	2,53	0,011771223	0,057252312	-4,002
ENSG00000154114	TBCEL	P coding	-0,44	-1,35	5,72	-2,53	0,011774569	0,057252312	-4,003
ENSG00000269897	COMMD3-BMI1	P coding	-0,33	-1,26	5,41	-2,53	0,011775241	0,057252312	-4,003
ENSG00000146674	IGFBP3	P coding	0,41	1,33	0,71	2,53	0,01178293	0,057278167	-4,003
ENSG00000145287	PLAC8	P coding	0,52	1,43	6,21	2,53	0,011784622	0,057278167	-4,003
ENSG00000172239	PAIP1	P coding	-0,13	-1,10	6,02	-2,53	0,011786621	0,057278167	-4,004
ENSG00000167468	GPX4	P coding	-0,20	-1,15	7,63	-2,53	0,011795945	0,057313654	-4,004
ENSG00000177119	ANO6	P coding	0,22	1,17	3,33	2,52	0,011814545	0,057389102	-4,006
ENSG00000257727	CNPY2	P coding	0,20	1,15	7,68	2,52	0,011815523	0,057389102	-4,006
ENSG00000261359	PYCARD-AS1	lncRNA	0,21	1,15	0,72	2,52	0,011831416	0,057449429	-4,007
ENSG00000144362	PHOSPHO2	P coding	0,29	1,22	2,54	2,52	0,011831996	0,057449429	-4,007
ENSG00000148935	GAS2	P coding	0,68	1,60	2,99	2,52	0,01183558	0,057456987	-4,007
ENSG00000104218	CSPP1	P coding	0,19	1,14	3,87	2,52	0,011842937	0,057482859	-4,008
ENSG00000047056	WDR37	P coding	0,16	1,12	3,39	2,52	0,011845667	0,057486267	-4,008
ENSG00000244414	CFHR1	P coding	0,33	1,26	0,69	2,52	0,011852494	0,05750955	-4,008
ENSG00000167733	HSD11B1L	P coding	-0,21	-1,15	2,56	-2,52	0,011866631	0,057550362	-4,010
ENSG00000158825	CDA	P coding	0,48	1,40	1,14	2,52	0,011867599	0,057550362	-4,010
ENSG00000227671	AL390728.4	TUP	0,25	1,19	7,16	2,52	0,011869026	0,057550362	-4,010
ENSG00000213386	AC022217.2	PP	0,25	1,19	0,73	2,52	0,011887225	0,057628748	-4,011
ENSG00000134504	KCTD1	P coding	-0,30	-1,24	3,13	-2,52	0,011913506	0,057746278	-4,013
ENSG00000227308	LINC02832	lncRNA	0,14	1,10	1,01	2,52	0,011916492	0,057750879	-4,013
ENSG00000182022	CHST15	P coding	0,26	1,20	6,24	2,52	0,011924233	0,057768833	-4,014
ENSG00000171433	GLOD5	P coding	0,16	1,12	0,18	2,52	0,011924273	0,057768833	-4,014
ENSG00000004534	RBM6	P coding	-0,19	-1,14	6,92	-2,52	0,011941627	0,057843019	-4,015
ENSG00000205045	SLFN12L	P coding	0,30	1,23	2,54	2,52	0,011947562	0,057861883	-4,016
ENSG00000119514	GALNT12	P coding	-0,33	-1,25	2,67	-2,52	0,011951042	0,057868848	-4,016
ENSG00000115966	ATF2	P coding	0,19	1,14	4,73	2,52	0,011955585	0,05788224	-4,016
ENSG00000228700	AC010655.1	PP	0,15	1,11	0,37	2,52	0,011959786	0,057891411	-4,016
ENSG00000262202	AC007952.4	lncRNA	0,54	1,46	5,23	2,52	0,011961914	0,057891822	-4,017

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000166411	IDH3A	P coding	-0,23	-1,17	6,38	-2,52	0,011980565	0,057972191	-4,018
ENSG00000107518	ATRNL1	P coding	0,35	1,28	0,67	2,52	0,012003111	0,05805204	-4,020
ENSG00000228353	AL450322.1	lncRNA	0,22	1,16	0,55	2,52	0,012003211	0,05805204	-4,020
ENSG00000161010	MRNIP	P coding	-0,22	-1,17	5,66	-2,52	0,012032822	0,058185327	-4,022
ENSG00000270184	AC018695.4	lncRNA	0,19	1,14	1,51	2,52	0,012039082	0,058201655	-4,022
ENSG00000231971	CT69	lncRNA	-0,19	-1,14	0,67	-2,52	0,012040306	0,058201655	-4,022
ENSG00000260409	AC012414.4	lncRNA	0,33	1,25	0,93	2,52	0,01205248	0,058241764	-4,023
ENSG00000140319	SRP14	P coding	-0,17	-1,12	8,14	-2,52	0,012052713	0,058241764	-4,023
ENSG00000174886	NDUFA11	P coding	-0,15	-1,11	8,29	-2,52	0,012076687	0,05834767	-4,025
ENSG00000164050	PLXNB1	P coding	-0,46	-1,38	2,15	-2,52	0,012082888	0,058359756	-4,025
ENSG00000103187	COTL1	P coding	0,61	1,53	2,81	2,52	0,012083307	0,058359756	-4,026
ENSG00000170180	GYPA	P coding	0,33	1,26	0,94	2,52	0,012094438	0,058403565	-4,026
ENSG00000256193	LINC00507	lncRNA	0,11	1,08	0,90	2,52	0,012100973	0,058425171	-4,027
ENSG00000258810	AL133371.2	lncRNA	0,40	1,32	0,88	2,52	0,012104642	0,058432934	-4,027
ENSG00000140320	BAHD1	P coding	-0,19	-1,14	4,09	-2,52	0,01211792	0,058487069	-4,028
ENSG00000177225	GATD1	P coding	-0,30	-1,23	4,49	-2,52	0,01213075	0,058539027	-4,029
ENSG00000142621	FHAD1	P coding	-0,29	-1,22	0,93	-2,52	0,012140069	0,058574026	-4,030
ENSG00000254924	AP000867.2	PP	0,12	1,09	0,30	2,51	0,012149204	0,058602201	-4,030
ENSG00000254964	AP001458.1	lncRNA	-0,46	-1,38	1,88	-2,51	0,012150044	0,058602201	-4,030
ENSG00000062524	LTK	P coding	-0,59	-1,51	3,66	-2,51	0,012168081	0,058679215	-4,032
ENSG00000145703	IQGAP2	P coding	0,54	1,46	4,52	2,51	0,012172572	0,058690887	-4,032
ENSG00000160323	ADAMTS13	P coding	-0,26	-1,20	2,19	-2,51	0,01217744	0,058704373	-4,032
ENSG00000257624	AC004024.1	PP	0,16	1,11	0,40	2,51	0,012182732	0,058719898	-4,033
ENSG00000244607	CCDC13	P coding	-0,13	-1,10	0,97	-2,51	0,012192276	0,058755909	-4,033
ENSG00000256560	LINC01486	lncRNA	-0,11	-1,08	0,48	-2,51	0,012214797	0,058854436	-4,035
ENSG00000251348	HSPD1P11	PP	-0,13	-1,09	0,52	-2,51	0,012217261	0,058856301	-4,035
ENSG00000175189	INHBC	P coding	0,16	1,12	0,38	2,51	0,012224657	0,058881923	-4,036
ENSG00000138193	PLCE1	P coding	0,16	1,12	1,22	2,51	0,012234194	0,058912853	-4,036
ENSG00000135898	GPR55	P coding	-0,39	-1,31	0,91	-2,51	0,012235235	0,058912853	-4,037
ENSG00000182551	ADI1	P coding	0,20	1,15	5,97	2,51	0,0122401	0,058926269	-4,037
ENSG00000263989	RN7SL615P	misc_RNA	0,38	1,30	2,55	2,51	0,012243716	0,058933668	-4,037
ENSG00000039523	RIPOR1	P coding	0,38	1,30	5,38	2,51	0,012249632	0,058952134	-4,038
ENSG00000261028	AC012322.1	lncRNA	0,16	1,11	0,73	2,51	0,012262197	0,059002584	-4,039
ENSG00000260213	AC092718.2	lncRNA	0,14	1,10	1,05	2,51	0,012266454	0,059009008	-4,039
ENSG00000146576	C7orf26	P coding	-0,19	-1,14	4,96	-2,51	0,012267712	0,059009008	-4,039
ENSG00000179136	LINC00670	lncRNA	0,14	1,11	1,47	2,51	0,012270176	0,059009008	-4,039
ENSG00000119685	TTLL5	P coding	0,19	1,14	2,88	2,51	0,012271859	0,059009008	-4,039
ENSG00000231724	AC112907.1	lncRNA	0,26	1,20	0,70	2,51	0,012278571	0,059017186	-4,040
ENSG00000110455	ACCS	P coding	-0,40	-1,32	4,01	-2,51	0,012281196	0,059017186	-4,040
ENSG00000202512	RN7SKP230	misc_RNA	0,28	1,21	1,51	2,51	0,012281704	0,059017186	-4,040
ENSG00000177943	MAMDC4	P coding	-0,30	-1,23	3,68	-2,51	0,012281887	0,059017186	-4,040
ENSG00000156831	NSMCE2	P coding	-0,15	-1,11	4,77	-2,51	0,012297164	0,059060556	-4,041
ENSG00000165943	MOAP1	P coding	0,19	1,14	4,50	2,51	0,012302128	0,059074389	-4,041
ENSG00000204611	ZNF616	P coding	0,25	1,19	2,29	2,51	0,012306048	0,059083203	-4,042
ENSG00000163491	NEK10	P coding	0,11	1,08	0,63	2,51	0,012309159	0,059088133	-4,042
ENSG00000242398	RN7SL800P	misc_RNA	0,26	1,19	1,28	2,51	0,012316246	0,05911214	-4,042
ENSG00000164081	TEX264	P coding	-0,16	-1,12	6,14	-2,51	0,012321688	0,059128249	-4,043
ENSG00000269102	AC010320.4	lncRNA	0,19	1,14	1,17	2,51	0,012333887	0,05916873	-4,044

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000260505	AC096644.3	lncRNA	0,16	1,12	1,05	2,51	0,012334299	0,05916873	-4,044
ENSG00000259002	AL445363.1	lncRNA	0,19	1,14	1,36	2,51	0,012337143	0,059172361	-4,044
ENSG00000140750	ARHGAP17	P coding	0,33	1,25	3,64	2,51	0,012355508	0,059250419	-4,045
ENSG00000259182	AC019254.1	lncRNA	-0,17	-1,13	0,55	-2,51	0,012362282	0,059272878	-4,046
ENSG00000179051	RCC2	P coding	0,27	1,20	4,51	2,51	0,012367485	0,059287795	-4,046
ENSG00000176108	CHMP6	P coding	0,22	1,17	3,50	2,51	0,012371189	0,059295524	-4,046
ENSG00000222898	RN75KP97	misc_RNA	-0,17	-1,13	0,62	-2,51	0,012392051	0,059385472	-4,048
ENSG00000183617	MRPL54	P coding	-0,17	-1,13	6,81	-2,51	0,012406099	0,059442744	-4,049
ENSG00000246922	UBAP1L	P coding	-0,16	-1,12	1,80	-2,51	0,012434473	0,059555804	-4,051
ENSG00000120885	CLU	P coding	0,49	1,40	1,56	2,51	0,012439254	0,059555804	-4,051
ENSG00000215883	CYB5RL	P coding	0,18	1,13	2,09	2,51	0,01244011	0,059555804	-4,051
ENSG00000230499	AC108463.2	lncRNA	0,22	1,16	0,67	2,51	0,0124402	0,059555804	-4,051
ENSG00000252213	SNORA74D	snRNA	0,39	1,31	1,03	2,51	0,012443444	0,059561274	-4,051
ENSG00000122678	POLM	P coding	-0,21	-1,15	5,03	-2,51	0,01244863	0,059568638	-4,052
ENSG0000012174	MBTPS2	P coding	0,23	1,17	3,07	2,51	0,01245334	0,059578458	-4,052
ENSG00000107872	FBXL15	P coding	0,17	1,13	4,47	2,51	0,012480388	0,059697786	-4,054
ENSG00000137821	LRRC49	P coding	0,16	1,12	1,66	2,50	0,012518685	0,059864296	-4,057
ENSG00000243437	RN75L370P	misc_RNA	0,18	1,13	0,86	2,50	0,012519422	0,059864296	-4,057
ENSG00000120860	WASHC3	P coding	0,24	1,18	5,57	2,50	0,012528673	0,059889302	-4,057
ENSG00000145147	SLIT2	P coding	0,32	1,25	1,00	2,50	0,012528878	0,059889302	-4,057
ENSG00000135269	TES	P coding	0,26	1,19	6,09	2,50	0,012538245	0,059923972	-4,058
ENSG00000204420	MPIG6B	P coding	0,24	1,18	0,90	2,50	0,012541573	0,059929777	-4,058
ENSG00000269951	AC090181.2	lncRNA	0,28	1,22	2,75	2,50	0,012549806	0,059957552	-4,059
ENSG00000253103	LINC01609	lncRNA	0,27	1,21	4,62	2,50	0,012551616	0,059957552	-4,059
ENSG00000163263	C1orf189	P coding	0,12	1,09	0,55	2,50	0,012559157	0,059983463	-4,060
ENSG00000180834	MAP6D1	P coding	-0,15	-1,11	1,54	-2,50	0,012561672	0,059985369	-4,060
ENSG00000100162	CENPM	P coding	0,31	1,24	3,13	2,50	0,012577305	0,060049906	-4,061
ENSG00000067167	TRAM1	P coding	0,20	1,15	9,03	2,50	0,012599652	0,060146468	-4,062
ENSG00000065613	SLK	P coding	0,23	1,17	3,32	2,50	0,012607295	0,060172822	-4,063
ENSG00000242735	RPSAP26	PP	0,16	1,12	0,59	2,50	0,012630937	0,060265365	-4,065
ENSG00000271482	AC005070.2	PP	0,13	1,09	0,28	2,50	0,012644934	0,060315057	-4,066
ENSG00000158161	EYA3	P coding	0,19	1,14	2,98	2,50	0,012645607	0,060315057	-4,066
ENSG00000188404	SELL	P coding	0,73	1,65	3,15	2,50	0,012648885	0,06032054	-4,066
ENSG00000243725	TTC4	P coding	0,22	1,16	3,71	2,50	0,012661133	0,060358639	-4,067
ENSG00000150967	ABCB9	P coding	0,43	1,35	4,26	2,50	0,01267008	0,060391138	-4,067
ENSG00000120256	LRP11	P coding	0,37	1,30	1,93	2,50	0,012672972	0,060394766	-4,068
ENSG00000141522	ARHGDIA	P coding	0,17	1,13	7,83	2,50	0,012692672	0,060473079	-4,069
ENSG00000223768	LINC00205	lncRNA	0,23	1,17	2,26	2,50	0,012693672	0,060473079	-4,069
ENSG00000142327	RNPEPL1	P coding	0,20	1,15	5,71	2,50	0,012717021	0,060574133	-4,071
ENSG00000204264	PSMB8	P coding	0,20	1,15	6,96	2,50	0,012726878	0,060610902	-4,071
ENSG00000203531	AC104772.1	PP	0,09	1,07	0,67	2,50	0,01273926	0,06065968	-4,072
ENSG00000214160	ALG3	P coding	-0,26	-1,20	6,27	-2,50	0,012757746	0,0607375	-4,073
ENSG00000222650	RNU2-70P	snRNA	0,27	1,21	0,89	2,50	0,012773832	0,060794743	-4,075
ENSG00000272009	AL121944.2	lncRNA	0,23	1,17	2,49	2,50	0,01277406	0,060794743	-4,075
ENSG00000085719	CPNE3	P coding	0,23	1,18	5,12	2,50	0,012778015	0,06080336	-4,075
ENSG00000178127	NDUFV2	P coding	0,17	1,13	7,20	2,50	0,012792747	0,060863242	-4,076
ENSG00000100614	PPM1A	P coding	0,26	1,20	5,54	2,50	0,012800319	0,060889051	-4,076
ENSG00000141965	FEM1A	P coding	-0,26	-1,20	3,88	-2,50	0,012811732	0,060933114	-4,077

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000163046	ANKRD30BL	P coding	0,24	1,18	0,67	2,50	0,012824661	0,060976995	-4,078
ENSG00000132518	GUCY2D	P coding	-0,32	-1,25	0,96	-2,50	0,012825261	0,060976995	-4,078
ENSG00000240253	FAR2P3	TUP	0,16	1,12	0,58	2,50	0,012828473	0,060982039	-4,078
ENSG00000184584	STING1	P coding	0,57	1,48	5,14	2,50	0,012832244	0,060988098	-4,079
ENSG00000230368	FAM41C	lncRNA	0,20	1,15	1,01	2,50	0,012839531	0,060988098	-4,079
ENSG00000212125	TAS2R15P	unPP	0,11	1,08	0,51	2,50	0,012839757	0,060988098	-4,079
ENSG00000260886	TAT-AS1	lncRNA	0,12	1,09	0,34	2,50	0,012840196	0,060988098	-4,079
ENSG00000140718	FTO	P coding	0,25	1,19	3,53	2,50	0,012840506	0,060988098	-4,079
ENSG00000100387	RBX1	P coding	0,19	1,14	5,16	2,49	0,01285794	0,061060677	-4,080
ENSG00000149054	ZNF215	P coding	-0,34	-1,26	5,25	-2,49	0,012869095	0,061103411	-4,081
ENSG00000136732	GYPC	P coding	-0,26	-1,20	7,39	-2,49	0,012883525	0,061161679	-4,082
ENSG00000224903	AC005534.1	lncRNA	0,16	1,12	0,99	2,49	0,012927754	0,061361372	-4,085
ENSG00000046651	OFD1	P coding	0,23	1,17	5,38	2,49	0,012930073	0,061362102	-4,085
ENSG00000271986	RN7SL827P	misc_RNA	0,23	1,17	1,79	2,49	0,012945401	0,061424561	-4,086
ENSG00000130826	DKC1	P coding	-0,22	-1,17	5,86	-2,49	0,012957057	0,061469577	-4,087
ENSG00000227726	AP001271.1	lncRNA	0,23	1,17	0,35	2,49	0,012963405	0,061489404	-4,088
ENSG00000240204	SMKR1	P coding	-0,30	-1,23	1,16	-2,49	0,012971628	0,061518115	-4,088
ENSG00000167272	POP5	P coding	0,22	1,16	6,35	2,49	0,012981362	0,061549866	-4,089
ENSG00000092531	SNAP23	P coding	-0,17	-1,12	5,75	-2,49	0,012982666	0,061549866	-4,089
ENSG00000126231	PRO2	P coding	-0,19	-1,14	0,78	-2,49	0,012989655	0,061567658	-4,089
ENSG00000131116	ZNF428	P coding	-0,18	-1,13	5,13	-2,49	0,012990763	0,061567658	-4,089
ENSG00000129493	HEATR5A	P coding	0,19	1,14	3,40	2,49	0,012995295	0,061578843	-4,090
ENSG00000267581	AC011477.3	lncRNA	0,14	1,10	0,82	2,49	0,013005734	0,061607708	-4,090
ENSG00000260992	DOCK9-DT	lncRNA	0,21	1,16	1,11	2,49	0,013020419	0,061666968	-4,091
ENSG00000226053	LINC01776	lncRNA	0,13	1,09	1,12	2,49	0,013032914	0,061715834	-4,092
ENSG00000248302	BNIP3P41	TPP	0,46	1,38	1,30	2,49	0,013037352	0,061726536	-4,093
ENSG00000265496	AC100778.3	lncRNA	0,15	1,11	1,10	2,49	0,013044365	0,061745486	-4,093
ENSG00000227400	AC012501.2	lncRNA	0,14	1,10	0,31	2,49	0,013049906	0,061745486	-4,093
ENSG00000149269	PAK1	P coding	-0,27	-1,21	5,38	-2,49	0,013050067	0,061745486	-4,093
ENSG00000100994	PYGB	P coding	0,31	1,24	5,17	2,49	0,01305844	0,061752595	-4,094
ENSG00000144445	KANSL1L	P coding	0,22	1,17	3,59	2,49	0,013058875	0,061752595	-4,094
ENSG00000187098	MITF	P coding	0,23	1,17	1,77	2,49	0,013059899	0,061752595	-4,094
ENSG00000100577	GSTZ1	P coding	-0,26	-1,20	3,74	-2,49	0,013063613	0,061752595	-4,094
ENSG00000115935	WIPF1	P coding	0,22	1,17	6,68	2,49	0,013064223	0,061752595	-4,094
ENSG00000253710	ALG11	P coding	-0,20	-1,15	2,92	-2,49	0,013064641	0,061752595	-4,094
ENSG00000237940	LINC01238	lncRNA	0,25	1,19	3,99	2,49	0,013072048	0,061777306	-4,095
ENSG00000259287	AC010809.1	lncRNA	-0,25	-1,19	2,82	-2,49	0,013078053	0,06179538	-4,095
ENSG00000249731	AC126768.2	lncRNA	0,30	1,23	4,73	2,49	0,013084434	0,061815228	-4,096
ENSG00000225556	C2CD4D	P coding	0,29	1,22	1,52	2,49	0,013087392	0,061818901	-4,096
ENSG00000259443	AC012414.3	lncRNA	0,21	1,16	0,34	2,49	0,013097356	0,061855658	-4,097
ENSG00000123595	RAB9A	P coding	0,21	1,16	5,10	2,49	0,013112193	0,061915414	-4,098
ENSG00000261351	AC116913.1	lncRNA	0,16	1,12	2,20	2,49	0,013114819	0,061917498	-4,098
ENSG00000143951	WDPCP	P coding	0,16	1,12	3,53	2,49	0,013151348	0,062069282	-4,100
ENSG00000182253	SYNM	P coding	0,52	1,43	1,76	2,49	0,013156844	0,062084886	-4,101
ENSG00000132470	ITGB4	P coding	0,27	1,20	3,02	2,49	0,013166249	0,062118925	-4,101
ENSG00000233110	AC093797.1	lncRNA	0,24	1,18	1,22	2,49	0,013175173	0,062150684	-4,102
ENSG00000073331	ALPK1	P coding	0,23	1,17	3,24	2,49	0,01318402	0,062182068	-4,102
ENSG00000267838	AC245884.8	lncRNA	0,23	1,17	1,13	2,49	0,013187723	0,062189188	-4,103

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000010322	NISCH	P coding	-0,19	-1,14	5,85	-2,49	0,01319747	0,062219253	-4,103
ENSG000000158560	DYNC1I1	P coding	0,24	1,18	1,16	2,49	0,01319924	0,062219253	-4,103
ENSG000000085063	CD59	P coding	0,29	1,22	7,96	2,49	0,013200684	0,062219253	-4,104
ENSG000000267042	AC100793.2	lncRNA	0,36	1,28	1,31	2,48	0,013214008	0,062270649	-4,104
ENSG000000245556	SCAMP1-AS1	lncRNA	0,24	1,18	3,15	2,48	0,013217051	0,062270649	-4,105
ENSG000000116985	BMP8B	P coding	0,41	1,33	5,07	2,48	0,013219919	0,062270649	-4,105
ENSG000000071462	BUD23	P coding	0,20	1,15	7,49	2,48	0,013220376	0,062270649	-4,105
ENSG000000101935	AMMECR1	P coding	0,22	1,16	2,66	2,48	0,01323043	0,062296108	-4,106
ENSG000000092439	TRPM7	P coding	-0,17	-1,13	4,35	-2,48	0,013232372	0,062296108	-4,106
ENSG000000230866	LINC02558	lncRNA	0,16	1,12	0,49	2,48	0,013234676	0,062296108	-4,106
ENSG000000139899	CBLN3	P coding	0,38	1,30	2,19	2,48	0,013259021	0,062380821	-4,107
ENSG000000196352	CD55	P coding	0,30	1,23	6,70	2,48	0,013259171	0,062380821	-4,107
ENSG000000175573	C11orf68	P coding	0,25	1,19	4,71	2,48	0,013264518	0,062395621	-4,108
ENSG000000253005	RNU6-176P	snRNA	0,14	1,10	0,10	2,48	0,013271025	0,062415874	-4,108
ENSG000000149743	TRPT1	P coding	-0,17	-1,12	6,15	-2,48	0,013290675	0,062497923	-4,110
ENSG000000244198	ARHGEF35-AS1	lncRNA	-0,47	-1,38	4,09	-2,48	0,013304931	0,062553528	-4,110
ENSG000000273464	AP000238.1	lncRNA	0,18	1,13	0,93	2,48	0,013306914	0,062553528	-4,111
ENSG000000168005	SPINDOC	P coding	-0,21	-1,15	3,80	-2,48	0,013314783	0,062580142	-4,111
ENSG000000167460	TPM4	P coding	-0,34	-1,27	9,03	-2,48	0,013321532	0,062601482	-4,112
ENSG000000259479	SORD2P	TUP	-0,28	-1,22	1,38	-2,48	0,013327744	0,062620293	-4,112
ENSG000000147003	CLTRN	P coding	0,11	1,08	0,47	2,48	0,013356659	0,062727491	-4,114
ENSG000000213995	NAXD	P coding	-0,26	-1,20	3,31	-2,48	0,013357894	0,062727491	-4,114
ENSG000000214837	LINC01347	TUP	0,25	1,19	3,95	2,48	0,013359411	0,062727491	-4,114
ENSG000000196646	ZNF136	P coding	-0,21	-1,16	3,40	-2,48	0,013362304	0,062730684	-4,114
ENSG000000238795	SCARNA12	snRNA	-0,23	-1,18	4,09	-2,48	0,013387952	0,062840685	-4,116
ENSG000000103037	SETD6	P coding	0,23	1,17	4,55	2,48	0,013396612	0,062870919	-4,117
ENSG000000177340	AC024940.1	lncRNA	0,19	1,14	1,00	2,48	0,013402252	0,062886977	-4,117
ENSG000000263575	MIR4665	miRNA	0,40	1,32	1,19	2,48	0,013405304	0,06289089	-4,117
ENSG000000165495	PKNOX2	P coding	0,13	1,10	0,32	2,48	0,013412628	0,062905022	-4,118
ENSG000000110002	VWA5A	P coding	0,41	1,33	3,16	2,48	0,013412755	0,062905022	-4,118
ENSG000000222724	RNU2-63P	snRNA	0,59	1,51	5,07	2,48	0,013422091	0,062938395	-4,118
ENSG000000187942	LDLRAD2	P coding	-0,49	-1,40	2,11	-2,48	0,013427701	0,062954287	-4,119
ENSG000000139998	RAB15	P coding	0,42	1,34	1,57	2,48	0,013430437	0,0629567	-4,119
ENSG000000100902	PSMA6	P coding	0,17	1,13	7,01	2,48	0,013443244	0,0629996	-4,120
ENSG000000223583	AL513365.1	PP	0,13	1,09	0,63	2,48	0,013444034	0,0629996	-4,120
ENSG000000204338	CYP21A1P	TUP	0,34	1,26	1,02	2,48	0,013457856	0,063049095	-4,121
ENSG000000244021	AC093591.1	PP	-0,15	-1,11	0,65	-2,48	0,013459044	0,063049095	-4,121
ENSG000000147416	ATP6V1B2	P coding	0,21	1,16	4,21	2,48	0,013473653	0,063101126	-4,122
ENSG00000023572	GLRX2	P coding	0,25	1,19	4,23	2,48	0,013474604	0,063101126	-4,122
ENSG000000243071	AC107032.1	PP	-0,12	-1,09	0,53	-2,48	0,013492578	0,063173337	-4,123
ENSG000000178338	ZNF354B	P coding	0,37	1,29	2,90	2,48	0,013496808	0,063173337	-4,123
ENSG000000223224	SNORD71	snRNA	0,49	1,40	2,03	2,48	0,013497276	0,063173337	-4,123
ENSG000000108312	UBTF	P coding	0,24	1,18	5,45	2,48	0,013498938	0,063173337	-4,123
ENSG000000198218	QRICH1	P coding	-0,17	-1,13	6,35	-2,48	0,01351392	0,063222572	-4,124
ENSG000000260917	AL158212.3	lncRNA	0,15	1,11	1,09	2,48	0,013524685	0,063262497	-4,125
ENSG000000197299	BLM	P coding	-0,33	-1,26	2,68	-2,48	0,013530192	0,063277813	-4,125
ENSG000000013725	CD6	P coding	0,23	1,18	2,48	2,48	0,013539295	0,06330994	-4,126
ENSG000000145826	LECT2	P coding	0,14	1,10	1,09	2,48	0,013544904	0,063325724	-4,126

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000230287	AL445928.1	PP	0,22	1,16	0,83	2,48	0,013554564	0,063360432	-4,127
ENSG00000100297	MCM5	P coding	0,28	1,21	4,93	2,48	0,013566066	0,063388978	-4,128
ENSG00000211697	TRGV5	TR_V_gene	-0,40	-1,32	2,30	-2,48	0,013567379	0,063388978	-4,128
ENSG00000260423	LINC02367	lncRNA	0,11	1,08	0,43	2,48	0,013576632	0,063421756	-4,128
ENSG00000053501	USE1	P coding	-0,18	-1,13	5,79	-2,47	0,013587112	0,063460253	-4,129
ENSG00000143499	SMYD2	P coding	0,22	1,17	4,46	2,47	0,013592006	0,063472652	-4,129
ENSG00000211514	MIR454	miRNA	0,18	1,13	0,17	2,47	0,013600591	0,063502284	-4,130
ENSG00000119285	HEATR1	P coding	0,24	1,18	3,67	2,47	0,013606541	0,063519601	-4,130
ENSG00000170653	ATF7	P coding	0,17	1,12	3,66	2,47	0,013650071	0,0637084	-4,133
ENSG00000168556	ING2	P coding	0,28	1,21	3,97	2,47	0,013651479	0,0637084	-4,133
ENSG00000267216	AC020915.1	lncRNA	0,10	1,07	0,62	2,47	0,013661921	0,063746637	-4,134
ENSG00000215784	FAM72D	P coding	0,26	1,20	1,16	2,47	0,013669592	0,063771929	-4,134
ENSG00000265675	RN7SL708P	misc_RNA	0,12	1,09	0,47	2,47	0,013697744	0,063892754	-4,136
ENSG00000069329	VPS35	P coding	0,27	1,20	4,32	2,47	0,013716985	0,063971976	-4,137
ENSG00000168286	THAP11	P coding	0,21	1,15	4,58	2,47	0,013726029	0,064003624	-4,138
ENSG00000206926	RNU6-1024P	snRNA	-0,48	-1,40	2,78	-2,47	0,013734261	0,064031475	-4,138
ENSG00000154274	C4orf19	P coding	0,13	1,09	0,72	2,47	0,013738998	0,064043023	-4,139
ENSG00000222614	AC008635.1	misc_RNA	0,29	1,22	0,44	2,47	0,013750989	0,064085489	-4,139
ENSG00000165617	DACT1	P coding	0,19	1,14	0,39	2,47	0,013752629	0,064085489	-4,140
ENSG00000126756	UXT	P coding	-0,11	-1,08	7,82	-2,47	0,013760191	0,064110188	-4,140
ENSG00000135537	AFG1L	P coding	0,17	1,13	2,13	2,47	0,013765463	0,064124211	-4,140
ENSG00000150337	FCGR1A	P coding	0,27	1,21	0,68	2,47	0,013771945	0,064138046	-4,141
ENSG00000014919	COX15	P coding	0,21	1,15	4,16	2,47	0,013772959	0,064138046	-4,141
ENSG00000119969	HELLS	P coding	0,28	1,21	2,22	2,47	0,013780245	0,064161437	-4,141
ENSG00000139116	KIF21A	P coding	0,23	1,18	3,86	2,47	0,013790674	0,064199451	-4,142
ENSG00000145431	PDGFC	P coding	0,38	1,30	1,00	2,47	0,01379828	0,06422431	-4,143
ENSG00000240665	LSP1P2	PP	0,28	1,21	0,32	2,47	0,01380874	0,064262443	-4,143
ENSG00000207160	RNU6-1289P	snRNA	-0,49	-1,41	1,91	-2,47	0,013819364	0,064301327	-4,144
ENSG00000197608	ZNF841	P coding	0,46	1,38	3,58	2,47	0,013841474	0,06438307	-4,145
ENSG00000255031	AP002807.1	lncRNA	-0,30	-1,23	4,59	-2,47	0,013850306	0,064406901	-4,146
ENSG00000143479	DYRK3	P coding	0,24	1,18	1,89	2,47	0,013851142	0,064406901	-4,146
ENSG00000227036	LINC00511	lncRNA	0,18	1,13	1,81	2,47	0,013857464	0,064407948	-4,146
ENSG00000185499	MUC1	P coding	0,60	1,52	2,56	2,47	0,013858069	0,064407948	-4,146
ENSG00000259211	AC013356.2	lncRNA	-0,13	-1,09	0,69	-2,47	0,013871679	0,0644601	-4,147
ENSG00000257410	AC089984.1	lncRNA	0,23	1,18	1,70	2,47	0,013878372	0,06448063	-4,148
ENSG00000202078	AL513282.1	misc_RNA	0,55	1,47	2,97	2,47	0,013913794	0,06462402	-4,150
ENSG00000226521	AC087499.2	TUP	-0,28	-1,22	0,82	-2,47	0,013921461	0,06464904	-4,150
ENSG00000268729	AC020922.2	lncRNA	-0,26	-1,19	0,30	-2,47	0,013927165	0,064664932	-4,151
ENSG00000214562	NUTM2D	P coding	0,16	1,11	1,22	2,47	0,013933501	0,064675403	-4,151
ENSG00000162368	CMPK1	P coding	0,16	1,12	6,06	2,47	0,013933983	0,064675403	-4,151
ENSG00000173085	COQ2	P coding	0,31	1,24	3,31	2,47	0,013942551	0,064698248	-4,152
ENSG00000134982	APC	P coding	-0,19	-1,14	2,86	-2,47	0,013962504	0,064755465	-4,153
ENSG00000183751	TBL3	P coding	0,17	1,12	4,77	2,47	0,013962655	0,064755465	-4,153
ENSG00000183230	CTNNA3	P coding	0,36	1,28	1,22	2,46	0,013972387	0,064782657	-4,154
ENSG00000122644	ARL4A	P coding	0,35	1,28	4,64	2,46	0,013974435	0,064782657	-4,154
ENSG00000112305	SMAP1	P coding	0,17	1,12	4,23	2,46	0,013975374	0,064782657	-4,154
ENSG00000232386	AC015712.1	lncRNA	0,18	1,14	1,20	2,46	0,013980958	0,064795224	-4,154
ENSG00000205041	AC118344.1	lncRNA	-0,17	-1,13	1,01	-2,46	0,013982657	0,064795224	-4,154

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000161202	DVL3	P coding	-0,17	-1,12	5,70	-2,46	0,013997605	0,064853892	-4,155
ENSG00000100926	TM9SF1	P coding	0,21	1,15	6,08	2,46	0,014018393	0,064939595	-4,156
ENSG00000196547	MAN2A2	P coding	-0,23	-1,17	5,98	-2,46	0,01402899	0,064978064	-4,157
ENSG00000116266	STXBP3	P coding	0,18	1,14	4,44	2,46	0,014035863	0,064999278	-4,158
ENSG00000236581	STARD13-AS	lncRNA	0,18	1,13	0,55	2,46	0,014046602	0,065033297	-4,158
ENSG00000179314	WSCD1	P coding	0,62	1,54	1,45	2,46	0,014049829	0,065033297	-4,158
ENSG00000160803	UBQLN4	P coding	0,23	1,17	4,97	2,46	0,014050092	0,065033297	-4,158
ENSG00000198142	SOWAHC	P coding	0,51	1,43	2,26	2,46	0,014057357	0,0650563	-4,159
ENSG00000079805	DNM2	P coding	-0,16	-1,12	7,12	-2,46	0,014079574	0,065148484	-4,160
ENSG00000200095	RNU6-181P	snRNA	-0,49	-1,41	1,69	-2,46	0,014082294	0,065150435	-4,160
ENSG00000105397	TYK2	P coding	-0,17	-1,13	7,54	-2,46	0,014110999	0,065272581	-4,162
ENSG00000238131	LINC02854	lncRNA	0,13	1,10	0,47	2,46	0,014154015	0,065456651	-4,165
ENSG00000163939	PBRM1	P coding	0,20	1,15	4,41	2,46	0,014155411	0,065456651	-4,165
ENSG00000099849	RASSF7	P coding	-0,22	-1,17	4,39	-2,46	0,0141656	0,065493085	-4,166
ENSG00000111664	GNB3	P coding	-0,45	-1,37	2,49	-2,46	0,014182793	0,065561879	-4,167
ENSG00000141028	CDRT15P1	unPP	0,21	1,16	1,23	2,46	0,014207257	0,065653556	-4,168
ENSG00000242391	AC099677.3	lncRNA	0,12	1,09	0,29	2,46	0,014216143	0,065679362	-4,169
ENSG00000180229	HERC2P3	TUP	-0,43	-1,35	4,16	-2,46	0,014221196	0,065679362	-4,169
ENSG00000228384	AC007040.1	lncRNA	0,12	1,09	0,61	2,46	0,01422211	0,065679362	-4,169
ENSG00000250978	AC079467.1	lncRNA	-0,35	-1,27	0,55	-2,46	0,014242129	0,065761098	-4,170
ENSG00000132846	ZBED3	P coding	-0,27	-1,21	2,75	-2,46	0,014252175	0,065796769	-4,171
ENSG00000213199	ASIC3	P coding	-0,34	-1,26	3,19	-2,46	0,014255722	0,065802425	-4,171
ENSG00000240927	RN7SL209P	misc_RNA	0,15	1,11	0,29	2,46	0,014271151	0,065862919	-4,172
ENSG00000166200	COPS2	P coding	-0,22	-1,16	5,73	-2,46	0,014281423	0,065899596	-4,173
ENSG00000166401	SERPINB8	P coding	0,44	1,35	1,89	2,46	0,014290494	0,065930718	-4,173
ENSG00000131773	KHDRBS3	P coding	0,41	1,33	1,29	2,46	0,014310764	0,066013491	-4,175
ENSG00000246339	EXTL3-AS1	lncRNA	0,18	1,14	1,36	2,46	0,014316414	0,066027783	-4,175
ENSG00000224218	AC107072.1	lncRNA	0,33	1,26	0,44	2,46	0,014318521	0,066027783	-4,175
ENSG00000096696	DSP	P coding	0,17	1,12	0,25	2,46	0,014329046	0,06606557	-4,176
ENSG00000200041	AL133548.1	misc_RNA	0,43	1,35	1,39	2,45	0,014365544	0,066212309	-4,178
ENSG00000172354	GNB2	P coding	0,18	1,13	6,70	2,45	0,014369145	0,066218141	-4,178
ENSG00000164647	STEAP1	P coding	0,36	1,29	0,86	2,45	0,014377845	0,066247464	-4,179
ENSG00000234028	EIF2AK3-DT	lncRNA	0,23	1,17	2,89	2,45	0,014380515	0,066248997	-4,179
ENSG00000125835	SNRPB	P coding	0,18	1,13	6,73	2,45	0,014404918	0,066340438	-4,180
ENSG00000105723	GSK3A	P coding	-0,15	-1,11	5,74	-2,45	0,014405045	0,066340438	-4,180
ENSG00000100711	ZFYVE21	P coding	0,22	1,16	3,86	2,45	0,014414958	0,066375309	-4,181
ENSG00000154146	NRGN	P coding	0,35	1,27	1,16	2,45	0,014443441	0,066495658	-4,183
ENSG00000136146	MED4	P coding	-0,18	-1,13	4,97	-2,45	0,014460281	0,06655157	-4,184
ENSG00000267244	AC012615.6	lncRNA	-0,21	-1,16	2,63	-2,45	0,014468577	0,06657894	-4,184
ENSG00000103966	EHD4	P coding	-0,35	-1,27	4,11	-2,45	0,014475161	0,066598426	-4,185
ENSG00000114541	FRMD4B	P coding	0,34	1,27	1,65	2,45	0,014507735	0,066737464	-4,187
ENSG00000114853	ZBTB47	P coding	-0,27	-1,21	1,88	-2,45	0,014519333	0,066779979	-4,187
ENSG00000254706	AL512785.2	P coding	0,21	1,16	0,39	2,45	0,014523821	0,066789783	-4,188
ENSG00000240891	PLCXD2	P coding	-0,34	-1,27	3,13	-2,45	0,014532181	0,066817387	-4,188
ENSG00000032444	PNPLA6	P coding	-0,17	-1,13	5,77	-2,45	0,01454266	0,066850495	-4,189
ENSG00000206149	HERC2P9	TUP	-0,27	-1,21	5,09	-2,45	0,014549303	0,066863577	-4,189
ENSG00000115816	CEBPZ	P coding	0,16	1,12	4,79	2,45	0,014554741	0,066877727	-4,189
ENSG00000183826	BTBD9	P coding	0,22	1,16	2,61	2,45	0,014565945	0,066916204	-4,190

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000130764	LRRC47	P coding	0,17	1,12	5,06	2,45	0,014567837	0,066916204	-4,190
ENSG00000122705	CLTA	P coding	-0,19	-1,14	6,23	-2,45	0,01457072	0,066918604	-4,190
ENSG00000150477	KIAA1328	P coding	0,25	1,19	4,88	2,45	0,01457698	0,066936512	-4,191
ENSG00000035720	STAP1	P coding	-0,51	-1,43	5,26	-2,45	0,014601295	0,067037302	-4,192
ENSG00000214432	VPS33B-DT	lncRNA	0,12	1,09	1,04	2,45	0,014650881	0,067254067	-4,195
ENSG00000258123	LINC02444	lncRNA	0,16	1,12	1,36	2,45	0,014667423	0,067293807	-4,196
ENSG00000139263	LRIG3	P coding	0,46	1,37	2,46	2,45	0,014670784	0,067293807	-4,196
ENSG00000136048	DRAM1	P coding	0,22	1,17	3,74	2,45	0,014670797	0,067293807	-4,196
ENSG00000100116	GCAT	P coding	-0,42	-1,34	1,94	-2,45	0,014671408	0,067293807	-4,196
ENSG00000141337	ARSG	P coding	-0,25	-1,19	4,33	-2,45	0,014678961	0,067317559	-4,197
ENSG00000039068	CDH1	P coding	0,41	1,32	0,95	2,45	0,014682994	0,067323484	-4,197
ENSG00000148331	ASB6	P coding	-0,16	-1,11	4,09	-2,45	0,014685003	0,067323484	-4,197
ENSG00000163249	CCNYL1	P coding	0,22	1,16	4,16	2,45	0,014690221	0,067336515	-4,198
ENSG00000223156	RNU2-18P	snRNA	0,26	1,20	0,69	2,45	0,014693151	0,067339056	-4,198
ENSG00000152154	TMEM178A	P coding	-0,28	-1,21	2,96	-2,45	0,01469784	0,067349657	-4,198
ENSG00000143164	DCAF6	P coding	0,19	1,14	4,87	2,45	0,014736298	0,067504056	-4,200
ENSG00000262262	AC026271.2	TPP	0,44	1,35	1,32	2,45	0,014745815	0,067526859	-4,201
ENSG00000237356	AL365295.1	lncRNA	0,17	1,12	1,57	2,45	0,01474604	0,067526859	-4,201
ENSG00000165215	CLDN3	P coding	0,63	1,55	1,32	2,44	0,014756065	0,067561852	-4,202
ENSG00000070614	NDST1	P coding	-0,23	-1,18	3,95	-2,44	0,014760181	0,067569781	-4,202
ENSG00000226221	RPL26P19	PP	-0,12	-1,09	0,55	-2,44	0,014788456	0,067666435	-4,203
ENSG00000127946	HIP1	P coding	0,28	1,21	1,51	2,44	0,01479407	0,0676812	-4,204
ENSG00000273483	AL354760.1	lncRNA	0,12	1,09	0,54	2,44	0,014803805	0,067714807	-4,204
ENSG00000233845	AC093732.1	lncRNA	0,13	1,10	0,55	2,44	0,014808956	0,06772744	-4,205
ENSG00000244265	SIAH2-AS1	lncRNA	0,23	1,17	1,67	2,44	0,014821973	0,067772395	-4,205
ENSG00000228039	AC253536.2	PP	0,13	1,09	0,30	2,44	0,014823568	0,067772395	-4,206
ENSG00000258315	C17orf49	P coding	0,28	1,21	5,93	2,44	0,014833122	0,06780514	-4,206
ENSG00000260244	AC104083.1	lncRNA	0,37	1,29	0,75	2,44	0,014849819	0,067870519	-4,207
ENSG00000188976	NOC2L	P coding	0,17	1,12	5,60	2,44	0,014858913	0,067901135	-4,208
ENSG00000110934	BIN2	P coding	0,21	1,16	5,79	2,44	0,014869798	0,067939925	-4,208
ENSG00000150627	WDR17	P coding	-0,29	-1,22	2,00	-2,44	0,014880753	0,067974282	-4,209
ENSG00000203506	RBMS3-AS2	lncRNA	0,11	1,08	0,64	2,44	0,014882114	0,067974282	-4,209
ENSG00000267352	SH3GL1P3	PP	0,24	1,18	2,78	2,44	0,014910499	0,068060067	-4,211
ENSG00000245384	CXXC4-AS1	lncRNA	0,09	1,06	0,66	2,44	0,014931714	0,068145928	-4,212
ENSG00000237453	AC096536.1	lncRNA	0,20	1,15	0,81	2,44	0,01493519	0,068146131	-4,212
ENSG00000147255	IGSF1	P coding	-0,28	-1,22	0,79	-2,44	0,014936566	0,068146131	-4,212
ENSG00000231193	AL157884.2	lncRNA	-0,18	-1,13	0,87	-2,44	0,014939448	0,068148309	-4,212
ENSG00000167723	TRPV3	P coding	-0,47	-1,39	2,69	-2,44	0,014943329	0,068155046	-4,213
ENSG00000240303	ACAD11	P coding	-0,23	-1,18	5,21	-2,44	0,014966159	0,068237213	-4,214
ENSG00000221288	MIR663B	miRNA	0,47	1,39	3,94	2,44	0,014995886	0,06834821	-4,216
ENSG00000125611	CHCHD5	P coding	0,15	1,11	4,86	2,44	0,01499689	0,06834821	-4,216
ENSG00000117862	TXNDC12	P coding	0,18	1,14	5,29	2,44	0,014997737	0,06834821	-4,216
ENSG00000184492	FOXO4L1	P coding	0,12	1,08	0,49	2,44	0,015011179	0,068398468	-4,217
ENSG00000103852	TTC23	P coding	0,27	1,20	2,04	2,44	0,015030818	0,068476949	-4,218
ENSG00000164398	ACSL6	P coding	0,16	1,12	0,62	2,44	0,015035996	0,068489532	-4,218
ENSG00000076003	MCM6	P coding	0,27	1,21	3,68	2,44	0,015038875	0,068491637	-4,218
ENSG00000228960	OR2A9P	TUP	-0,39	-1,31	2,06	-2,44	0,015059917	0,068572447	-4,219
ENSG00000180747	SMG1P3	TUP	0,25	1,19	4,80	2,44	0,015061457	0,068572447	-4,219

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000254799	SLC25A47P1	PP	-0,14	-1,10	0,19	-2,44	0,01507759	0,068634877	-4,220
ENSG00000122966	CIT	P coding	0,26	1,20	1,32	2,44	0,015103515	0,068741848	-4,222
ENSG00000244404	RN7SL216P	misc_RNA	-0,20	-1,15	1,80	-2,44	0,015113113	0,068774488	-4,222
ENSG00000224810	AL355482.1	lncRNA	0,17	1,12	2,16	2,44	0,015121622	0,068802167	-4,223
ENSG00000268392	AC003682.1	lncRNA	-0,14	-1,10	0,53	-2,44	0,015124739	0,068805302	-4,223
ENSG00000105058	FAM32A	P coding	-0,15	-1,11	5,81	-2,44	0,015145435	0,068886893	-4,224
ENSG00000121864	ZNF639	P coding	-0,21	-1,15	5,10	-2,44	0,015147757	0,068886893	-4,225
ENSG00000236083	OR13E1P	unitary_pseudogene	-0,19	-1,14	0,81	-2,44	0,015149965	0,068886893	-4,225
ENSG00000264659	AC064805.2	lncRNA	0,16	1,11	0,22	2,44	0,015153482	0,068891838	-4,225
ENSG00000167920	TMEM99	lncRNA	0,38	1,30	2,47	2,43	0,015164334	0,068930118	-4,225
ENSG00000213626	LBH	P coding	0,41	1,33	1,63	2,43	0,015171471	0,068935159	-4,226
ENSG00000258084	AC128707.1	lncRNA	-0,43	-1,34	0,74	-2,43	0,015172503	0,068935159	-4,226
ENSG00000158301	GPRASP2	P coding	0,25	1,19	1,22	2,43	0,015177906	0,068947583	-4,226
ENSG00000258807	AL359237.1	lncRNA	0,18	1,13	2,08	2,43	0,015188979	0,068986828	-4,227
ENSG00000154646	TMPRSS15	P coding	0,24	1,18	0,37	2,43	0,015198035	0,069014072	-4,227
ENSG00000168843	FSTL5	P coding	-0,41	-1,33	0,92	-2,43	0,015199847	0,069014072	-4,228
ENSG00000136717	BIN1	P coding	-0,44	-1,36	3,40	-2,43	0,015202805	0,069016449	-4,228
ENSG00000227329	AL139396.1	PP	0,36	1,29	3,75	2,43	0,015207751	0,069026473	-4,228
ENSG00000127526	SLC35E1	P coding	-0,18	-1,13	5,30	-2,43	0,015209883	0,069026473	-4,228
ENSG00000236849	LINC01474	lncRNA	-0,34	-1,26	1,08	-2,43	0,015217721	0,069050988	-4,229
ENSG00000249784	SCARNA22	scaRNA	0,75	1,68	2,21	2,43	0,015244178	0,069159969	-4,230
ENSG00000109046	WSB1	P coding	0,25	1,19	5,32	2,43	0,01525956	0,069212601	-4,231
ENSG00000136100	VPS36	P coding	-0,23	-1,17	5,15	-2,43	0,015262447	0,069212601	-4,231
ENSG00000138772	ANXA3	P coding	0,52	1,43	1,67	2,43	0,015263105	0,069212601	-4,231
ENSG00000148606	POLR3A	P coding	0,16	1,12	2,81	2,43	0,015266569	0,069217235	-4,231
ENSG00000165548	TMEM63C	P coding	-0,46	-1,38	2,16	-2,43	0,01527618	0,069249734	-4,232
ENSG00000182057	OGFRP1	lncRNA	0,21	1,16	1,78	2,43	0,015290862	0,069305209	-4,233
ENSG00000267082	AC011472.1	lncRNA	0,17	1,12	1,33	2,43	0,01530828	0,069373064	-4,234
ENSG00000234498	RPL13AP20	PP	-0,15	-1,11	1,13	-2,43	0,015314725	0,069391175	-4,234
ENSG00000095370	SH2D3C	P coding	0,33	1,26	3,48	2,43	0,015320349	0,069405564	-4,234
ENSG00000185880	TRIM69	P coding	0,29	1,23	5,69	2,43	0,015326247	0,069421159	-4,235
ENSG00000259972	AC009120.2	lncRNA	0,21	1,15	3,58	2,43	0,01532869	0,069421159	-4,235
ENSG00000131153	GINS2	P coding	0,31	1,24	2,00	2,43	0,015340108	0,069456109	-4,236
ENSG00000096060	FKBP5	P coding	0,48	1,40	5,42	2,43	0,015380434	0,069601044	-4,238
ENSG00000269656	NOP53-AS1	lncRNA	-0,12	-1,09	0,66	-2,43	0,015380687	0,069601044	-4,238
ENSG00000225988	LAMP5-AS1	lncRNA	-0,40	-1,32	1,12	-2,43	0,015393389	0,069647406	-4,239
ENSG00000135070	ISCA1	P coding	-0,17	-1,12	5,51	-2,43	0,015402155	0,069675948	-4,239
ENSG00000119737	GPR75	P coding	0,15	1,11	1,18	2,43	0,015407008	0,069686781	-4,239
ENSG00000124721	DNAH8	P coding	-0,26	-1,20	0,41	-2,43	0,015411139	0,06969548	-4,240
ENSG00000115504	EHBP1	P coding	0,19	1,14	3,53	2,43	0,015416812	0,069708877	-4,240
ENSG00000134644	PUM1	P coding	0,19	1,14	5,02	2,43	0,015427156	0,069742641	-4,241
ENSG00000158578	ALAS2	P coding	0,37	1,29	1,13	2,43	0,0154292	0,069742641	-4,241
ENSG00000103174	NAGPA	P coding	0,22	1,16	3,47	2,43	0,01544048	0,069782502	-4,241
ENSG00000250312	ZNF718	P coding	0,27	1,20	1,99	2,43	0,01546048	0,069850616	-4,242
ENSG00000174373	RALGAPA1	P coding	0,21	1,15	4,27	2,43	0,015472277	0,069892777	-4,243
ENSG00000268509	AC026202.3	lncRNA	0,13	1,09	0,51	2,43	0,015477733	0,069906282	-4,243
ENSG00000260266	PPIAP46	TPP	0,15	1,11	1,09	2,43	0,015485853	0,069931813	-4,244
ENSG00000237803	LINC00211	lncRNA	0,12	1,09	0,61	2,43	0,015496922	0,069968345	-4,244

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000101577	LPIN2	P coding	0,25	1,19	2,10	2,43	0,015498879	0,069968345	-4,245
ENSG00000174007	CEP19	P coding	-0,18	-1,13	1,55	-2,43	0,015503064	0,06997609	-4,245
ENSG00000187984	ANKRD19P	TUP	0,19	1,14	1,17	2,43	0,015507715	0,069985942	-4,245
ENSG00000063015	SEZ6	P coding	0,12	1,09	0,40	2,43	0,015534681	0,070096476	-4,247
ENSG00000132780	NASP	P coding	0,24	1,18	5,99	2,43	0,015552925	0,070167627	-4,248
ENSG00000145050	MANF	P coding	0,33	1,25	8,61	2,43	0,015555511	0,070168126	-4,248
ENSG00000125648	SLC25A23	P coding	-0,26	-1,20	5,35	-2,42	0,015617552	0,070436777	-4,251
ENSG00000141985	SH3GL1	P coding	-0,17	-1,13	5,00	-2,42	0,015623154	0,070450831	-4,252
ENSG00000105968	H2AZ2	P coding	0,19	1,14	6,90	2,42	0,015631682	0,070478074	-4,252
ENSG00000224727	FCF1P7	PP	-0,14	-1,10	0,68	-2,42	0,015641014	0,070508937	-4,253
ENSG00000256576	LINC02361	lncRNA	0,19	1,14	0,54	2,42	0,015648565	0,070531758	-4,253
ENSG00000135378	PRRG4	P coding	0,23	1,17	1,00	2,42	0,015663028	0,070563284	-4,254
ENSG00000173391	OLR1	P coding	0,42	1,34	2,25	2,42	0,015699116	0,070714625	-4,256
ENSG00000140374	ETFA	P coding	-0,19	-1,14	6,84	-2,42	0,015714952	0,070761274	-4,257
ENSG00000272356	AL080317.2	lncRNA	0,09	1,07	1,01	2,42	0,015719259	0,070761274	-4,257
ENSG00000119523	ALG2	P coding	0,24	1,18	6,48	2,42	0,015721382	0,070761274	-4,257
ENSG00000264384	RN7SL431P	misc_RNA	0,25	1,19	1,26	2,42	0,015722403	0,070761274	-4,257
ENSG00000232342	AC022540.1	lncRNA	0,14	1,10	1,04	2,42	0,01572446	0,070761274	-4,257
ENSG00000146278	PNRC1	P coding	0,20	1,15	7,87	2,42	0,015726946	0,070761274	-4,257
ENSG00000259772	AC012236.1	lncRNA	0,42	1,34	5,89	2,42	0,015739481	0,070806431	-4,258
ENSG00000253664	AC012413.1	lncRNA	-0,13	-1,09	0,24	-2,42	0,015775126	0,070955525	-4,260
ENSG00000258699	AL357093.1	lncRNA	0,14	1,10	0,98	2,42	0,015782964	0,070979517	-4,261
ENSG00000261113	AC009034.1	lncRNA	0,20	1,15	2,34	2,42	0,015787405	0,070988227	-4,261
ENSG00000006530	AGK	P coding	0,19	1,14	4,18	2,42	0,015812768	0,071090996	-4,262
ENSG00000110422	HIPK3	P coding	0,20	1,15	4,41	2,42	0,015842952	0,071183264	-4,264
ENSG00000083817	ZNF416	P coding	-0,17	-1,13	1,95	-2,42	0,015843336	0,071183264	-4,264
ENSG00000141564	RPTOR	P coding	0,18	1,13	3,43	2,42	0,015861451	0,071253359	-4,265
ENSG00000101333	PLCB4	P coding	-0,25	-1,19	0,83	-2,42	0,015867434	0,071267823	-4,265
ENSG00000225151	GOLGA2P7	TUP	-0,33	-1,26	3,86	-2,42	0,015869699	0,071267823	-4,265
ENSG00000250241	AC105383.1	lncRNA	0,33	1,25	1,37	2,42	0,015881112	0,071307777	-4,266
ENSG00000169251	NMD3	P coding	-0,15	-1,11	4,96	-2,42	0,01588943	0,071333827	-4,266
ENSG00000132394	EEFSEC	P coding	-0,18	-1,14	3,62	-2,42	0,015912549	0,071426306	-4,268
ENSG00000201470	RNY4P7	misc_RNA	0,35	1,27	0,70	2,42	0,015929918	0,071470406	-4,269
ENSG00000137312	FLOT1	P coding	0,18	1,13	6,17	2,42	0,015932431	0,071470406	-4,269
ENSG00000102738	MRPS31	P coding	-0,29	-1,22	5,51	-2,42	0,01593246	0,071470406	-4,269
ENSG00000118004	COLEC11	P coding	-0,21	-1,15	0,90	-2,42	0,015938218	0,071484925	-4,269
ENSG00000258450	AL139099.3	lncRNA	0,23	1,18	2,02	2,42	0,015941693	0,0714892	-4,269
ENSG00000273297	AC009275.1	lncRNA	0,23	1,17	1,24	2,42	0,015946623	0,071499997	-4,270
ENSG00000105355	PLIN3	P coding	-0,17	-1,13	4,55	-2,42	0,015952323	0,071514243	-4,270
ENSG00000105819	PMPCB	P coding	-0,14	-1,10	5,99	-2,42	0,015971432	0,071588583	-4,271
ENSG00000163596	ICA1L	P coding	-0,18	-1,13	1,80	-2,42	0,015985163	0,071622436	-4,272
ENSG00000116874	WARS2	P coding	0,16	1,12	2,39	2,42	0,015985693	0,071622436	-4,272
ENSG00000255270	NAV2-IT1	lncRNA	0,19	1,14	0,43	2,42	0,015986564	0,071622436	-4,272
ENSG00000137124	ALDH1B1	P coding	-0,27	-1,20	2,82	-2,42	0,015995957	0,071649002	-4,272
ENSG00000184162	NR2C2AP	P coding	-0,18	-1,14	4,32	-2,42	0,015997549	0,071649002	-4,272
ENSG00000111647	UHRF1BP1L	P coding	0,19	1,14	3,21	2,42	0,016011192	0,071698776	-4,273
ENSG00000070601	FRMPD1	P coding	0,13	1,10	0,95	2,41	0,016016483	0,071711138	-4,273
ENSG00000206931	RNU6-1042P	snRNA	0,26	1,20	0,34	2,41	0,016020091	0,071711386	-4,274

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000236988	AL359641.1	PP	0,12	1,09	0,81	2,41	0,016021598	0,071711386	-4,274
ENSG00000134317	GRHL1	P coding	-0,29	-1,22	3,51	-2,41	0,016025213	0,071716242	-4,274
ENSG00000261024	AL078644.1	TPP	0,17	1,13	1,07	2,41	0,016028075	0,07171773	-4,274
ENSG00000254905	AP001318.1	lncRNA	-0,18	-1,13	0,98	-2,41	0,016034215	0,07173388	-4,274
ENSG00000264215	AC126365.1	lncRNA	-0,37	-1,29	1,07	-2,41	0,016042483	0,071759542	-4,275
ENSG00000262877	AC110285.2	lncRNA	-0,23	-1,18	0,62	-2,41	0,016058553	0,071808763	-4,276
ENSG00000175756	AURKAIP1	P coding	0,14	1,10	6,90	2,41	0,016068497	0,071841896	-4,276
ENSG00000145996	CDKAL1	P coding	0,15	1,11	2,98	2,41	0,016073755	0,071854072	-4,277
ENSG00000111674	ENO2	P coding	-0,50	-1,42	4,99	-2,41	0,016077222	0,071858236	-4,277
ENSG00000147509	RGS20	P coding	0,26	1,20	0,92	2,41	0,016097388	0,071937025	-4,278
ENSG00000202215	RNU1-51P	snRNA	0,41	1,33	1,33	2,41	0,016101773	0,071945281	-4,278
ENSG00000197461	PDGFA	P coding	0,30	1,23	1,00	2,41	0,016120935	0,072012348	-4,279
ENSG00000078061	ARAF	P coding	0,17	1,12	5,69	2,41	0,016121864	0,072012348	-4,279
ENSG00000126698	DNAJC8	P coding	0,15	1,11	5,74	2,41	0,01613027	0,072038542	-4,280
ENSG00000114770	ABCC5	P coding	-0,26	-1,20	3,28	-2,41	0,016148841	0,072108046	-4,281
ENSG00000198205	ZXDA	P coding	0,19	1,14	2,12	2,41	0,01615092	0,072108046	-4,281
ENSG00000156711	MAPK13	P coding	0,31	1,24	4,97	2,41	0,016173608	0,072197969	-4,282
ENSG00000248801	C8orf34-AS1	lncRNA	0,11	1,08	0,98	2,41	0,016177404	0,07220354	-4,282
ENSG00000108813	DLX4	P coding	-0,33	-1,26	1,28	-2,41	0,016212197	0,072347439	-4,284
ENSG00000229955	Z98749.1	lncRNA	0,22	1,16	1,00	2,41	0,016218976	0,072364635	-4,284
ENSG00000255310	AF131215.5	lncRNA	0,30	1,23	2,37	2,41	0,01622566	0,072364635	-4,285
ENSG00000212391	AC073149.1	snoRNA	0,40	1,32	3,23	2,41	0,016226262	0,072364635	-4,285
ENSG00000142227	EMP3	P coding	0,41	1,33	7,62	2,41	0,016231965	0,072378683	-4,285
ENSG00000100968	NFATC4	P coding	-0,49	-1,41	3,08	-2,41	0,016237308	0,072391117	-4,285
ENSG00000186106	ANKRD46	P coding	0,28	1,22	3,79	2,41	0,016255832	0,072460205	-4,286
ENSG00000246627	CACNA1C-AS1	lncRNA	0,31	1,24	1,37	2,41	0,016260266	0,072460205	-4,287
ENSG00000269009	SLC6A21P	PP	-0,14	-1,10	0,24	-2,41	0,016260473	0,072460205	-4,287
ENSG00000160867	FGFR4	P coding	-0,21	-1,16	1,57	-2,41	0,016278612	0,072529636	-4,288
ENSG00000114650	SCAP	P coding	-0,18	-1,13	5,14	-2,41	0,016311834	0,072634265	-4,289
ENSG00000151458	ANKRD50	P coding	0,26	1,19	1,49	2,41	0,016312345	0,072634265	-4,289
ENSG00000163872	YEATS2	P coding	-0,18	-1,14	3,39	-2,41	0,016322695	0,072668934	-4,290
ENSG00000265452	MIR3682	miRNA	0,37	1,30	4,23	2,41	0,016333109	0,072693802	-4,291
ENSG00000224897	POT1-AS1	lncRNA	0,22	1,16	1,92	2,41	0,016333409	0,072693802	-4,291
ENSG00000143995	MEIS1	P coding	0,30	1,23	0,77	2,41	0,01634127	0,072717368	-4,291
ENSG00000162923	WDR26	P coding	0,22	1,16	5,79	2,41	0,01634695	0,072731228	-4,291
ENSG00000224985	AL590714.1	lncRNA	0,20	1,15	0,86	2,41	0,016352025	0,07274239	-4,292
ENSG00000197119	SLC25A29	P coding	0,41	1,33	2,31	2,41	0,016354909	0,072743804	-4,292
ENSG00000100796	PPP4R3A	P coding	0,17	1,13	5,98	2,41	0,01636554	0,072779668	-4,292
ENSG00000152518	ZFP36L2	P coding	0,38	1,30	7,29	2,41	0,016370622	0,072790849	-4,293
ENSG00000185043	CIB1	P coding	-0,19	-1,14	5,93	-2,41	0,016390123	0,072863439	-4,294
ENSG00000242779	ZNF702P	TPP	0,15	1,11	1,07	2,41	0,016392089	0,072863439	-4,294
ENSG00000154174	TOMM70	P coding	-0,15	-1,11	4,87	-2,41	0,016401046	0,072880967	-4,294
ENSG00000255319	ENPP7P8	TUP	0,34	1,27	1,20	2,41	0,016401174	0,072880967	-4,294
ENSG00000235552	RPL6P27	TPP	-0,19	-1,14	1,94	-2,41	0,016428631	0,072968656	-4,296
ENSG00000005108	THSD7A	P coding	-0,17	-1,13	0,44	-2,41	0,01643426	0,072982223	-4,296
ENSG00000101134	DOK5	P coding	0,26	1,20	0,33	2,41	0,016444756	0,073009205	-4,297
ENSG00000088726	TMEM40	P coding	0,13	1,09	0,92	2,41	0,016446051	0,073009205	-4,297
ENSG00000126458	RRAS	P coding	0,35	1,27	3,45	2,41	0,016448063	0,073009205	-4,297

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000176890	TYMS	P coding	0,38	1,30	4,28	2,40	0,016463483	0,073066211	-4,298
ENSG00000158077	NLRP14	P coding	-0,24	-1,18	1,30	-2,40	0,016467064	0,073070665	-4,298
ENSG00000186260	MRTFB	P coding	0,20	1,15	2,83	2,40	0,016472961	0,073085389	-4,298
ENSG00000257542	OR7E47P	TUP	0,16	1,11	0,31	2,40	0,016497056	0,073180002	-4,299
ENSG00000160953	PWWP3A	P coding	-0,23	-1,17	4,50	-2,40	0,016499449	0,073180002	-4,299
ENSG00000266921	AC006213.1	lncRNA	0,12	1,08	0,50	2,40	0,016545573	0,073361617	-4,302
ENSG00000111364	DDX55	P coding	0,19	1,14	4,35	2,40	0,0165531	0,073371791	-4,302
ENSG00000238160	LINC02863	lncRNA	0,19	1,14	0,93	2,40	0,016555265	0,073371791	-4,302
ENSG00000252224	RNU4ATAC15P	snRNA	0,21	1,16	0,26	2,40	0,016555633	0,073371791	-4,302
ENSG00000221971	TTC4P1	PP	0,34	1,26	0,23	2,40	0,016559356	0,073376818	-4,303
ENSG00000175931	UBE2O	P coding	0,21	1,16	4,28	2,40	0,016582259	0,073466822	-4,304
ENSG00000165240	ATP7A	P coding	0,18	1,13	2,00	2,40	0,016614276	0,073597166	-4,305
ENSG00000241168	AC128685.1	lncRNA	0,15	1,11	1,58	2,40	0,016635589	0,073680064	-4,307
ENSG00000129925	PGAP6	P coding	0,18	1,14	5,33	2,40	0,016649917	0,073724413	-4,307
ENSG00000102974	CTCF	P coding	0,20	1,15	4,42	2,40	0,016650804	0,073724413	-4,307
ENSG00000075223	SEMA3C	P coding	0,19	1,14	0,60	2,40	0,016672206	0,073807645	-4,309
ENSG00000253945	AC024995.1	PP	-0,17	-1,13	0,16	-2,40	0,016676081	0,073813272	-4,309
ENSG00000224888	AC138028.2	lncRNA	0,14	1,10	0,85	2,40	0,016686478	0,07384776	-4,309
ENSG00000124191	TOX2	P coding	0,39	1,31	0,68	2,40	0,01669341	0,073866906	-4,310
ENSG00000188994	ZNF292	P coding	0,20	1,15	3,77	2,40	0,016705223	0,073907642	-4,310
ENSG00000272386	AC015802.5	lncRNA	0,21	1,15	0,73	2,40	0,01671834	0,073954128	-4,311
ENSG00000119922	IFIT2	P coding	0,35	1,28	1,19	2,40	0,0167274	0,073982661	-4,311
ENSG00000250318	AC003072.1	unPP	0,17	1,13	0,90	2,40	0,016733094	0,0739963	-4,312
ENSG00000132952	USPL1	P coding	-0,25	-1,19	3,92	-2,40	0,016745437	0,074038196	-4,312
ENSG00000225907	RPS27P16	PP	-0,22	-1,17	0,64	-2,40	0,016748246	0,074038196	-4,313
ENSG00000105371	ICAM4	P coding	-0,53	-1,45	3,49	-2,40	0,016751569	0,074038196	-4,313
ENSG00000188766	SPRED3	P coding	-0,18	-1,13	0,93	-2,40	0,016753016	0,074038196	-4,313
ENSG00000170161	AL512625.1	lncRNA	0,30	1,23	3,30	2,40	0,016764199	0,074064524	-4,313
ENSG00000198453	ZNF568	P coding	0,25	1,19	1,84	2,40	0,016771414	0,074084852	-4,314
ENSG00000199536	RNU6-315P	snRNA	0,43	1,35	1,95	2,40	0,016777749	0,074091778	-4,314
ENSG00000117859	OSBPL9	P coding	0,18	1,13	5,71	2,40	0,016778209	0,074091778	-4,314
ENSG00000249614	LINC02503	lncRNA	0,28	1,22	4,69	2,40	0,016796879	0,074151656	-4,315
ENSG00000183747	ACSM2A	P coding	0,18	1,13	2,21	2,40	0,016797001	0,074151656	-4,315
ENSG00000229291	LINC02768	lncRNA	0,24	1,18	0,85	2,40	0,016835043	0,074308023	-4,317
ENSG00000111716	LDHB	P coding	-0,22	-1,17	8,25	-2,40	0,016847813	0,07435281	-4,318
ENSG00000119929	CUTC	P coding	0,17	1,13	4,28	2,40	0,016866235	0,074422523	-4,319
ENSG00000151914	DST	P coding	0,35	1,27	6,06	2,40	0,016893088	0,074529413	-4,320
ENSG00000267512	AC011446.1	lncRNA	0,18	1,13	0,41	2,39	0,016910688	0,074590382	-4,321
ENSG00000223475	AC099681.1	lncRNA	0,17	1,12	0,70	2,39	0,01691217	0,074590382	-4,321
ENSG00000171862	PTEN	P coding	0,17	1,12	5,70	2,39	0,016914909	0,074590855	-4,321
ENSG00000128309	MPST	P coding	-0,21	-1,16	4,93	-2,39	0,016928775	0,074640387	-4,322
ENSG00000267309	AC092295.2	lncRNA	0,18	1,13	1,21	2,39	0,016933227	0,074648405	-4,322
ENSG00000224857	LINC01691	lncRNA	0,28	1,21	3,03	2,39	0,016958516	0,074748266	-4,323
ENSG00000235065	RPL24P2	PP	-0,18	-1,13	1,01	-2,39	0,016969258	0,074783986	-4,324
ENSG00000117475	BLZF1	P coding	0,25	1,19	3,95	2,39	0,016973064	0,074788262	-4,324
ENSG00000182919	C11orf54	P coding	0,23	1,17	4,37	2,39	0,016975505	0,074788262	-4,324
ENSG00000233765	AL591479.1	unPP	-0,24	-1,18	2,19	-2,39	0,016992499	0,074851494	-4,325
ENSG00000031823	RANBP3	P coding	-0,15	-1,11	5,54	-2,39	0,017017584	0,074946451	-4,326

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000234648	AL162151.2	PP	-0,56	-1,47	2,08	-2,39	0,017019343	0,074946451	-4,327
ENSG00000127920	GNG11	P coding	-0,55	-1,46	1,36	-2,39	0,017029993	0,0749817	-4,327
ENSG00000203362	POLH-AS1	lncRNA	0,12	1,09	1,08	2,39	0,017041635	0,075009656	-4,328
ENSG00000137764	MAP2K5	P coding	-0,15	-1,11	3,87	-2,39	0,017057359	0,07506721	-4,329
ENSG00000253981	ALG1L13P	TUP	0,25	1,19	1,80	2,39	0,017070361	0,075108852	-4,329
ENSG00000251503	CENPS-CORT	P coding	0,13	1,09	0,56	2,39	0,017072121	0,075108852	-4,329
ENSG00000175772	LINC01106	lncRNA	0,26	1,19	0,79	2,39	0,017078486	0,075125197	-4,330
ENSG00000221716	SNORA11	snoRNA	0,35	1,28	5,19	2,39	0,017098448	0,07518967	-4,331
ENSG00000100625	SIX4	P coding	-0,36	-1,28	1,19	-2,39	0,017112323	0,075239011	-4,331
ENSG00000207402	RNU6-959P	snRNA	0,21	1,15	0,21	2,39	0,017134713	0,075325771	-4,332
ENSG00000259685	IDH2-DT	lncRNA	0,20	1,15	2,49	2,39	0,017143594	0,075353125	-4,333
ENSG00000155761	SPAG17	P coding	-0,24	-1,18	1,25	-2,39	0,017150803	0,075368351	-4,333
ENSG00000226026	AC092802.2	lncRNA	0,16	1,12	1,62	2,39	0,017157837	0,075373889	-4,334
ENSG00000134910	STT3A	P coding	0,25	1,19	8,27	2,39	0,017158954	0,075373889	-4,334
ENSG00000259681	AC090527.2	lncRNA	0,15	1,11	0,96	2,39	0,017174203	0,075429183	-4,334
ENSG00000211454	AKR7L	polymorphic_p seudogene	0,14	1,10	1,44	2,39	0,017195584	0,075508235	-4,336
ENSG00000214413	BBIP1	P coding	0,15	1,11	5,12	2,39	0,017197529	0,075508235	-4,336
ENSG00000135336	ORC3	P coding	0,21	1,16	4,36	2,39	0,017206049	0,075533942	-4,336
ENSG00000134308	YWHAQ	P coding	0,14	1,10	6,93	2,39	0,017208787	0,075534264	-4,336
ENSG00000111445	RFC5	P coding	0,23	1,17	3,36	2,39	0,017212821	0,075540272	-4,336
ENSG00000269271	AC245036.5	lncRNA	0,15	1,11	0,56	2,39	0,01721723	0,075545598	-4,337
ENSG00000170385	SLC30A1	P coding	0,27	1,21	3,61	2,39	0,017219365	0,075545598	-4,337
ENSG00000214784	RPS3AP21	PP	-0,11	-1,08	0,65	-2,39	0,017238104	0,07560441	-4,338
ENSG00000077238	IL4R	P coding	0,41	1,33	1,43	2,39	0,017260889	0,075689336	-4,339
ENSG00000224884	AC034187.1	lncRNA	0,14	1,10	1,39	2,39	0,017262808	0,075689336	-4,339
ENSG00000170502	NUDT9	P coding	0,21	1,16	4,86	2,39	0,017265938	0,075691353	-4,339
ENSG00000169435	RASSF6	P coding	-0,58	-1,49	4,28	-2,39	0,017282519	0,075752326	-4,340
ENSG00000163554	SPTA1	P coding	0,32	1,25	0,68	2,39	0,017285466	0,075753526	-4,340
ENSG00000268970	AC022150.2	lncRNA	0,21	1,15	1,18	2,39	0,017292412	0,075765717	-4,340
ENSG00000213523	SRA1	P coding	-0,17	-1,13	5,72	-2,39	0,017294075	0,075765717	-4,341
ENSG00000237217	AC008074.1	PP	0,17	1,13	0,70	2,39	0,017296266	0,075765717	-4,341
ENSG00000228261	ITPRIP-AS1	lncRNA	0,29	1,22	1,53	2,39	0,017308186	0,075806218	-4,341
ENSG00000256884	AC084880.4	lncRNA	0,15	1,11	0,46	2,39	0,017318264	0,075838639	-4,342
ENSG00000244242	IFITM10	P coding	-0,26	-1,20	1,75	-2,39	0,01734149	0,075921819	-4,343
ENSG00000173208	ABCD2	P coding	0,30	1,24	2,26	2,39	0,017344748	0,075921819	-4,343
ENSG00000118785	SPP1	P coding	0,75	1,68	1,42	2,39	0,017345294	0,075921819	-4,343
ENSG00000118369	USP35	P coding	-0,19	-1,14	3,06	-2,39	0,017362794	0,075960602	-4,344
ENSG00000196981	WDR5B	P coding	0,26	1,20	2,06	2,39	0,017366262	0,075960602	-4,344
ENSG00000177432	NAP1L5	P coding	-0,24	-1,18	2,43	-2,39	0,017367553	0,075960602	-4,344
ENSG00000233426	EIF3FP3	PP	-0,28	-1,22	2,00	-2,38	0,01737664	0,07598144	-4,345
ENSG00000196290	NIF3L1	P coding	0,23	1,17	4,43	2,38	0,017380359	0,07598144	-4,345
ENSG00000177479	ARIH2	P coding	-0,14	-1,10	6,96	-2,38	0,017399169	0,076051944	-4,346
ENSG00000186847	KRT14	P coding	0,38	1,30	0,76	2,38	0,017409323	0,076077393	-4,346
ENSG00000074657	ZNF532	P coding	0,29	1,22	5,24	2,38	0,01741036	0,076077393	-4,346
ENSG00000102471	NDFIP2	P coding	-0,21	-1,16	4,33	-2,38	0,017444479	0,076191249	-4,348
ENSG00000252026	RNU6-1262P	snRNA	0,45	1,37	2,85	2,38	0,017453249	0,076217809	-4,349
ENSG00000088826	SMOX	P coding	0,51	1,43	3,77	2,38	0,017467332	0,076267558	-4,349
ENSG00000198363	ASPH	P coding	-0,30	-1,23	4,27	-2,38	0,017490441	0,076344939	-4,350

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000259994	AL353796.1	lncRNA	0,09	1,06	0,84	2,38	0,017505324	0,07639814	-4,351
ENSG00000242255	RPL39P34	TUP	0,22	1,16	0,40	2,38	0,017510072	0,076407096	-4,351
ENSG00000100380	ST13	P coding	-0,16	-1,12	6,80	-2,38	0,017516853	0,076424923	-4,352
ENSG00000266863	RN7SL123P	misc_RNA	0,22	1,17	1,87	2,38	0,017531127	0,076456731	-4,352
ENSG00000230280	HNRNPA1P59	PP	0,14	1,10	0,63	2,38	0,017533388	0,076456731	-4,353
ENSG00000185038	MROH2A	P coding	-0,46	-1,38	0,98	-2,38	0,017534241	0,076456731	-4,353
ENSG00000112812	PRSS16	P coding	0,31	1,24	4,67	2,38	0,017534933	0,076456731	-4,353
ENSG00000239112	SNORD123	snoRNA	0,58	1,50	2,21	2,38	0,017543011	0,076480188	-4,353
ENSG00000077264	PAK3	P coding	0,15	1,11	0,35	2,38	0,017552254	0,076507985	-4,353
ENSG00000146085	MMUT	P coding	0,18	1,13	4,01	2,38	0,017554785	0,076507985	-4,354
ENSG00000229807	XIST	lncRNA	-1,02	-2,03	2,03	-2,38	0,017578148	0,076598029	-4,355
ENSG00000265052	RN7SL622P	misc_RNA	0,20	1,15	1,44	2,38	0,017584127	0,076612304	-4,355
ENSG00000198964	SGMS1	P coding	0,17	1,13	3,64	2,38	0,017598653	0,07666146	-4,356
ENSG00000141127	PRPSAP2	P coding	0,23	1,17	5,36	2,38	0,017600818	0,07666146	-4,356
ENSG00000108958	AC130689.1	PP	0,12	1,08	0,39	2,38	0,017618306	0,076725842	-4,357
ENSG00000071655	MBD3	P coding	-0,17	-1,12	5,53	-2,38	0,017642011	0,07681727	-4,358
ENSG00000235597	LINC01102	lncRNA	0,14	1,10	0,59	2,38	0,0176464	0,076824581	-4,358
ENSG00000130270	ATP8B3	P coding	-0,22	-1,16	1,75	-2,38	0,017659085	0,076868002	-4,359
ENSG00000157379	DHRS1	P coding	-0,17	-1,12	4,47	-2,38	0,017666374	0,07688792	-4,359
ENSG00000071537	SEL1L	P coding	0,29	1,23	7,86	2,38	0,01767015	0,076892548	-4,359
ENSG00000129933	MAU2	P coding	-0,18	-1,13	5,52	-2,38	0,017689663	0,076965649	-4,360
ENSG00000165168	CYBB	P coding	0,67	1,59	4,51	2,38	0,017692737	0,076967205	-4,360
ENSG00000123975	CKS2	P coding	-0,36	-1,28	5,53	-2,38	0,017700565	0,076989447	-4,361
ENSG00000166887	VPS39	P coding	-0,19	-1,14	6,16	-2,38	0,017716204	0,077045644	-4,362
ENSG00000241556	AC018475.1	PP	-0,14	-1,10	0,68	-2,38	0,017793037	0,07735116	-4,365
ENSG00000238186	AL603839.2	lncRNA	0,15	1,11	0,65	2,38	0,017794642	0,07735116	-4,365
ENSG00000174428	GTF2IRD2B	P coding	0,18	1,13	4,87	2,38	0,017830101	0,077480301	-4,367
ENSG00000241484	ARHGAP8	P coding	0,36	1,28	1,93	2,38	0,017832551	0,077480301	-4,367
ENSG00000240203	RN7SL567P	misc_RNA	-0,15	-1,11	0,45	-2,37	0,01785109	0,077548966	-4,368
ENSG00000259522	AL136295.4	P coding	0,11	1,08	0,47	2,37	0,017856815	0,07756195	-4,369
ENSG00000163694	RBM47	P coding	0,24	1,19	4,98	2,37	0,017862668	0,077568331	-4,369
ENSG00000232956	SNHG15	lncRNA	-0,21	-1,16	5,91	-2,37	0,017863757	0,077568331	-4,369
ENSG00000067082	KLF6	P coding	0,45	1,37	9,02	2,37	0,01786682	0,077569747	-4,369
ENSG00000120896	SORBS3	P coding	-0,38	-1,30	3,70	-2,37	0,017883277	0,077629305	-4,370
ENSG00000255382	LINC02734	lncRNA	-0,12	-1,08	0,39	-2,37	0,017886535	0,077631562	-4,370
ENSG00000092010	PSME1	P coding	0,14	1,10	8,16	2,37	0,017901186	0,077683254	-4,371
ENSG00000138080	EMILIN1	P coding	0,45	1,36	2,24	2,37	0,017934187	0,07779972	-4,372
ENSG00000268849	SIGLEC22P	TUP	-0,30	-1,23	0,65	-2,37	0,017936096	0,07779972	-4,372
ENSG00000100629	CEP128	P coding	0,40	1,32	4,24	2,37	0,017936258	0,07779972	-4,372
ENSG00000205923	CEMP1	P coding	-0,26	-1,20	0,86	-2,37	0,017946436	0,077822359	-4,373
ENSG00000169946	ZFPM2	P coding	0,24	1,18	0,75	2,37	0,017946968	0,077822359	-4,373
ENSG00000235314	LINC00957	lncRNA	0,31	1,24	3,03	2,37	0,017958144	0,077858911	-4,373
ENSG00000167968	DNASE1L2	P coding	-0,18	-1,13	1,36	-2,37	0,017965712	0,077875989	-4,374
ENSG00000221676	RNU6ATAC	snRNA	0,40	1,32	2,53	2,37	0,017967578	0,077875989	-4,374
ENSG00000008869	HEATR5B	P coding	0,23	1,17	4,15	2,37	0,017984882	0,077928997	-4,375
ENSG00000133619	KRBA1	P coding	-0,18	-1,13	3,23	-2,37	0,017985307	0,077928997	-4,375
ENSG00000262227	AC004771.2	lncRNA	0,23	1,18	1,75	2,37	0,017994646	0,077957549	-4,375
ENSG00000267571	AC104532.2	lncRNA	-0,22	-1,16	2,97	-2,37	0,018017735	0,078038665	-4,376

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000207383	AC012442.1	misc_RNA	0,36	1,29	3,85	2,37	0,018022935	0,07804432	-4,377
ENSG00000131899	LLGL1	P coding	-0,17	-1,13	2,47	-2,37	0,018044189	0,078117482	-4,378
ENSG00000172500	FIBP	P coding	-0,18	-1,13	5,51	-2,37	0,018045342	0,078117482	-4,378
ENSG00000072958	AP1M1	P coding	-0,17	-1,12	5,12	-2,37	0,018056524	0,078151457	-4,378
ENSG00000055147	FAM114A2	P coding	0,19	1,14	5,12	2,37	0,018071131	0,078193294	-4,379
ENSG00000177239	MAN1B1	P coding	-0,17	-1,12	5,83	-2,37	0,018086606	0,078231644	-4,380
ENSG00000237161	AC068446.1	PP	0,36	1,28	1,07	2,37	0,018087554	0,078231644	-4,380
ENSG00000239822	RN7SL754P	misc_RNA	0,18	1,13	0,98	2,37	0,018088273	0,078231644	-4,380
ENSG00000189233	NUGGC	P coding	0,26	1,20	4,42	2,37	0,018100138	0,078271015	-4,380
ENSG00000248405	PRR5-ARHGAP8	P coding	0,18	1,14	0,52	2,37	0,018106672	0,078287329	-4,381
ENSG00000140937	CDH11	P coding	0,15	1,11	0,36	2,37	0,018109873	0,078289228	-4,381
ENSG00000140553	UNC45A	P coding	-0,16	-1,11	5,12	-2,37	0,018128124	0,078356178	-4,382
ENSG00000076944	STXBP2	P coding	-0,18	-1,13	7,11	-2,37	0,018141057	0,078400124	-4,382
ENSG00000273240	AC013468.1	lncRNA	0,14	1,10	0,75	2,37	0,018160207	0,078470919	-4,383
ENSG00000167220	HDHD2	P coding	0,20	1,15	4,57	2,37	0,018176757	0,078507919	-4,384
ENSG00000152778	IFIT5	P coding	0,29	1,22	3,55	2,37	0,018177079	0,078507919	-4,384
ENSG00000242583	AC008040.2	PP	-0,20	-1,15	1,16	-2,37	0,018187933	0,078542833	-4,385
ENSG00000215241	LINC02449	lncRNA	0,25	1,19	3,14	2,37	0,018192794	0,078550274	-4,385
ENSG00000166455	C16orf46	P coding	0,12	1,09	0,67	2,37	0,018195829	0,078550274	-4,385
ENSG00000163754	GYG1	P coding	-0,19	-1,14	5,67	-2,37	0,01819797	0,078550274	-4,385
ENSG00000234004	AC092017.2	PP	-0,12	-1,09	0,57	-2,37	0,018217965	0,078596864	-4,386
ENSG00000105248	YJU2	P coding	-0,18	-1,13	4,14	-2,37	0,018218199	0,078596864	-4,386
ENSG00000141741	MIEN1	P coding	-0,14	-1,10	5,65	-2,37	0,018218732	0,078596864	-4,386
ENSG00000252098	AL590640.3	misc_RNA	0,29	1,22	0,47	2,37	0,018222627	0,078596864	-4,386
ENSG00000105127	AKAP8	P coding	-0,15	-1,11	5,18	-2,37	0,018233424	0,078631467	-4,387
ENSG00000181035	SLC25A42	P coding	0,23	1,17	5,60	2,37	0,01823923	0,07864454	-4,387
ENSG00000197565	COL4A6	P coding	-0,41	-1,33	1,95	-2,37	0,018246493	0,078663893	-4,387
ENSG00000241324	AC004930.1	lncRNA	-0,45	-1,37	2,62	-2,37	0,018256659	0,078695751	-4,388
ENSG00000113048	MRPS27	P coding	-0,27	-1,20	5,27	-2,37	0,018261873	0,078696105	-4,388
ENSG00000170445	HARS1	P coding	-0,13	-1,09	6,07	-2,37	0,018262294	0,078696105	-4,388
ENSG00000160703	NLRX1	P coding	-0,21	-1,16	2,46	-2,37	0,01826638	0,078701749	-4,388
ENSG00000180211	FO393411.1	PP	-0,16	-1,12	0,27	-2,37	0,018273712	0,078721373	-4,389
ENSG00000261216	AC007216.2	lncRNA	0,21	1,16	1,33	2,37	0,018295054	0,078801336	-4,390
ENSG00000236810	ELOA-AS1	lncRNA	0,21	1,16	3,16	2,36	0,018349546	0,079012034	-4,392
ENSG00000201699	RNVU1-24	snRNA	0,65	1,57	3,91	2,36	0,018369923	0,079087762	-4,393
ENSG00000126550	HTN1	P coding	0,11	1,08	0,92	2,36	0,018377187	0,079107024	-4,394
ENSG00000182240	BACE2	P coding	0,39	1,31	0,98	2,36	0,018414417	0,079255248	-4,395
ENSG00000161204	ABCF3	P coding	-0,20	-1,15	6,28	-2,36	0,01842129	0,079258649	-4,396
ENSG00000179046	TRIML2	P coding	0,17	1,12	1,13	2,36	0,018421607	0,079258649	-4,396
ENSG00000204842	ATXN2	P coding	0,17	1,13	4,24	2,36	0,018423596	0,079258649	-4,396
ENSG00000271133	AC004130.2	lncRNA	0,61	1,53	2,71	2,36	0,018440575	0,079319655	-4,397
ENSG00000163156	SCNM1	P coding	0,19	1,14	5,04	2,36	0,018450362	0,079349713	-4,397
ENSG00000240770	C21orf91-OT1	lncRNA	0,20	1,15	1,00	2,36	0,018458401	0,079372243	-4,397
ENSG00000140030	GPR65	P coding	-0,30	-1,23	1,01	-2,36	0,018505817	0,079553954	-4,400
ENSG00000138642	HERC6	P coding	0,38	1,31	3,08	2,36	0,018506272	0,079553954	-4,400
ENSG00000233647	NENFP1	PP	0,19	1,14	1,25	2,36	0,018526539	0,079629004	-4,401
ENSG00000197345	MRPL21	P coding	-0,15	-1,11	5,90	-2,36	0,01853708	0,079650955	-4,401
ENSG00000156876	SASS6	P coding	0,18	1,13	1,72	2,36	0,018538754	0,079650955	-4,401

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000223624	AL033528.2	PP	0,27	1,21	0,57	2,36	0,018542191	0,079650955	-4,401
ENSG00000183023	SLC8A1	P coding	0,55	1,46	1,96	2,36	0,018542886	0,079650955	-4,401
ENSG00000160791	CCR5	P coding	-0,51	-1,43	1,16	-2,36	0,018548073	0,079661161	-4,402
ENSG00000252627	RNU6-122P	snRNA	0,36	1,28	0,73	2,36	0,018571763	0,079750826	-4,403
ENSG00000108510	MED13	P coding	0,20	1,15	4,25	2,36	0,018611392	0,079875231	-4,405
ENSG00000198019	FCGR1B	P coding	0,22	1,17	0,46	2,36	0,018612005	0,079875231	-4,405
ENSG00000118600	RXYLT1	P coding	0,17	1,13	4,81	2,36	0,018618172	0,079889601	-4,405
ENSG00000200156	RNU5B-1	snRNA	0,52	1,43	4,90	2,36	0,018635978	0,079953902	-4,406
ENSG00000185883	ATP6V0C	P coding	0,18	1,13	6,79	2,36	0,018641512	0,07996554	-4,406
ENSG00000071243	ING3	P coding	-0,17	-1,13	5,05	-2,36	0,018650583	0,079992349	-4,406
ENSG00000138709	LARP1B	P coding	0,19	1,14	5,52	2,36	0,018667434	0,080052508	-4,407
ENSG00000167969	ECI1	P coding	0,17	1,13	6,42	2,36	0,018678404	0,080087437	-4,408
ENSG00000227053	MUC12-AS1	lncRNA	0,21	1,15	0,89	2,36	0,018703662	0,080174345	-4,409
ENSG00000109917	ZPR1	P coding	-0,15	-1,11	5,18	-2,36	0,01870433	0,080174345	-4,409
ENSG00000269815	AC010463.3	lncRNA	0,18	1,14	2,21	2,36	0,018727075	0,080259703	-4,410
ENSG00000000971	CFH	P coding	0,43	1,34	1,20	2,36	0,018765536	0,080400226	-4,412
ENSG00000160949	TONSL	P coding	0,23	1,17	2,46	2,36	0,018771643	0,080414236	-4,412
ENSG00000065000	AP3D1	P coding	-0,16	-1,12	6,34	-2,36	0,018781722	0,080445253	-4,413
ENSG00000159720	ATP6V0D1	P coding	0,22	1,16	5,19	2,36	0,018797557	0,080500913	-4,413
ENSG00000268560	AC010636.1	lncRNA	0,14	1,11	0,72	2,36	0,018801682	0,080506418	-4,413
ENSG00000103024	NME3	P coding	0,19	1,14	6,32	2,36	0,018816656	0,080558365	-4,414
ENSG00000219529	AP000580.1	PP	0,29	1,22	2,99	2,35	0,018823981	0,080577554	-4,415
ENSG00000259935	AC009754.1	lncRNA	0,36	1,29	2,73	2,35	0,01883849	0,080627484	-4,415
ENSG00000185104	FAF1	P coding	0,20	1,15	4,63	2,35	0,01886326	0,080721314	-4,416
ENSG00000172782	FADS6	P coding	0,12	1,09	1,17	2,35	0,018873254	0,080751887	-4,417
ENSG00000158296	SLC13A3	P coding	0,34	1,27	1,38	2,35	0,018886977	0,080798407	-4,417
ENSG00000166451	CENPN	P coding	0,23	1,18	3,20	2,35	0,018894992	0,0808205	-4,418
ENSG00000250361	GYPB	P coding	0,30	1,23	1,10	2,35	0,018904799	0,080850246	-4,418
ENSG00000226891	LINC01359	lncRNA	0,11	1,08	0,98	2,35	0,018916768	0,080889231	-4,419
ENSG00000131844	MCCC2	P coding	-0,20	-1,15	5,36	-2,35	0,018926337	0,080905739	-4,419
ENSG00000173728	C1orf100	P coding	0,17	1,13	1,27	2,35	0,018945437	0,08096057	-4,420
ENSG00000259314	AC103739.2	lncRNA	-0,14	-1,10	0,78	-2,35	0,018946733	0,08096057	-4,420
ENSG00000165650	PDZD8	P coding	0,19	1,14	2,87	2,35	0,018947732	0,08096057	-4,420
ENSG00000102743	SLC25A15	P coding	-0,23	-1,17	1,93	-2,35	0,018967102	0,081019377	-4,421
ENSG00000141376	BCAS3	P coding	0,18	1,13	3,79	2,35	0,018967467	0,081019377	-4,421
ENSG00000111206	FOXM1	P coding	0,30	1,23	2,40	2,35	0,018971318	0,081019377	-4,421
ENSG00000272990	AC084036.1	lncRNA	-0,29	-1,22	4,47	-2,35	0,018972928	0,081019377	-4,421
ENSG00000108094	CUL2	P coding	0,16	1,12	3,93	2,35	0,018979418	0,081023165	-4,422
ENSG00000105613	MAST1	P coding	-0,22	-1,16	0,88	-2,35	0,018979532	0,081023165	-4,422
ENSG00000222808	RNU4-47P	snRNA	0,37	1,30	4,53	2,35	0,018996751	0,081075062	-4,422
ENSG00000164078	MST1R	P coding	-0,13	-1,10	0,59	-2,35	0,018997409	0,081075062	-4,423
ENSG00000169991	IFFO2	P coding	0,37	1,30	3,24	2,35	0,019000537	0,081076203	-4,423
ENSG00000265905	RN7SL96P	misc_RNA	0,19	1,14	1,42	2,35	0,019021385	0,081152946	-4,424
ENSG00000207210	AC008378.1	misc_RNA	0,24	1,18	0,28	2,35	0,019042724	0,081229345	-4,425
ENSG00000241357	AC092849.1	lncRNA	0,16	1,12	0,58	2,35	0,019045023	0,081229345	-4,425
ENSG00000238266	LINC00707	lncRNA	-0,28	-1,21	1,87	-2,35	0,019049945	0,081238113	-4,425
ENSG00000101405	OXT	P coding	0,28	1,22	0,75	2,35	0,01907045	0,081299136	-4,426
ENSG00000011638	TMEM159	P coding	-0,19	-1,14	2,52	-2,35	0,01907085	0,081299136	-4,426

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000101000	PROCR	P coding	-0,14	-1,10	0,44	-2,35	0,019072859	0,081299136	-4,426
ENSG00000136531	SCN2A	P coding	-0,24	-1,18	1,10	-2,35	0,019083842	0,081333724	-4,426
ENSG00000166387	PPFIBP2	P coding	-0,25	-1,19	5,31	-2,35	0,019118715	0,081470097	-4,428
ENSG00000137563	GGH	P coding	0,40	1,32	5,27	2,35	0,01914504	0,081570016	-4,429
ENSG00000223508	RPL23AP53	TPP	0,19	1,14	1,84	2,35	0,019180913	0,081698298	-4,431
ENSG00000104897	SF3A2	P coding	-0,17	-1,12	5,86	-2,35	0,019195646	0,081748767	-4,432
ENSG00000259420	AC046168.2	lncRNA	-0,16	-1,12	0,26	-2,35	0,019220839	0,081843757	-4,433
ENSG00000234061	AC007969.1	PP	-0,19	-1,14	0,50	-2,35	0,019276431	0,082055822	-4,435
ENSG00000239415	AP001469.3	lncRNA	0,16	1,12	1,61	2,35	0,019298956	0,082139371	-4,436
ENSG00000092969	TGFB2	P coding	0,44	1,35	1,13	2,35	0,019307544	0,082163584	-4,437
ENSG00000230804	C2orf27AP3	unPP	-0,31	-1,24	1,73	-2,35	0,019311781	0,082169278	-4,437
ENSG00000203441	LINC00449	lncRNA	0,12	1,08	0,58	2,34	0,019336308	0,082231894	-4,438
ENSG00000196369	SRGAP2B	P coding	0,32	1,25	3,95	2,34	0,019337201	0,082231894	-4,438
ENSG00000133872	SARAF	P coding	0,22	1,17	8,43	2,34	0,019338713	0,082231894	-4,438
ENSG00000114861	FOXP1	P coding	0,36	1,28	2,56	2,34	0,019341002	0,082231894	-4,438
ENSG00000117650	NEK2	P coding	0,32	1,25	1,59	2,34	0,019349794	0,082256936	-4,439
ENSG00000128346	C22orf23	P coding	-0,15	-1,11	2,02	-2,34	0,019355471	0,082268735	-4,439
ENSG00000241032	RN7SL709P	misc_RNA	0,18	1,13	1,41	2,34	0,019363903	0,082292232	-4,439
ENSG00000204625	HCG9	lncRNA	0,47	1,39	3,79	2,34	0,01937303	0,08231868	-4,440
ENSG00000188529	SRSF10	P coding	-0,22	-1,17	6,54	-2,34	0,019393505	0,082373016	-4,440
ENSG00000155868	MED7	P coding	0,22	1,17	3,65	2,34	0,019393727	0,082373016	-4,440
ENSG00000196566	AL138767.1	lncRNA	0,11	1,08	0,95	2,34	0,019394536	0,082373016	-4,441
ENSG00000235672	AC090286.3	TPP	0,12	1,08	0,44	2,34	0,019413361	0,082440519	-4,441
ENSG00000255458	AC108471.3	lncRNA	0,15	1,11	2,07	2,34	0,019416246	0,082440519	-4,442
ENSG00000168781	PPIP5K1	P coding	-0,27	-1,21	4,66	-2,34	0,01942526	0,082466441	-4,442
ENSG00000140326	CDAN1	P coding	-0,17	-1,13	3,33	-2,34	0,019439531	0,082514666	-4,443
ENSG00000164032	H2AZ1	P coding	0,20	1,15	7,72	2,34	0,01944404	0,082521448	-4,443
ENSG00000107263	RAPGEF1	P coding	-0,33	-1,26	5,88	-2,34	0,019451935	0,082542596	-4,443
ENSG00000146677	AC004453.1	PP	-0,11	-1,08	0,64	-2,34	0,01945987	0,08256391	-4,443
ENSG00000263586	HID1-AS1	lncRNA	0,10	1,07	0,70	2,34	0,019471073	0,082599078	-4,444
ENSG00000209645	SNORD105	snoRNA	-0,37	-1,29	1,04	-2,34	0,019474688	0,08260194	-4,444
ENSG00000155465	SLC7A7	P coding	0,41	1,33	5,67	2,34	0,019477576	0,08260194	-4,444
ENSG00000207523	SNORA66	snoRNA	0,29	1,22	4,76	2,34	0,019484069	0,082610706	-4,445
ENSG00000254153	AC103957.2	lncRNA	0,19	1,14	2,18	2,34	0,019488386	0,082610706	-4,445
ENSG00000233183	AL138889.1	lncRNA	0,09	1,06	1,03	2,34	0,019498818	0,082642567	-4,445
ENSG00000140694	PARN	P coding	0,17	1,13	4,68	2,34	0,019507013	0,082664941	-4,446
ENSG00000247199	AC011346.1	lncRNA	0,10	1,07	0,64	2,34	0,019511057	0,082669717	-4,446
ENSG00000147324	MFHAS1	P coding	0,25	1,19	0,71	2,34	0,019524308	0,0827135	-4,446
ENSG00000135390	ATP5MC2	P coding	-0,12	-1,08	8,83	-2,34	0,019527639	0,082715252	-4,446
ENSG00000152315	KCNK13	P coding	0,28	1,21	0,41	2,34	0,019534237	0,082730834	-4,447
ENSG00000118922	KLF12	P coding	-0,27	-1,20	1,84	-2,34	0,019539761	0,082741867	-4,447
ENSG00000232118	BACH1-AS1	lncRNA	0,24	1,18	1,17	2,34	0,019552686	0,082769611	-4,448
ENSG00000175787	ZNF169	P coding	0,18	1,13	2,66	2,34	0,019553062	0,082769611	-4,448
ENSG00000162669	HFM1	P coding	0,14	1,10	0,22	2,34	0,019558423	0,082769611	-4,448
ENSG00000260101	AC008074.2	lncRNA	0,36	1,28	3,71	2,34	0,019558583	0,082769611	-4,448
ENSG00000140830	TXNL4B	P coding	0,17	1,13	3,07	2,34	0,019560912	0,082769611	-4,448
ENSG00000106665	CLIP2	P coding	0,21	1,16	1,08	2,34	0,019583092	0,082851093	-4,449
ENSG00000207367	RNU6-29P	snRNA	0,47	1,39	1,12	2,34	0,019599788	0,082909356	-4,450

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000124762	CDKN1A	P coding	0,34	1,26	7,68	2,34	0,019610549	0,082942499	-4,450
ENSG00000166866	MYO1A	P coding	-0,11	-1,08	0,42	-2,34	0,019627047	0,08299989	-4,451
ENSG00000106701	FSD1L	P coding	-0,21	-1,16	1,62	-2,34	0,019636752	0,083028546	-4,451
ENSG00000250829	AC108865.1	lncRNA	-0,34	-1,27	0,78	-2,34	0,019663997	0,083118945	-4,453
ENSG00000254477	AP000640.1	lncRNA	0,10	1,07	0,45	2,34	0,019674387	0,083150464	-4,453
ENSG00000135698	MPHOSPH6	P coding	0,26	1,20	3,95	2,34	0,019701183	0,083238891	-4,454
ENSG00000252291	AC079173.1	snRNA	0,34	1,27	0,54	2,34	0,019737738	0,083373569	-4,456
ENSG00000258422	AL160191.1	lncRNA	0,19	1,14	2,27	2,34	0,019738941	0,083373569	-4,456
ENSG00000222112	RN7SKP16	misc_RNA	0,19	1,14	0,73	2,34	0,019746846	0,08339453	-4,456
ENSG00000137185	ZSCAN9	P coding	0,18	1,13	3,64	2,34	0,019767554	0,083469548	-4,457
ENSG00000219607	PPP1R3G	P coding	0,27	1,21	0,57	2,34	0,019771583	0,083474129	-4,457
ENSG00000257433	AC004241.1	lncRNA	0,21	1,16	2,77	2,34	0,019791112	0,083544132	-4,458
ENSG00000183569	SERHL2	P coding	0,14	1,10	1,59	2,34	0,019798162	0,083555573	-4,458
ENSG00000228823	AL592309.1	unPP	-0,13	-1,09	0,23	-2,34	0,01979977	0,083555573	-4,459
ENSG00000134248	LAMTOR5	P coding	0,15	1,11	6,61	2,34	0,019802665	0,083555573	-4,459
ENSG00000107625	DDX50	P coding	0,14	1,10	4,69	2,34	0,019815119	0,083595676	-4,459
ENSG00000213246	SUPT4H1	P coding	0,13	1,10	6,26	2,34	0,019823318	0,083617824	-4,460
ENSG00000128242	GAL3ST1	P coding	-0,11	-1,08	0,71	-2,34	0,01984233	0,083660672	-4,460
ENSG00000232310	AL078590.2	lncRNA	-0,22	-1,16	1,29	-2,33	0,019859427	0,083720305	-4,461
ENSG00000126067	PSMB2	P coding	0,16	1,12	5,17	2,33	0,019890477	0,083838731	-4,463
ENSG00000248360	LINC00504	lncRNA	0,25	1,19	4,18	2,33	0,019906287	0,083880476	-4,463
ENSG00000223510	CDRT15	P coding	0,18	1,13	1,10	2,33	0,019906299	0,083880476	-4,463
ENSG00000162851	TFB2M	P coding	0,19	1,14	4,35	2,33	0,019926842	0,083945739	-4,464
ENSG00000074590	NUAK1	P coding	0,40	1,32	0,56	2,33	0,01992771	0,083945739	-4,464
ENSG00000099821	POLRMT	P coding	-0,17	-1,12	5,49	-2,33	0,019939361	0,083982336	-4,465
ENSG00000233578	EIF4EP1	PP	-0,20	-1,15	1,32	-2,33	0,019956703	0,08404289	-4,465
ENSG00000102030	NAA10	P coding	-0,19	-1,14	6,69	-2,33	0,019960468	0,08404626	-4,466
ENSG00000269054	AC012313.6	lncRNA	-0,13	-1,10	0,52	-2,33	0,019970444	0,084063291	-4,466
ENSG00000203416	FAM32BP	PP	0,17	1,13	1,74	2,33	0,019997975	0,084166683	-4,467
ENSG00000204791	SMPD5	TUnP	-0,27	-1,20	0,83	-2,33	0,020010604	0,084207331	-4,468
ENSG00000258682	AL132989.1	lncRNA	0,19	1,14	1,74	2,33	0,020021719	0,0842416	-4,468
ENSG00000224543	SNRPGP15	PP	-0,19	-1,14	1,34	-2,33	0,020050792	0,084351401	-4,469
ENSG00000101347	SAMHD1	P coding	0,29	1,22	3,87	2,33	0,02006241	0,084387756	-4,470
ENSG00000233237	LINC00472	lncRNA	0,23	1,17	0,63	2,33	0,020066023	0,08439043	-4,470
ENSG00000185507	IRF7	P coding	0,30	1,23	6,27	2,33	0,020092285	0,084475809	-4,471
ENSG00000129255	MPDU1	P coding	0,20	1,15	5,54	2,33	0,020102931	0,084501262	-4,472
ENSG00000268088	AC093063.1	TUP	0,47	1,38	1,32	2,33	0,020104301	0,084501262	-4,472
ENSG00000077549	CAPZB	P coding	0,17	1,12	5,75	2,33	0,020128845	0,084591881	-4,473
ENSG00000185641	AC034236.1	PP	-0,14	-1,11	0,66	-2,33	0,020136605	0,084611949	-4,473
ENSG00000233984	RPSAP14	PP	-0,18	-1,14	0,93	-2,33	0,020157165	0,084685787	-4,474
ENSG00000257315	ZBED6	P coding	0,31	1,24	3,20	2,33	0,020162907	0,084697355	-4,474
ENSG00000224132	AC112715.1	lncRNA	0,19	1,14	0,73	2,33	0,020186636	0,084764529	-4,475
ENSG00000136141	LRCH1	P coding	-0,21	-1,16	2,56	-2,33	0,020187869	0,084764529	-4,475
ENSG00000167065	DUSP18	P coding	0,17	1,12	1,75	2,33	0,020217243	0,084875293	-4,477
ENSG00000201823	SNORD48	snRNA	0,16	1,12	0,11	2,33	0,02022212	0,084883195	-4,477
ENSG00000264675	MIR4285	miRNA	0,46	1,37	2,02	2,33	0,020265915	0,08505443	-4,479
ENSG00000241188	RN7SL165P	misc_RNA	0,18	1,13	1,17	2,33	0,020276332	0,085085553	-4,479
ENSG00000250073	AP000866.2	lncRNA	0,15	1,11	0,52	2,33	0,020281128	0,085093081	-4,479

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000272540	AL662797.2	lncRNA	0,28	1,22	2,14	2,33	0,020292946	0,085130065	-4,480
ENSG00000231738	TSPAN19	P coding	0,25	1,19	1,77	2,33	0,020298461	0,085140598	-4,480
ENSG0000056586	RC3H2	P coding	-0,18	-1,13	4,31	-2,33	0,020303176	0,085147776	-4,480
ENSG00000112077	RHAG	P coding	0,25	1,19	0,38	2,33	0,020327533	0,085237315	-4,481
ENSG00000103351	CLUAP1	P coding	0,22	1,16	2,50	2,33	0,020334418	0,085253575	-4,482
ENSG00000259436	AC010247.2	lncRNA	-0,23	-1,17	2,09	-2,33	0,020353365	0,085315609	-4,483
ENSG00000259171	AL163636.2	P coding	0,28	1,22	0,62	2,33	0,020357368	0,085315609	-4,483
ENSG00000151067	CACNA1C	P coding	0,15	1,11	0,48	2,33	0,020358244	0,085315609	-4,483
ENSG00000105705	SUGP1	P coding	-0,15	-1,11	5,35	-2,33	0,020368874	0,08534754	-4,483
ENSG00000185787	MORF4L1	P coding	-0,16	-1,12	7,97	-2,32	0,020397157	0,085453416	-4,484
ENSG00000165244	ZNF367	P coding	0,27	1,20	2,58	2,32	0,020434317	0,085571154	-4,486
ENSG00000198131	ZNF544	P coding	-0,29	-1,22	4,61	-2,32	0,02044578	0,085606509	-4,486
ENSG00000166352	IFTAP	P coding	0,44	1,36	2,80	2,32	0,020452667	0,085617248	-4,487
ENSG00000240320	RPS29P27	PP	0,16	1,11	0,16	2,32	0,020467453	0,085659296	-4,487
ENSG00000233427	AL009181.2	lncRNA	-0,11	-1,08	0,44	-2,32	0,020474289	0,085675258	-4,488
ENSG00000219200	RNASEK	P coding	0,19	1,14	6,70	2,32	0,020480114	0,085686983	-4,488
ENSG00000232803	SLCO4A1-AS1	lncRNA	-0,20	-1,15	0,72	-2,32	0,020529592	0,085843314	-4,490
ENSG00000264879	RN7SL690P	misc_RNA	0,26	1,20	1,54	2,32	0,020552793	0,08592765	-4,491
ENSG00000272360	AC116036.2	lncRNA	0,16	1,12	0,52	2,32	0,020563166	0,085958341	-4,491
ENSG00000255968	AC024145.1	lncRNA	-0,19	-1,14	1,00	-2,32	0,020577745	0,086006602	-4,492
ENSG00000258354	AC138932.3	lncRNA	0,18	1,14	0,74	2,32	0,020614296	0,086146665	-4,494
ENSG00000231715	COX6CP2	PP	0,13	1,09	0,24	2,32	0,020634763	0,086219488	-4,494
ENSG00000101856	PGRMC1	P coding	0,21	1,16	4,64	2,32	0,020696113	0,086450341	-4,497
ENSG00000272666	U62317.1	lncRNA	0,34	1,26	2,23	2,32	0,020703997	0,086470531	-4,497
ENSG00000245614	DDX11-AS1	lncRNA	0,15	1,11	1,13	2,32	0,020707149	0,086470955	-4,497
ENSG00000159445	THEM4	P coding	0,24	1,18	4,63	2,32	0,02076775	0,086711246	-4,500
ENSG00000111231	GPN3	P coding	0,19	1,14	4,02	2,32	0,020776658	0,086735662	-4,500
ENSG00000253930	TNFRSF10A-AS1	lncRNA	0,22	1,16	2,20	2,32	0,020793465	0,086793044	-4,501
ENSG00000088205	DDX18	P coding	0,17	1,13	5,79	2,32	0,020808706	0,086825485	-4,502
ENSG00000213931	HBE1	P coding	-0,42	-1,34	0,87	-2,32	0,020810368	0,086825485	-4,502
ENSG00000112787	FBRSL1	P coding	0,21	1,16	5,47	2,32	0,020810426	0,086825485	-4,502
ENSG00000212024	MIR550A3	miRNA	0,28	1,21	0,44	2,32	0,020819331	0,086849852	-4,502
ENSG00000175294	CATSPER1	P coding	0,15	1,11	0,29	2,32	0,020827024	0,086869162	-4,503
ENSG00000205790	DPP9-AS1	lncRNA	-0,13	-1,10	1,07	-2,32	0,020831212	0,086873845	-4,503
ENSG00000143324	XPR1	P coding	0,22	1,16	3,64	2,32	0,020842131	0,086906595	-4,503
ENSG00000142920	AZIN2	P coding	-0,17	-1,12	0,68	-2,32	0,020846664	0,086912715	-4,503
ENSG00000213923	CSNK1E	P coding	-0,25	-1,19	7,34	-2,32	0,020853767	0,086928356	-4,504
ENSG00000054277	OPN3	P coding	0,33	1,26	3,49	2,32	0,020856549	0,086928356	-4,504
ENSG00000057608	GDI2	P coding	0,17	1,12	6,76	2,32	0,020867929	0,086950213	-4,504
ENSG00000258057	BCDIN3D-AS1	lncRNA	0,10	1,07	0,89	2,32	0,020883397	0,087001878	-4,505
ENSG00000272414	FAM47E-STBD1	P coding	-0,34	-1,27	1,76	-2,32	0,020894931	0,087037138	-4,505
ENSG00000088682	COQ9	P coding	0,24	1,18	5,02	2,32	0,020918563	0,087109971	-4,506
ENSG00000121749	TBC1D15	P coding	0,22	1,16	5,42	2,31	0,020942132	0,087195312	-4,507
ENSG00000156467	UQCRB	P coding	-0,15	-1,11	8,35	-2,31	0,020951646	0,087216061	-4,508
ENSG00000132004	FBXW9	P coding	-0,16	-1,12	2,38	-2,31	0,020955559	0,087216061	-4,508
ENSG00000225434	LINC01504	lncRNA	0,12	1,09	0,41	2,31	0,020956346	0,087216061	-4,508
ENSG00000101096	NFATC2	P coding	0,26	1,19	2,56	2,31	0,020995145	0,087364707	-4,509
ENSG00000134531	EMP1	P coding	0,42	1,34	1,21	2,31	0,021018917	0,087450789	-4,510

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000232079	LINC01697	lncRNA	0,28	1,22	1,01	2,31	0,021031587	0,087490659	-4,511
ENSG00000173402	DAG1	P coding	-0,18	-1,14	3,81	-2,31	0,021039545	0,087510924	-4,511
ENSG00000250155	AC008957.1	lncRNA	-0,29	-1,22	3,33	-2,31	0,021065399	0,087605605	-4,512
ENSG00000173867	AC013489.1	P coding	-0,20	-1,15	2,17	-2,31	0,021077574	0,08764338	-4,513
ENSG00000230629	RPS23P8	PP	-0,24	-1,18	1,64	-2,31	0,021121116	0,087811552	-4,515
ENSG00000147689	FAM83A	P coding	-0,14	-1,10	0,42	-2,31	0,021127597	0,087825615	-4,515
ENSG00000184517	ZFP1	P coding	0,20	1,15	1,86	2,31	0,021141693	0,087861192	-4,516
ENSG00000108187	PBLD	P coding	0,22	1,16	2,54	2,31	0,021142355	0,087861192	-4,516
ENSG00000100028	SNRPD3	P coding	0,19	1,14	5,86	2,31	0,021156553	0,087894424	-4,516
ENSG00000249994	AC025187.1	lncRNA	0,19	1,14	3,08	2,31	0,021166275	0,087905377	-4,517
ENSG00000236200	KDM4A-AS1	lncRNA	0,17	1,12	1,86	2,31	0,021168042	0,087905377	-4,517
ENSG00000186648	CARMIL3	P coding	-0,40	-1,32	1,98	-2,31	0,021168493	0,087905377	-4,517
ENSG00000263938	AC100832.2	lncRNA	0,12	1,08	0,89	2,31	0,021176053	0,087923888	-4,517
ENSG00000108381	ASPA	P coding	0,12	1,09	1,06	2,31	0,021186935	0,087948053	-4,517
ENSG00000176208	ATAD5	P coding	0,18	1,13	1,28	2,31	0,021188078	0,087948053	-4,517
ENSG00000254986	DPP3	P coding	-0,20	-1,15	4,83	-2,31	0,021227037	0,088096864	-4,519
ENSG00000100092	SH3BP1	P coding	0,31	1,24	3,50	2,31	0,021231516	0,088102555	-4,519
ENSG00000253295	AC022217.3	lncRNA	0,25	1,19	0,87	2,31	0,021261626	0,088214586	-4,520
ENSG00000241226	RN7SL836P	misc_RNA	0,15	1,11	0,66	2,31	0,021281226	0,088282985	-4,521
ENSG00000100336	APOL4	P coding	0,15	1,11	2,83	2,31	0,021290597	0,088308935	-4,522
ENSG00000260510	AC004381.1	lncRNA	-0,17	-1,13	0,78	-2,31	0,021302808	0,088346655	-4,522
ENSG00000235609	AF127577.4	lncRNA	0,12	1,08	0,79	2,31	0,021313296	0,088374826	-4,523
ENSG00000143819	EPHX1	P coding	0,25	1,19	4,97	2,31	0,021315836	0,088374826	-4,523
ENSG00000249267	LINC00939	lncRNA	0,13	1,09	1,34	2,31	0,021334113	0,088437666	-4,523
ENSG00000272885	AC092574.1	lncRNA	0,14	1,10	0,46	2,31	0,021362375	0,088541874	-4,525
ENSG00000231867	AP001625.1	lncRNA	0,17	1,12	0,31	2,31	0,021384781	0,088621783	-4,525
ENSG00000235893	BX284632.1	PP	0,33	1,26	1,68	2,31	0,021404527	0,088690649	-4,526
ENSG00000241678	AC091564.1	PP	0,20	1,15	1,23	2,31	0,021421655	0,088748644	-4,527
ENSG00000197816	CCDC180	P coding	-0,32	-1,25	2,95	-2,31	0,021481522	0,088983665	-4,529
ENSG00000222277	RTF2	P coding	0,15	1,11	5,59	2,30	0,021497432	0,08903656	-4,530
ENSG00000184076	UQCR10	P coding	0,17	1,13	5,86	2,30	0,021501961	0,089042306	-4,530
ENSG00000148985	PGAP2	P coding	-0,19	-1,14	4,98	-2,30	0,021541536	0,08919316	-4,532
ENSG00000155636	RBM45	P coding	0,16	1,11	4,06	2,30	0,021545534	0,08919477	-4,532
ENSG00000206077	ZDHHC11B	P coding	-0,34	-1,27	1,70	-2,30	0,021550954	0,08919477	-4,532
ENSG00000198440	ZNF583	P coding	0,28	1,21	2,15	2,30	0,021551365	0,08919477	-4,532
ENSG00000263235	AC006111.2	lncRNA	0,12	1,09	0,65	2,30	0,021556552	0,089203216	-4,532
ENSG00000171960	PPIH	P coding	0,15	1,11	5,10	2,30	0,021561885	0,089212262	-4,533
ENSG00000143882	ATP6V1C2	P coding	0,24	1,18	2,60	2,30	0,021568194	0,089225339	-4,533
ENSG00000184319	RPL23AP82	TUP	0,18	1,13	3,71	2,30	0,021571807	0,089227264	-4,533
ENSG00000120314	WDR55	P coding	-0,16	-1,12	4,61	-2,30	0,021582633	0,089259019	-4,533
ENSG00000246308	AC116535.2	lncRNA	0,11	1,08	0,79	2,30	0,021593519	0,089277989	-4,534
ENSG00000272821	U62317.2	lncRNA	0,23	1,17	3,48	2,30	0,021625149	0,089394241	-4,535
ENSG00000204389	HSPA1A	P coding	0,53	1,44	3,93	2,30	0,021627944	0,089394241	-4,535
ENSG00000162385	MAGO8	P coding	0,15	1,11	5,87	2,30	0,021633155	0,089402743	-4,535
ENSG00000114784	EIF1B	P coding	-0,16	-1,12	6,30	-2,30	0,021640392	0,089419614	-4,536
ENSG00000105438	KDELR1	P coding	-0,18	-1,13	7,72	-2,30	0,021662724	0,089498844	-4,537
ENSG00000231296	AL050341.1	PP	0,16	1,12	0,74	2,30	0,021670183	0,089516616	-4,537
ENSG00000213064	SFT2D2	P coding	0,21	1,16	3,36	2,30	0,021693162	0,089598479	-4,538

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000162613	FUBP1	P coding	0,19	1,14	7,21	2,30	0,021710546	0,089657215	-4,539
ENSG00000171206	TRIM8	P coding	0,21	1,16	5,14	2,30	0,021719024	0,089679161	-4,539
ENSG00000221782	MIR548F2	miRNA	0,26	1,20	0,38	2,30	0,021723374	0,089684059	-4,539
ENSG00000183837	PNMA3	P coding	-0,23	-1,18	0,63	-2,30	0,021746835	0,08975958	-4,540
ENSG00000147586	MRPS28	P coding	0,19	1,14	4,87	2,30	0,021748	0,08975958	-4,540
ENSG00000236977	ANKRD44-IT1	lncRNA	0,14	1,11	1,52	2,30	0,021766848	0,089824292	-4,541
ENSG00000132424	PNISR	P coding	-0,20	-1,15	7,24	-2,30	0,021818186	0,09000994	-4,543
ENSG00000234420	ZNF37BP	TPP	0,24	1,18	3,85	2,30	0,02188721	0,090275391	-4,546
ENSG00000246763	RGMB-AS1	lncRNA	0,19	1,14	2,35	2,30	0,0218889	0,090275391	-4,546
ENSG00000105694	ELOCP28	PP	-0,17	-1,12	1,47	-2,30	0,021912775	0,090360712	-4,547
ENSG00000154945	ANKRD40	P coding	0,16	1,12	4,15	2,30	0,021919624	0,090375807	-4,547
ENSG00000272071	AC122710.2	lncRNA	0,19	1,14	1,14	2,30	0,021925599	0,090387294	-4,547
ENSG00000158623	COPG2	P coding	-0,26	-1,19	4,05	-2,30	0,021941108	0,090427132	-4,548
ENSG00000144426	NBEAL1	P coding	0,16	1,12	1,96	2,30	0,021943929	0,090427132	-4,548
ENSG00000249493	ANKRD20A18P	unPP	0,21	1,15	0,29	2,30	0,021944833	0,090427132	-4,548
ENSG00000203756	TMEM244	P coding	0,28	1,22	0,55	2,30	0,021974098	0,090534562	-4,549
ENSG00000186908	ZDHC17	P coding	0,20	1,15	4,63	2,30	0,021983316	0,090547171	-4,549
ENSG00000102572	STK24	P coding	-0,20	-1,15	4,97	-2,30	0,021984036	0,090547171	-4,549
ENSG00000167657	DAPK3	P coding	-0,15	-1,11	5,12	-2,30	0,021986742	0,090547171	-4,550
ENSG00000150938	CRIM1	P coding	0,44	1,36	1,77	2,30	0,022004169	0,090579463	-4,550
ENSG00000261609	GAN	P coding	0,10	1,07	0,87	2,30	0,022013784	0,090605883	-4,551
ENSG00000156738	MS4A1	P coding	0,89	1,86	2,57	2,30	0,022017502	0,09060803	-4,551
ENSG00000169299	PGM2	P coding	0,19	1,14	3,22	2,30	0,022022739	0,090616425	-4,551
ENSG00000188959	C9orf152	P coding	-0,12	-1,09	0,47	-2,30	0,022047452	0,090704945	-4,552
ENSG00000237775	DDR1-DT	lncRNA	0,09	1,06	1,32	2,29	0,022065315	0,090752093	-4,553
ENSG00000188242	AC010442.1	lncRNA	0,25	1,19	4,88	2,29	0,022081847	0,090795054	-4,553
ENSG00000177853	ZNF518A	P coding	0,24	1,18	3,89	2,29	0,022082167	0,090795054	-4,553
ENSG00000130726	TRIM28	P coding	-0,15	-1,11	7,57	-2,29	0,022094395	0,090832156	-4,554
ENSG00000261126	RBFADN	lncRNA	0,16	1,12	1,18	2,29	0,022098074	0,090834107	-4,554
ENSG00000164576	SAP30L	P coding	-0,17	-1,12	5,49	-2,29	0,022101409	0,090834643	-4,554
ENSG00000189013	KIR2DL4	P coding	0,16	1,12	0,25	2,29	0,022147178	0,090996363	-4,556
ENSG00000168672	LRATD2	P coding	0,47	1,39	2,40	2,29	0,0221567	0,091022292	-4,556
ENSG00000249274	PDLIM1P4	PP	0,40	1,32	2,80	2,29	0,022176689	0,091091206	-4,557
ENSG00000149295	DRD2	P coding	-0,14	-1,10	0,45	-2,29	0,022185425	0,091110033	-4,557
ENSG00000272989	LINC02012	lncRNA	0,13	1,09	0,24	2,29	0,022189009	0,091110033	-4,557
ENSG00000250166	AC053513.1	lncRNA	0,16	1,12	0,81	2,29	0,022193016	0,091110033	-4,558
ENSG00000151364	KCTD14	P coding	0,39	1,31	1,11	2,29	0,022194129	0,091110033	-4,558
ENSG00000256482	AC023796.2	lncRNA	-0,37	-1,29	0,82	-2,29	0,022248287	0,091307532	-4,560
ENSG00000135437	RDH5	P coding	-0,22	-1,17	2,05	-2,29	0,022248681	0,091307532	-4,560
ENSG00000255858	AC055720.1	lncRNA	-0,21	-1,16	0,94	-2,29	0,022260385	0,091342337	-4,560
ENSG00000125378	BMP4	P coding	0,58	1,49	2,48	2,29	0,022276236	0,091394148	-4,561
ENSG00000207243	Z84721.1	misc_RNA	0,17	1,13	0,17	2,29	0,022302635	0,091476842	-4,562
ENSG00000223552	CCR5AS	lncRNA	-0,24	-1,18	0,59	-2,29	0,022302845	0,091476842	-4,562
ENSG00000178467	P4HTM	P coding	-0,24	-1,18	5,39	-2,29	0,022316234	0,091518514	-4,562
ENSG00000197136	PCNX3	P coding	-0,16	-1,12	5,30	-2,29	0,022323857	0,091536534	-4,563
ENSG00000255438	AL354813.1	lncRNA	-0,14	-1,10	0,80	-2,29	0,022328929	0,091544086	-4,563
ENSG00000111046	MYF6	P coding	-0,45	-1,36	1,25	-2,29	0,022347377	0,091592952	-4,564
ENSG00000183979	NPB	P coding	0,21	1,15	0,28	2,29	0,022347776	0,091592952	-4,564

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000143033	MTF2	P coding	0,19	1,14	3,38	2,29	0,022350542	0,091592952	-4,564
ENSG00000251878	AC099343.2	snoRNA	0,35	1,28	0,95	2,29	0,022356463	0,091603975	-4,564
ENSG00000222777	RNU6-233P	snRNA	0,33	1,26	2,44	2,29	0,022370799	0,091649469	-4,565
ENSG00000122376	SHLD2	P coding	0,16	1,12	3,92	2,29	0,022386817	0,091701839	-4,565
ENSG00000117139	KDM5B	P coding	-0,25	-1,19	3,47	-2,29	0,022398852	0,091737879	-4,566
ENSG00000272279	AL512329.2	lncRNA	0,16	1,11	0,33	2,29	0,022407164	0,091758665	-4,566
ENSG00000236618	PITPNA-AS1	lncRNA	0,20	1,15	4,65	2,29	0,022430349	0,091840339	-4,567
ENSG00000139233	LLPH	P coding	0,12	1,09	4,87	2,29	0,022437515	0,091856413	-4,567
ENSG00000180720	CHRM4	P coding	-0,17	-1,12	0,90	-2,29	0,022450996	0,091898329	-4,568
ENSG00000196376	SLC35F1	P coding	0,35	1,28	1,08	2,29	0,022461274	0,091927125	-4,568
ENSG00000197555	SIPA1L1	P coding	0,23	1,17	4,35	2,29	0,022466699	0,091936056	-4,568
ENSG00000121988	ZRANB3	P coding	0,13	1,10	2,03	2,29	0,022488706	0,092012827	-4,569
ENSG00000151287	TEX30	P coding	0,24	1,18	2,35	2,29	0,022503643	0,092060651	-4,570
ENSG00000117399	CDC20	P coding	0,34	1,27	2,41	2,29	0,022521678	0,092121138	-4,570
ENSG00000104447	TRPS1	P coding	0,26	1,19	0,63	2,29	0,022525581	0,092123807	-4,570
ENSG00000141622	RNF165	P coding	0,34	1,27	0,80	2,29	0,022555989	0,092234862	-4,572
ENSG00000234111	LINC02433	lncRNA	0,10	1,07	0,58	2,29	0,022563697	0,092253074	-4,572
ENSG00000146054	TRIM7	P coding	0,20	1,15	0,70	2,29	0,022583633	0,092307953	-4,573
ENSG00000267198	AC091132.4	lncRNA	0,26	1,20	2,59	2,29	0,022592952	0,092332731	-4,573
ENSG00000108984	MAP2K6	P coding	0,31	1,24	3,01	2,29	0,022599835	0,092334236	-4,573
ENSG00000164970	FAM219A	P coding	-0,21	-1,16	4,40	-2,28	0,022647084	0,092500613	-4,575
ENSG00000183401	CCDC159	P coding	-0,20	-1,15	6,13	-2,28	0,022674783	0,092600404	-4,576
ENSG00000260126	AC136431.1	lncRNA	0,18	1,13	2,42	2,28	0,022684027	0,09262481	-4,577
ENSG00000253396	AC016868.1	lncRNA	-0,17	-1,12	0,95	-2,28	0,022690179	0,092636587	-4,577
ENSG00000128000	ZNF780B	P coding	0,19	1,14	4,16	2,28	0,022709577	0,092696954	-4,578
ENSG00000145335	SNCA	P coding	0,35	1,27	1,10	2,28	0,022711506	0,092696954	-4,578
ENSG00000181524	RPL24P4	PP	-0,14	-1,10	0,88	-2,28	0,022724936	0,092738414	-4,578
ENSG00000135108	FBXO21	P coding	0,16	1,11	3,40	2,28	0,02273051	0,092747809	-4,578
ENSG00000102103	PQBP1	P coding	0,13	1,09	6,82	2,28	0,022746027	0,092786974	-4,579
ENSG00000249700	SRD5A3-AS1	lncRNA	0,16	1,11	2,71	2,28	0,022747636	0,092786974	-4,579
ENSG00000243544	RN75L172P	misc_RNA	-0,23	-1,17	1,92	-2,28	0,022796501	0,092963549	-4,581
ENSG00000198400	NTRK1	P coding	0,27	1,21	0,63	2,28	0,022803548	0,092978907	-4,581
ENSG00000196233	LCOR	P coding	0,20	1,15	3,20	2,28	0,022807687	0,092979628	-4,581
ENSG00000171405	XAGE5	P coding	-0,37	-1,29	0,96	-2,28	0,022810285	0,092979628	-4,581
ENSG00000169877	AHSP	P coding	0,51	1,43	1,51	2,28	0,022830807	0,093049898	-4,582
ENSG00000264029	AC061975.3	unPP	-0,12	-1,08	0,23	-2,28	0,022839704	0,093067233	-4,582
ENSG00000257842	LINC02588	lncRNA	0,24	1,18	0,31	2,28	0,022841626	0,093067233	-4,583
ENSG00000231024	AC092431.1	lncRNA	0,13	1,10	0,97	2,28	0,022862724	0,093134099	-4,583
ENSG00000206601	RNU6-431P	snRNA	0,33	1,26	5,38	2,28	0,022864608	0,093134099	-4,583
ENSG00000235635	AC016644.1	lncRNA	-0,20	-1,15	0,97	-2,28	0,022868714	0,093137436	-4,584
ENSG00000252443	AC092115.1	snoRNA	0,13	1,09	0,09	2,28	0,022887798	0,093201771	-4,584
ENSG00000179627	ZBTB42	P coding	0,20	1,15	2,28	2,28	0,022894116	0,093214107	-4,585
ENSG00000050030	NEXMIF	P coding	0,22	1,16	0,99	2,28	0,022903824	0,093230835	-4,585
ENSG00000201228	AC022080.1	misc_RNA	0,35	1,27	0,74	2,28	0,022904803	0,093230835	-4,585
ENSG00000154124	OTULIN	P coding	-0,21	-1,16	4,30	-2,28	0,022913521	0,093252932	-4,585
ENSG00000225940	C5orf67	lncRNA	-0,11	-1,08	0,34	-2,28	0,022927992	0,093298431	-4,586
ENSG00000164077	MON1A	P coding	-0,27	-1,20	3,61	-2,28	0,022935136	0,093307716	-4,586
ENSG00000127870	RNF6	P coding	-0,17	-1,13	4,27	-2,28	0,022936858	0,093307716	-4,586

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000252051	RN7SKP276	misc_RNA	0,50	1,41	1,16	2,28	0,022944341	0,093324767	-4,586
ENSG00000252408	AC005787.1	snoRNA	-0,32	-1,25	0,68	-2,28	0,022973794	0,093409201	-4,588
ENSG00000205060	SLC35B4	P coding	-0,24	-1,18	3,49	-2,28	0,022974986	0,093409201	-4,588
ENSG00000130921	C12orf65	P coding	0,17	1,13	3,86	2,28	0,022981939	0,093424071	-4,588
ENSG00000262769	AC025627.1	lncRNA	-0,23	-1,18	0,84	-2,28	0,023007993	0,093516573	-4,589
ENSG00000165923	AGBL2	P coding	0,19	1,14	1,43	2,28	0,023016852	0,093532248	-4,589
ENSG00000129474	AJUBA	P coding	-0,15	-1,11	0,71	-2,28	0,023035831	0,093589461	-4,590
ENSG00000221083	AL096855.1	snoRNA	0,24	1,18	0,38	2,28	0,023048531	0,093609385	-4,590
ENSG00000144840	RABL3	P coding	-0,18	-1,14	3,78	-2,28	0,023050642	0,093609385	-4,590
ENSG00000239445	ST3GAL6-AS1	lncRNA	0,32	1,25	3,52	2,28	0,023057807	0,093625068	-4,591
ENSG00000101974	ATP11C	P coding	0,27	1,21	3,49	2,28	0,02307266	0,093658547	-4,591
ENSG00000172738	TMEM217	P coding	0,13	1,10	0,61	2,28	0,023079801	0,093674118	-4,592
ENSG00000124831	LRRFIP1	P coding	0,23	1,17	4,80	2,28	0,023086116	0,093686332	-4,592
ENSG00000206728	AC104741.1	misc_RNA	0,43	1,35	2,47	2,28	0,023102048	0,093733054	-4,592
ENSG00000182263	FIGN	P coding	0,30	1,23	0,64	2,28	0,023107196	0,093733054	-4,593
ENSG00000255835	AL117348.2	P coding	0,10	1,07	0,59	2,28	0,023107549	0,093733054	-4,593
ENSG00000171202	TMEM126A	P coding	-0,17	-1,13	5,74	-2,28	0,023157862	0,093923704	-4,594
ENSG00000049245	VAMP3	P coding	0,16	1,12	5,48	2,28	0,023214126	0,094124964	-4,597
ENSG00000108821	COL1A1	P coding	-0,32	-1,25	1,99	-2,28	0,02322364	0,094145583	-4,597
ENSG00000113456	RAD1	P coding	-0,15	-1,11	4,45	-2,28	0,023225854	0,094145583	-4,597
ENSG00000055917	PUM2	P coding	0,17	1,12	5,27	2,28	0,023233866	0,094164593	-4,597
ENSG00000162572	SCNN1D	P coding	-0,24	-1,18	2,75	-2,27	0,023267704	0,094286168	-4,599
ENSG00000114631	PODXL2	P coding	0,63	1,55	2,38	2,27	0,023270515	0,094286168	-4,599
ENSG00000204177	BMS1P1	TUP	0,20	1,15	2,21	2,27	0,023292217	0,094360608	-4,599
ENSG00000103034	NDRG4	P coding	0,24	1,18	1,68	2,27	0,023299368	0,094376092	-4,600
ENSG00000249310	APOBEC3B-AS1	lncRNA	0,17	1,12	2,20	2,27	0,023316767	0,094433074	-4,600
ENSG00000112852	PCDH82	P coding	0,25	1,19	0,59	2,27	0,023338696	0,094504505	-4,601
ENSG00000207073	AC010619.1	misc_RNA	0,20	1,15	0,25	2,27	0,02334256	0,094504505	-4,601
ENSG00000272410	AC022384.1	P coding	-0,29	-1,22	1,93	-2,27	0,023344406	0,094504505	-4,601
ENSG00000263360	RN7SL134P	misc_RNA	0,12	1,09	0,59	2,27	0,023353789	0,094528989	-4,602
ENSG00000228300	FAM174C	P coding	-0,19	-1,14	6,67	-2,27	0,023363784	0,094555944	-4,602
ENSG00000101596	SMCHD1	P coding	0,25	1,19	5,94	2,27	0,023369281	0,094564687	-4,602
ENSG00000110042	DTX4	P coding	-0,25	-1,19	0,91	-2,27	0,02342442	0,094760753	-4,604
ENSG00000156273	BACH1	P coding	0,26	1,20	5,71	2,27	0,023442148	0,09479693	-4,605
ENSG00000242483	RN7SL293P	misc_RNA	0,13	1,09	0,56	2,27	0,023443395	0,09479693	-4,605
ENSG00000116459	ATP5PB	P coding	0,17	1,13	7,17	2,27	0,023466628	0,094877341	-4,606
ENSG00000243181	AC087343.1	PP	-0,10	-1,07	0,42	-2,27	0,023484298	0,094923469	-4,607
ENSG00000135052	GOLM1	P coding	0,33	1,26	3,17	2,27	0,023485812	0,094923469	-4,607
ENSG00000237292	LINC01732	lncRNA	0,18	1,14	1,48	2,27	0,023488083	0,094923469	-4,607
ENSG00000251188	AC079140.3	PP	0,16	1,12	0,39	2,27	0,023497091	0,094946334	-4,607
ENSG00000183248	PRR36	P coding	0,11	1,08	0,44	2,27	0,023503455	0,094958513	-4,607
ENSG00000164180	TMEM161B	P coding	-0,17	-1,12	4,55	-2,27	0,023530502	0,095054241	-4,608
ENSG00000189409	MMP23B	P coding	-0,27	-1,21	1,54	-2,27	0,023535747	0,095061881	-4,608
ENSG00000229195	AC009495.1	lncRNA	0,19	1,14	1,06	2,27	0,023544172	0,095082362	-4,609
ENSG00000254227	AC024681.2	lncRNA	0,29	1,22	1,46	2,27	0,023549246	0,095089308	-4,609
ENSG00000164741	DLC1	P coding	-0,42	-1,34	1,92	-2,27	0,023563807	0,09513455	-4,609
ENSG00000189283	FHIT	P coding	-0,21	-1,16	3,61	-2,27	0,023574248	0,095146696	-4,610
ENSG00000229927	RHEBP1	PP	0,21	1,16	0,61	2,27	0,023574756	0,095146696	-4,610

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000112182	BACH2	P coding	0,35	1,28	1,95	2,27	0,023576885	0,095146696	-4,610
ENSG00000136878	USP20	P coding	-0,16	-1,12	4,97	-2,27	0,023593749	0,095201196	-4,611
ENSG00000246334	PRR7-AS1	lncRNA	-0,34	-1,27	3,25	-2,27	0,023631368	0,09533599	-4,612
ENSG00000196787	H2AC11	P coding	0,30	1,23	2,99	2,27	0,023633881	0,09533599	-4,612
ENSG00000221963	APOL6	P coding	0,25	1,19	4,40	2,27	0,023639198	0,095343642	-4,612
ENSG00000168811	IL12A	P coding	-0,28	-1,22	3,89	-2,27	0,023642505	0,095343642	-4,612
ENSG00000170430	MGMT	P coding	0,26	1,20	3,50	2,27	0,023650854	0,095363743	-4,613
ENSG00000233967	AL359715.1	lncRNA	-0,23	-1,18	2,06	-2,27	0,023655607	0,095369341	-4,613
ENSG00000186918	ZNF395	P coding	0,29	1,23	4,77	2,27	0,023662197	0,095382343	-4,613
ENSG00000259515	AL117209.1	lncRNA	0,13	1,10	0,91	2,27	0,023691657	0,095487518	-4,614
ENSG00000132128	LRRC41	P coding	0,17	1,12	4,57	2,27	0,02370524	0,09552868	-4,615
ENSG00000184677	ZBTB40	P coding	-0,23	-1,17	4,06	-2,27	0,023713311	0,095547623	-4,615
ENSG00000258072	AC126177.6	PP	-0,33	-1,26	1,21	-2,27	0,023749706	0,095680666	-4,616
ENSG00000115339	GALNT3	P coding	0,38	1,30	4,12	2,27	0,023787767	0,095820383	-4,618
ENSG00000251374	AC010598.1	PP	0,40	1,32	1,64	2,27	0,023793475	0,095829043	-4,618
ENSG00000243267	RN7SL614P	misc_RNA	0,14	1,10	0,46	2,27	0,023799947	0,095829043	-4,618
ENSG00000083520	DIS3	P coding	-0,18	-1,13	3,79	-2,27	0,023800059	0,095829043	-4,618
ENSG00000172971	UNC93B3	unPP	0,15	1,11	0,22	2,27	0,023807279	0,095844501	-4,618
ENSG00000254467	AP002765.1	lncRNA	0,12	1,09	0,89	2,27	0,023819507	0,095863645	-4,619
ENSG00000263608	RN7SL353P	misc_RNA	0,24	1,18	1,82	2,27	0,023819767	0,095863645	-4,619
ENSG00000244264	RN7SL597P	misc_RNA	0,18	1,13	1,70	2,27	0,02382218	0,095863645	-4,619
ENSG00000249055	TBCAP3	TPP	0,17	1,12	0,77	2,27	0,023828954	0,095877294	-4,619
ENSG00000242578	AC073288.2	lncRNA	-0,10	-1,07	0,46	-2,26	0,023864171	0,096005362	-4,620
ENSG00000131171	SH3BGRL	P coding	0,19	1,14	6,18	2,26	0,023881068	0,096059709	-4,621
ENSG00000180660	MAB21L1	P coding	-0,29	-1,22	0,77	-2,26	0,023897264	0,096109442	-4,622
ENSG00000108509	CAMTA2	P coding	0,18	1,13	4,73	2,26	0,023900214	0,096109442	-4,622
ENSG00000241963	RN7SL655P	misc_RNA	0,20	1,15	1,52	2,26	0,023903686	0,096109773	-4,622
ENSG00000109971	HSPA8	P coding	-0,25	-1,19	10,31	-2,26	0,023910332	0,096122856	-4,622
ENSG00000229605	RPL21P93	PP	-0,13	-1,09	0,52	-2,26	0,023917155	0,096136654	-4,622
ENSG00000181656	GPR88	P coding	0,21	1,16	0,45	2,26	0,023937461	0,096195308	-4,623
ENSG00000137996	RTCA	P coding	0,15	1,11	5,02	2,26	0,023938535	0,096195308	-4,623
ENSG00000072501	SMC1A	P coding	0,26	1,20	4,10	2,26	0,023953133	0,096240325	-4,624
ENSG00000120915	EPHX2	P coding	-0,35	-1,28	4,52	-2,26	0,023960979	0,096248209	-4,624
ENSG00000184635	ZNF93	P coding	0,21	1,15	1,31	2,26	0,023961886	0,096248209	-4,624
ENSG00000228437	LINC02474	lncRNA	0,12	1,08	0,95	2,26	0,023966156	0,096251724	-4,624
ENSG00000083838	ZNF446	P coding	-0,15	-1,11	3,50	-2,26	0,023973483	0,096267509	-4,624
ENSG00000141867	BRD4	P coding	-0,17	-1,13	4,99	-2,26	0,023982322	0,096285283	-4,625
ENSG00000148290	SURF1	P coding	0,13	1,10	6,86	2,26	0,023984703	0,096285283	-4,625
ENSG00000140044	JDP2	P coding	0,28	1,22	4,00	2,26	0,024009397	0,096370767	-4,626
ENSG00000178028	DMAP1	P coding	0,16	1,12	5,13	2,26	0,024016135	0,096384166	-4,626
ENSG00000139133	ALG10	P coding	0,21	1,16	3,04	2,26	0,024052268	0,096515515	-4,627
ENSG00000142892	PIGK	P coding	0,24	1,18	5,41	2,26	0,024066751	0,096559961	-4,628
ENSG00000144644	GADL1	P coding	0,09	1,06	0,94	2,26	0,024073937	0,096575123	-4,628
ENSG00000153093	ACOXL	P coding	0,33	1,26	3,40	2,26	0,024130554	0,096774856	-4,630
ENSG00000105501	SIGLEC5	P coding	0,26	1,20	0,75	2,26	0,024144872	0,096818582	-4,631
ENSG00000054282	SDCCAG8	P coding	0,17	1,12	4,91	2,26	0,024153844	0,096833716	-4,631
ENSG00000121716	PILRB	P coding	-0,27	-1,20	6,56	-2,26	0,024155479	0,096833716	-4,631
ENSG00000188566	NDOR1	P coding	-0,17	-1,12	4,10	-2,26	0,024175098	0,096898659	-4,632

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000202441	RNY4P10	misc_RNA	0,29	1,22	5,61	2,26	0,02418855	0,09693887	-4,632
ENSG00000075336	TIMM21	P coding	0,21	1,16	4,49	2,26	0,024219277	0,097048293	-4,633
ENSG00000100592	DAAM1	P coding	0,29	1,23	2,97	2,26	0,024237093	0,097105955	-4,634
ENSG00000143498	TAF1A	P coding	0,24	1,18	2,88	2,26	0,024243536	0,097118041	-4,634
ENSG00000108846	ABCC3	P coding	0,19	1,14	1,27	2,26	0,024276097	0,097232745	-4,635
ENSG00000143318	CASQ1	P coding	0,15	1,11	0,50	2,26	0,02428241	0,097232745	-4,635
ENSG00000174839	DENND6A	P coding	-0,16	-1,11	3,51	-2,26	0,024282943	0,097232745	-4,635
ENSG00000081177	EXD2	P coding	0,22	1,17	3,85	2,26	0,024287452	0,097232745	-4,636
ENSG00000238365	RNU7-57P	snRNA	0,47	1,38	3,92	2,26	0,02428932	0,097232745	-4,636
ENSG00000266976	AC079466.1	lncRNA	0,23	1,17	1,19	2,26	0,024296146	0,097246337	-4,636
ENSG00000214736	TOMM6	P coding	0,14	1,10	7,89	2,26	0,024306756	0,097275069	-4,636
ENSG00000259254	AC022405.1	lncRNA	0,12	1,08	0,66	2,26	0,02431099	0,097278276	-4,636
ENSG00000138829	FBN2	P coding	0,14	1,10	0,24	2,26	0,024327372	0,097311931	-4,637
ENSG00000073605	GSDMB	P coding	0,28	1,22	4,54	2,26	0,024329699	0,097311931	-4,637
ENSG00000186591	UBE2H	P coding	0,19	1,14	6,15	2,26	0,024338273	0,097332489	-4,637
ENSG00000263609	LINC02002	lncRNA	-0,18	-1,14	0,83	-2,26	0,024345398	0,097342914	-4,638
ENSG00000119912	IDE	P coding	0,18	1,14	4,89	2,26	0,024347748	0,097342914	-4,638
ENSG00000233828	LINC01949	lncRNA	0,17	1,12	2,27	2,26	0,024351247	0,097343172	-4,638
ENSG00000250026	TMPRSS11BNL	TUP	0,09	1,07	0,55	2,26	0,024359122	0,097360924	-4,638
ENSG00000271826	PLS3-AS1	lncRNA	0,12	1,08	0,78	2,26	0,024384551	0,097448514	-4,639
ENSG00000205309	NT5M	P coding	-0,26	-1,20	1,99	-2,26	0,024387912	0,097448514	-4,639
ENSG00000146530	VWDE	P coding	0,42	1,34	1,40	2,26	0,0244161	0,097547397	-4,640
ENSG00000226394	AC093423.1	PP	0,23	1,17	0,43	2,26	0,024429897	0,097571638	-4,641
ENSG00000119185	ITGB1BP1	P coding	0,18	1,13	5,27	2,26	0,024432862	0,097571638	-4,641
ENSG00000069020	MAST4	P coding	0,28	1,22	1,89	2,26	0,024434055	0,097571638	-4,641
ENSG00000129696	TTI2	P coding	0,19	1,14	2,70	2,26	0,024443182	0,097586822	-4,641
ENSG00000197140	ADAM32	P coding	0,16	1,12	2,56	2,26	0,024449208	0,097597136	-4,641
ENSG00000273035	AC007684.2	lncRNA	0,20	1,15	1,07	2,26	0,024458606	0,097620902	-4,642
ENSG00000010278	CD9	P coding	-0,85	-1,80	5,10	-2,25	0,02447627	0,097670825	-4,642
ENSG00000272156	AC008280.2	lncRNA	0,14	1,11	0,74	2,25	0,024484571	0,097670825	-4,643
ENSG00000259238	AC092755.2	lncRNA	0,25	1,19	2,85	2,25	0,024486113	0,097670825	-4,643
ENSG00000250057	AC114781.2	lncRNA	0,12	1,08	0,41	2,25	0,024486965	0,097670825	-4,643
ENSG00000172594	SMPDL3A	P coding	0,39	1,31	1,54	2,25	0,024488342	0,097670825	-4,643
ENSG00000267568	AC016168.2	lncRNA	0,22	1,16	0,26	2,25	0,024497711	0,097694443	-4,643
ENSG00000169116	PARM1	P coding	0,43	1,35	5,13	2,25	0,024511064	0,097726063	-4,644
ENSG00000206177	HBM	P coding	0,49	1,41	1,33	2,25	0,024514931	0,097726063	-4,644
ENSG00000271109	AC008555.4	lncRNA	0,40	1,32	1,50	2,25	0,024537169	0,097796766	-4,644
ENSG00000273123	AC020634.2	lncRNA	-0,15	-1,11	0,45	-2,25	0,024544417	0,097811901	-4,645
ENSG00000116833	NR5A2	P coding	0,16	1,12	0,83	2,25	0,024548643	0,097814989	-4,645
ENSG00000197056	ZMYM1	P coding	0,20	1,15	1,78	2,25	0,024558764	0,097832334	-4,645
ENSG00000257390	AC023055.1	P coding	0,23	1,17	1,23	2,25	0,024559899	0,097832334	-4,645
ENSG00000068001	HYAL2	P coding	-0,26	-1,20	3,20	-2,25	0,024581226	0,09790353	-4,646
ENSG00000065457	ADAT1	P coding	0,23	1,17	5,02	2,25	0,024600088	0,097964891	-4,647
ENSG00000231714	AL513348.1	lncRNA	0,12	1,09	0,50	2,25	0,024608469	0,097982738	-4,647
ENSG00000260500	AC010336.2	lncRNA	0,21	1,16	0,98	2,25	0,024613928	0,097982738	-4,647
ENSG00000110218	PANX1	P coding	-0,18	-1,14	3,30	-2,25	0,02461494	0,097982738	-4,647
ENSG00000203907	OQEP	P coding	-0,19	-1,14	0,51	-2,25	0,024638562	0,098063001	-4,648
ENSG00000099814	CEP170B	P coding	0,36	1,29	2,78	2,25	0,024655193	0,098115413	-4,649

	Gene name *	Gene type	logFC	FC	Ave Expr	t	P.Value	adj.P.Val	B
ENSG00000152990	ADGRA3	P coding	0,38	1,30	2,59	2,25	0,024669635	0,098153547	-4,649
ENSG00000110651	CD81	P coding	0,59	1,50	3,35	2,25	0,024671701	0,098153547	-4,649
ENSG00000267225	WDR7-OT1	lncRNA	0,12	1,09	0,35	2,25	0,024702117	0,098260766	-4,650
ENSG00000080824	HSP90AA1	P coding	0,22	1,17	7,68	2,25	0,024750064	0,098437677	-4,652
ENSG00000252427	AC115088.1	snoRNA	-0,35	-1,27	0,91	-2,25	0,024791455	0,098588465	-4,653
ENSG00000272129	AL359715.3	lncRNA	0,13	1,09	0,82	2,25	0,024841162	0,098772278	-4,655
ENSG00000251293	AC008574.1	lncRNA	0,14	1,10	1,06	2,25	0,024848814	0,098784698	-4,655
ENSG00000258035	AC123567.2	lncRNA	0,18	1,13	0,86	2,25	0,024851255	0,098784698	-4,655
ENSG00000074201	CLNS1A	P coding	-0,19	-1,14	6,54	-2,25	0,024867024	0,098833519	-4,656
ENSG00000251379	AC099550.1	lncRNA	0,20	1,15	3,54	2,25	0,02487213	0,098838858	-4,656
ENSG00000168612	ZSWIM1	P coding	0,16	1,12	2,16	2,25	0,024878626	0,098838858	-4,656
ENSG00000108091	CCDC6	P coding	0,35	1,28	4,46	2,25	0,024878828	0,098838858	-4,656
ENSG00000265118	AC134669.1	P coding	0,25	1,19	1,91	2,25	0,024885921	0,098839332	-4,657
ENSG00000256101	AC092745.1	lncRNA	0,26	1,19	1,45	2,25	0,024897185	0,098859596	-4,657
ENSG00000133243	BTBD2	P coding	-0,17	-1,12	5,33	-2,25	0,024897998	0,098859596	-4,657
ENSG00000255036	STRA6LP	lncRNA	-0,17	-1,13	1,17	-2,25	0,024907557	0,098875183	-4,657
ENSG00000224238	WARS2-IT1	lncRNA	0,15	1,11	2,77	2,25	0,0249089	0,098875183	-4,657
ENSG00000264862	RN7SL45P	misc_RNA	0,32	1,25	1,82	2,25	0,024921415	0,098911011	-4,658
ENSG00000228274	AL021707.2	lncRNA	0,16	1,12	2,46	2,25	0,024971808	0,099087344	-4,660
ENSG00000062194	GPBP1	P coding	-0,15	-1,11	6,71	-2,25	0,024972835	0,099087344	-4,660
ENSG00000108100	CCNY	P coding	0,14	1,10	4,93	2,25	0,025006871	0,099208505	-4,661
ENSG00000099800	TIMM13	P coding	-0,21	-1,16	5,48	-2,25	0,025010754	0,099210023	-4,661
ENSG00000273069	AC211433.2	lncRNA	-0,14	-1,10	2,18	-2,25	0,025030298	0,099273658	-4,662
ENSG00000118308	LRMP	P coding	0,42	1,34	6,47	2,25	0,02504721	0,099326833	-4,662
ENSG00000124243	BCAS4	P coding	-0,35	-1,28	3,09	-2,25	0,025074441	0,099400667	-4,663
ENSG00000132016	C19orf57	P coding	0,28	1,22	1,65	2,25	0,025074676	0,099400667	-4,663
ENSG00000180251	SLC9A4	P coding	0,07	1,05	0,67	2,25	0,025076348	0,099400667	-4,663
ENSG00000200637	RNU5F-3P	snRNA	0,13	1,09	0,10	2,25	0,025096239	0,099453625	-4,664
ENSG00000054267	ARID4B	P coding	0,20	1,15	4,44	2,25	0,025097874	0,099453625	-4,664
ENSG00000133069	TMCC2	P coding	0,37	1,29	1,77	2,25	0,025100234	0,099453625	-4,664
ENSG00000111335	OAS2	P coding	0,31	1,24	5,60	2,24	0,025114189	0,099495012	-4,665
ENSG00000199601	RNU6-562P	snRNA	0,16	1,12	0,14	2,24	0,025149507	0,099621007	-4,666
ENSG00000259649	AC027808.2	lncRNA	0,13	1,10	0,79	2,24	0,025157818	0,099640006	-4,666
ENSG00000250990	AC098851.1	lncRNA	-0,13	-1,10	0,60	-2,24	0,025167303	0,099663647	-4,666
ENSG00000165195	PIGA	P coding	0,35	1,27	4,46	2,24	0,025171773	0,099667421	-4,666
ENSG00000141232	TOB1	P coding	0,31	1,24	4,91	2,24	0,025183358	0,099699367	-4,667
ENSG00000266173	STRADA	P coding	0,15	1,11	4,83	2,24	0,025190966	0,099715558	-4,667
ENSG00000228696	ARL17B	P coding	0,18	1,13	3,08	2,24	0,025199026	0,099719697	-4,667
ENSG00000198130	HIBCH	P coding	0,20	1,15	5,03	2,24	0,025199047	0,099719697	-4,667
ENSG00000156298	TSPAN7	P coding	0,73	1,66	3,25	2,24	0,025250326	0,099907689	-4,669
ENSG00000056558	TRAF1	P coding	0,24	1,18	2,92	2,24	0,025253602	0,099907689	-4,669
ENSG00000165702	GFI1B	P coding	0,15	1,11	0,31	2,24	0,025279123	0,099994699	-4,670
ENSG00000265287	AC005726.4	lncRNA	0,18	1,13	1,12	2,24	0,02528335	0,099997465	-4,670

* P coding= protein coding; TUP=transcribed unprocessed pseudogene; PP=processed pseudogene; TUnP=transcribed unitary pseudogene; TPP=transcribed_processed_pseudogene

Supplementary Table 7. Ensembl Biomart annotations of 295 common DE transcripts (limma analysis FDR 10%) showing an increasing trend in FC values across del(13q), DIS3 mutation alone and bi-allelic alteration groups in comparison to WT MM samples. Transcripts are ordered according to FC values.

ID	Gene name	Gene description	Gene type	del(13q) vs WT FC	DIS3mts >20% vs WT FC	Bi-allelic lesion vs WT FC
ENSG00000247400	DNAJC3-DT	DNAJC3 divergent transcript [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:39808]	lncRNA	0,779	1,663	1,935
ENSG00000258458	AL160314.2	novel transcript, antisense to OXA1L	lncRNA	0,890	1,916	2,281
ENSG00000249637	AC008438.1	novel transcript	lncRNA	0,892	1,569	1,651
ENSG00000237950	AL357079.1	novel transcript	lncRNA	0,893	1,840	2,117
ENSG00000259943	AL050341.2	novel transcript, antisense to ZMPSTE24	lncRNA	0,907	1,810	2,091
ENSG00000255559	ZNF252P-AS1	ZNF252P antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:27821]	lncRNA	1,042	1,295	1,456
ENSG00000270638	AL023806.1	novel transcript	lncRNA	1,047	1,337	1,716
ENSG00000259793	AC013726.1	novel transcript, antisense to DGKD	lncRNA	1,047	1,299	1,656
ENSG00000206974	RNU6-1144P	RNA, U6 small nuclear 1144, pseudogene [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:48107]	snRNA	1,049	1,351	1,517
ENSG00000271966	AC021321.1	novel transcript	lncRNA	1,050	1,279	1,429
ENSG00000215347	SLC25A5P1	solute carrier family 25 member 5 pseudogene 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:19250]	transcribed_processed_pseudogene	1,050	1,622	2,075
ENSG00000257243	AC020612.1	Protein DJ-1 (PARK7) pseudogene	processed_pseudogene	1,051	1,286	1,337
ENSG00000231443	AC124944.1	protein phosphatase 4, regulatory subunit 2 (PPP4R2) pseudogene	processed_pseudogene	1,052	1,415	1,491
ENSG00000260796	AC145285.3	novel transcript, antisense to ATXN2L	lncRNA	1,052	1,271	1,352
ENSG00000257557	PPP1R12A-AS1	PPP1R12A antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:51903]	lncRNA	1,052	1,355	1,384
ENSG00000214770	AL161756.1	novel transcript	lncRNA	1,054	1,332	1,665
ENSG00000213888	LINC01521	long intergenic non-protein coding RNA 1521 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:26029]	lncRNA	1,055	1,349	1,529
ENSG00000270557	AC013731.1	novel transcript	lncRNA	1,055	1,413	1,481
ENSG00000270996	AC005034.4	novel transcript	lncRNA	1,056	1,240	1,361
ENSG00000233122	CTAGE7P	CTAGE family member 7, pseudogene [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:25111]	processed_pseudogene	1,056	1,473	1,871
ENSG00000263884	AP000845.1	novel transcript	lncRNA	1,056	1,245	1,457
ENSG00000237766	GGTA2P	glycoprotein alpha-galactosyltransferase 2, pseudogene [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:4254]	processed_pseudogene	1,057	1,243	1,514
ENSG00000219435	CATSPERZ	catsper channel auxiliary subunit zeta [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:19231]	protein_coding	1,058	1,521	1,876
ENSG00000260285	AL133367.1	novel transcript, antisense to TRMT61A	lncRNA	1,058	1,775	1,949
ENSG00000260589	STAM-AS1	STAM antisense RNA 1 (head to head) [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:49568]	lncRNA	1,058	1,797	2,742
ENSG00000272663	AC093635.1	novel transcript	lncRNA	1,058	1,797	2,742
ENSG00000156110	ADK	adenosine kinase [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:257]	protein_coding	1,059	1,348	1,373
ENSG00000227933	AL357874.1	novel transcript	lncRNA	1,060	1,240	1,433
ENSG00000272247	AC080013.5	novel transcript, antisense to MFSD1	lncRNA	1,060	1,251	1,586
ENSG00000271788	AC008875.1	novel transcript	lncRNA	1,061	1,311	1,550
ENSG00000267213	AC007773.1	novel transcript, antisense to DPY19L3	lncRNA	1,062	1,445	1,668
ENSG00000270021	AC026691.1	novel transcript, antisense to H2AFY	lncRNA	1,062	1,344	1,704
ENSG00000258435	AC048337.1	novel transcript	lncRNA	1,062	1,338	1,688
ENSG00000260806	AL163051.1	novel transcript, antisense to PAPOLA	lncRNA	1,062	1,698	1,822
ENSG00000225945	AL121574.1	novel transcript	lncRNA	1,063	1,688	2,029
ENSG00000184786	TCTE3	t-complex-associated-testis-expressed 3 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:11695]	protein_coding	1,064	1,651	1,818
ENSG00000240790	AC073934.1	novel transcript, antisense to SND1	lncRNA	1,064	1,460	1,959

ID	Gene name	Gene description	Gene type	del(13q) vs WT FC	DIS3mts >20% vs WT FC	Bi-allelic lesion vs WT FC
ENSG00000273064	AC017083.1	novel transcript	lncRNA	1,064	1,642	2,191
ENSG00000272447	AL135925.1	novel transcript	lncRNA	1,066	1,318	1,554
ENSG00000270115	AL513327.2	novel transcript	lncRNA	1,068	1,321	1,550
ENSG00000236519	LINC01424	long intergenic non-protein coding RNA 1424 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:40558]	lncRNA	1,068	1,472	1,772
ENSG00000269514	AC024257.3	novel transcript, antisense to OR10AD1	lncRNA	1,069	1,365	1,655
ENSG00000270362	HMG3-AS1	HMG3 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:48984]	lncRNA	1,070	1,215	1,364
ENSG00000273363	AL353801.3	novel transcript	lncRNA	1,070	1,435	2,337
ENSG00000224977	LINC02776	long intergenic non-protein coding RNA 2776 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:54295]	lncRNA	1,070	1,564	1,656
ENSG00000260475	AL353719.1	novel transcript	lncRNA	1,072	1,609	2,558
ENSG00000263412	NFE2L1-DT	NFE2L1 divergent transcript [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:54812]	lncRNA	1,072	2,092	2,218
ENSG00000259826	AC072061.1	novel transcript, antisense to CDC2L5	lncRNA	1,073	1,612	1,837
ENSG00000235078	AC231981.1	novel transcript, antisense to ADI1	lncRNA	1,073	1,506	1,711
ENSG00000237424	FOXD2-AS1	FOXD2 adjacent opposite strand RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:44256]	lncRNA	1,074	1,401	1,527
ENSG00000261079	AC009053.2	novel transcript	lncRNA	1,075	1,284	1,790
ENSG00000237036	ZEB1-AS1	ZEB1 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:42354]	lncRNA	1,076	1,440	1,554
ENSG00000273063	AC007250.1	novel transcript	lncRNA	1,076	1,412	1,727
ENSG00000260339	HEXA-AS1	HEXA antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:25810]	lncRNA	1,076	1,330	1,630
ENSG00000271991	AC013400.1	novel transcript	lncRNA	1,077	1,645	2,595
ENSG00000235760	MSH2-OT1	MSH2 overlapping transcript 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:40319]	lncRNA	1,078	1,579	2,136
ENSG00000273374	AC069222.1	novel transcript	lncRNA	1,078	1,336	1,519
ENSG00000261187	AC079322.1	novel transcript	lncRNA	1,078	1,416	1,416
ENSG00000259172	AC023024.1	novel transcript, antisense to SNRPA1 and PCSK6	lncRNA	1,079	1,272	1,682
ENSG00000272662	AC073352.1	novel transcript	lncRNA	1,079	1,938	2,138
ENSG00000270332	SMC2-AS1	SMC2 antisense RNA 1 (head to head) [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:50827]	lncRNA	1,080	1,819	2,130
ENSG00000272735	AC007881.3	novel transcript	lncRNA	1,080	2,179	3,435
ENSG00000205791	LOH12CR2	loss of heterozygosity on chromosome 12, region 2 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:26524]	lncRNA	1,080	1,348	2,039
ENSG00000272097	AL024498.1	novel transcript	lncRNA	1,081	1,708	1,822
ENSG00000247317	LY6E-DT	LY6E divergent transcript [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:53728]	lncRNA	1,082	1,538	1,829
ENSG00000135423	GLS2	glutaminase 2 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:29570]	protein_coding	1,083	1,576	1,680
ENSG00000265100	AC005332.1	novel transcript, antisense to AMZ2	lncRNA	1,084	1,726	2,717
ENSG00000235488	JARID2-AS1	JARID2 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:40314]	lncRNA	1,084	2,096	2,152
ENSG00000239705	AL354710.2	novel transcript	lncRNA	1,084	1,452	2,262
ENSG00000158014	SLC30A2	solute carrier family 30 member 2 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:11013]	protein_coding	1,086	1,149	1,185
ENSG00000273456	AC064836.2	novel transcript	lncRNA	1,086	1,461	1,614
ENSG00000235092	ID2-AS1	ID2 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:51103]	lncRNA	1,086	1,302	1,417
ENSG00000120055	C10orf95	chromosome 10 open reading frame 95 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:25880]	protein_coding	1,088	1,610	1,886
ENSG00000261251	Z97055.2	novel transcript, antisense to EFCAB6	lncRNA	1,089	1,442	1,650
ENSG00000272892	AL133551.1	novel transcript	lncRNA	1,089	1,601	1,946
ENSG00000258940	AL132639.2	novel transcript, antisense to CTAGE5	lncRNA	1,090	1,956	2,560

ID	Gene name	Gene description	Gene type	del(13q) vs WT FC	DIS3mts >20% vs WT FC	Bi-allelic lesion vs WT FC
ENSG00000234707	SEC61G-DT	SEC61G divergent transcript [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:40835]	lncRNA	1,090	1,291	1,534
ENSG00000267275	AC020911.2	novel transcript, antisense KLF2	lncRNA	1,091	1,589	2,669
ENSG00000255135	AP002360.1	novel transcript	lncRNA	1,091	2,061	2,189
ENSG00000232973	CYP1B1-AS1	CYP1B1 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:28543]	lncRNA	1,091	1,338	1,400
ENSG00000239468	RN7SL569P	RNA, 7SL, cytoplasmic 569, pseudogene [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:46585]	misc_RNA	1,091	1,264	2,012
ENSG00000229178	AC233280.1	novel transcript	lncRNA	1,092	1,304	1,571
ENSG00000273209	AC069148.1	novel transcript	lncRNA	1,092	1,517	2,944
ENSG00000260236	AC099778.1	novel transcript, antisense to PTPN23	lncRNA	1,093	1,804	2,960
ENSG00000260493	AC011773.4	novel transcript, antisense to E2F5	lncRNA	1,093	1,406	1,650
ENSG00000273004	AL078644.1	novel transcript	lncRNA	1,093	1,362	1,592
ENSG00000272444	AL118558.4	novel transcript	lncRNA	1,093	1,407	1,801
ENSG00000227627	AL080276.2	novel transcript	lncRNA	1,095	1,599	1,980
ENSG00000232070	TMEM253	transmembrane protein 253 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:32545]	protein_coding	1,095	1,603	2,002
ENSG00000231871	IPO9-AS1	IPO9 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:40892]	lncRNA	1,096	1,304	1,551
ENSG00000272986	AC009570.1	novel transcript, antisense to RUFY3	lncRNA	1,096	1,650	2,054
ENSG00000246067	RAB30-DT	RAB30 divergent transcript [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:48672]	lncRNA	1,096	1,642	1,985
ENSG00000271555	AC113139.1	novel transcript, sense intronic KANK1	lncRNA	1,096	1,705	1,986
ENSG00000272817	AL359198.1	novel transcript, antisense to FGFBP3	lncRNA	1,097	1,303	1,803
ENSG00000273210	AP001437.1	novel transcript, antisense to DYRK1A	lncRNA	1,097	2,433	3,495
ENSG00000269961	AC010359.2	novel transcript	lncRNA	1,099	1,810	3,824
ENSG00000255568	BRWD1-AS2	BRWD1 antisense RNA 2 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:16423]	lncRNA	1,099	1,259	1,810
ENSG00000270964	AC016355.1	novel transcript	lncRNA	1,100	1,656	2,389
ENSG00000271855	AC073195.1	novel transcript	lncRNA	1,100	1,989	2,179
ENSG00000271937	AC104187.1	novel transcript, antisense to TCAIM	lncRNA	1,100	1,401	1,629
ENSG00000259891	AC107375.1	novel transcript, antisense to CHRAC1	lncRNA	1,101	1,571	2,112
ENSG00000271888	AL136162.1	novel transcript	lncRNA	1,101	1,523	1,892
ENSG00000250938	AC073475.1	novel transcript, antisense to MAD2L1	lncRNA	1,103	1,325	1,537
ENSG00000248367	AC008610.1	novel transcript	lncRNA	1,103	1,741	1,895
ENSG00000263843	AC022211.2	novel transcript, antisense to SLC25A19	lncRNA	1,103	1,347	1,667
ENSG00000272969	AC024243.1	novel transcript, antisense to clock	lncRNA	1,103	1,293	1,476
ENSG00000215912	TTC34	tetratricopeptide repeat domain 34 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:34297]	protein_coding	1,104	1,579	1,727
ENSG00000179743	FLJ37453	uncharacterized LOC729614 [Source:NCBI gene (formerly Entrezgene);Acc:729614]	lncRNA	1,104	1,774	2,174
ENSG00000261186	LINC01238	long intergenic non-protein coding RNA 1238 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:49795]	lncRNA	1,105	2,575	5,041
ENSG00000273015	AC008124.1	novel transcript	lncRNA	1,106	1,650	2,154
ENSG00000178878	APOLD1	apolipoprotein L domain containing 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:25268]	protein_coding	1,106	1,831	1,967
ENSG00000265692	LINC01970	long intergenic non-protein coding RNA 1970 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:52796]	lncRNA	1,107	1,540	1,554
ENSG00000234230	ZFX-AS1	ZFX antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:40617]	lncRNA	1,107	1,554	2,567
ENSG00000227896	AL731569.1	novel transcript	lncRNA	1,107	1,413	1,733
ENSG00000223305	RN7SKP30	RN7SK pseudogene 30 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:45754]	misc_RNA	1,108	1,617	1,900
ENSG00000270482	AC026367.1	novel transcript	lncRNA	1,108	1,443	1,672
ENSG00000224358	TMCO1-AS1	TMCO1 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:54046]	lncRNA	1,109	1,389	1,988

ID	Gene name	Gene description	Gene type	del(13q) vs WT FC	DIS3mts >20% vs WT FC	Bi-allelic lesion vs WT FC
ENSG00000273329	AC078846.1	novel transcript	lncRNA	1,110	1,498	1,931
ENSG00000226849	AL109811.1	novel transcript	lncRNA	1,111	1,499	1,860
ENSG00000224157	HCG14	HLA complex group 14 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:18323]	lncRNA	1,111	1,280	1,325
ENSG00000260942	CAPN10-DT	CAPN10 divergent transcript [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:48839]	lncRNA	1,112	2,159	2,391
ENSG00000243819	RN7SL832P	RNA, 7SL, cytoplasmic 832, pseudogene [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:46848]	lncRNA	1,112	1,390	1,879
ENSG00000228417	AL360182.2	novel transcript	lncRNA	1,113	1,450	1,900
ENSG00000221949	LINC01465	long intergenic non-protein coding RNA 1465 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:26364]	lncRNA	1,114	1,473	1,893
ENSG00000272812	AC004908.2	novel transcript, sense intronic to ZNF596	lncRNA	1,114	2,043	2,411
ENSG00000247950	SEC24B-AS1	SEC24B antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:44003]	lncRNA	1,115	1,349	1,425
ENSG00000236153	AC104076.1	novel transcript	lncRNA	1,116	1,341	2,028
ENSG00000172425	TTC36	tetratricopeptide repeat domain 36 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:33708]	protein_coding	1,118	1,316	1,683
ENSG00000264207	AC239868.1	novel transcript, antisense HIST2H4A	lncRNA	1,118	1,800	2,792
ENSG00000267064	UXT-AS1	UXT antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:49239]	lncRNA	1,119	1,353	1,935
ENSG00000271427	AL358072.1	novel transcript	lncRNA	1,119	3,247	3,720
ENSG00000225793	TMEM30A-DT	TMEM30A divergent transcript [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:48985]	lncRNA	1,120	1,381	1,726
ENSG00000272768	AC004854.2	novel transcript, antisense to PURB	lncRNA	1,120	1,381	2,131
ENSG00000215014	AL645728.1	novel transcript	lncRNA	1,120	1,378	1,585
ENSG00000271737	AC008608.2	novel transcript	lncRNA	1,121	1,526	1,891
ENSG00000273080	AC009309.2	novel transcript, antisense to IMMT	lncRNA	1,121	1,505	2,082
ENSG00000257496	AC025031.1	novel transcript	lncRNA	1,121	1,643	2,711
ENSG00000176401	EID2B	EP300 interacting inhibitor of differentiation 2B [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:26796]	protein_coding	1,121	1,622	1,815
ENSG00000227527	AC096540.1	novel transcript	lncRNA	1,123	1,341	1,867
ENSG00000262049	AC139530.1	novel transcript, antisense to HGS	lncRNA	1,124	1,665	1,709
ENSG00000272525	AC099522.2	novel transcript	lncRNA	1,124	1,610	2,280
ENSG00000244952	AC123768.1	novel transcript	lncRNA	1,124	1,395	1,679
ENSG00000257809	AC034102.5	novel transcript, antisense to MYL6B	lncRNA	1,125	1,356	2,391
ENSG00000272764	AL596094.1	novel transcript	lncRNA	1,126	2,019	3,204
ENSG00000149609	C20orf144	chromosome 20 open reading frame 144 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:16137]	protein_coding	1,127	1,286	1,435
ENSG00000261840	AC093249.6	uncharacterized LOC730183 [Source:NCBI gene (formerly Entrezgene);Acc:730183]	lncRNA	1,128	1,764	2,032
ENSG00000265683	SYPL1P2	synaptophysin like 1 pseudogene 2 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:53547]	processed_pseudo gene	1,131	1,812	3,346
ENSG00000214273	AGGF1P1	angiogenic factor with G-patch and FHA domains 1 pseudogene 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:38051]	processed_pseudo gene	1,131	1,732	3,817
ENSG00000262810	AC090617.4	novel transcript, antisense to SMG6	lncRNA	1,133	1,400	1,541
ENSG00000213543	RARRES2P2	retinoic acid receptor responder 2 pseudogene 2 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:48701]	processed_pseudo gene	1,133	1,868	4,120
ENSG00000251417	AC145285.2	novel transcript	lncRNA	1,133	1,427	1,769
ENSG00000260260	SNHG19	small nucleolar RNA host gene 19 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:49574]	lncRNA	1,135	3,093	3,552
ENSG00000255867	DENND5B-AS1	DENND5B antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:42517]	lncRNA	1,136	2,029	2,465
ENSG00000239377	AC073111.1	novel transcript	lncRNA	1,136	1,543	1,984
ENSG00000174721	FGFBP3	fibroblast growth factor binding protein 3 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:23428]	protein_coding	1,137	1,825	2,313

ID	Gene name	Gene description	Gene type	del(13q) vs WT FC	DIS3mts >20% vs WT FC	Bi-allelic lesion vs WT FC
ENSG00000273139	AC007663.3	novel transcript	lncRNA	1,137	1,727	3,618
ENSG00000273008	AC010864.1	novel transcript	lncRNA	1,140	1,851	2,020
ENSG00000224152	AC009506.1	novel transcript, antisense to BAZ2B	lncRNA	1,140	1,587	1,617
ENSG00000180425	C11orf71	chromosome 11 open reading frame 71 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:25937]	protein_coding	1,140	1,778	2,330
ENSG00000250220	AC053527.2	novel transcript	lncRNA	1,140	1,423	1,856
ENSG00000259642	ST20-AS1	ST20 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:27521]	lncRNA	1,142	1,544	1,669
ENSG00000272686	WASL-DT	WASL divergent transcript [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:54820]	lncRNA	1,142	1,501	1,843
ENSG00000250326	AC104596.1	novel transcript	lncRNA	1,142	1,816	2,171
ENSG00000162415	ZSWIM5	zinc finger SWIM-type containing 5 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:29299]	protein_coding	1,142	1,434	2,021
ENSG00000135365	PHF21A	PHD finger protein 21A [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:24156]	protein_coding	1,143	1,434	1,499
ENSG00000221944	TIGD1	tigger transposable element derived 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:14523]	protein_coding	1,143	1,477	1,835
ENSG00000126005	MMP24OS	MMP24 opposite strand [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:44421]	protein_coding	1,143	1,354	1,440
ENSG00000254662	AP000781.1	novel transcript	lncRNA	1,144	1,425	1,507
ENSG00000273002	AL355388.1	uncharacterized LOC107985209 [Source:NCBI gene (formerly Entrezgene);Acc:107985209]	lncRNA	1,144	1,550	2,270
ENSG00000176422	SPRYD4	SPRY domain containing 4 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:27468]	protein_coding	1,145	1,525	1,851
ENSG00000158887	MPZ	myelin protein zero [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:7225]	protein_coding	1,145	2,350	2,905
ENSG00000273391	AC083880.1	novel transcript, antisense to LUC7L2	lncRNA	1,146	1,935	2,508
ENSG00000233435	AGGF1P2	angiogenic factor with G-patch and FHA domains 1 pseudogene 2 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:38052]	processed_pseudo gene	1,146	1,810	4,451
ENSG00000188542	DUSP28	dual specificity phosphatase 28 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:33237]	protein_coding	1,146	1,395	1,441
ENSG00000261071	AL441883.1	novel transcript, antisense to NOL7	lncRNA	1,147	1,701	2,169
ENSG00000273010	AL360270.3	novel transcript, antisense to LRIF1	lncRNA	1,147	1,260	1,482
ENSG00000234006	DDX39B-AS1	DDX39B antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:39771]	lncRNA	1,148	1,289	1,529
ENSG00000237605	DYRK3-AS1	DYRK3 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:40199]	lncRNA	1,148	1,531	3,335
ENSG00000231050	AL109917.1	novel transcript	lncRNA	1,150	1,700	2,176
ENSG00000272145	NFYC-AS1	NFYC antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:49451]	lncRNA	1,150	2,103	2,294
ENSG00000271869	AC026979.2	novel transcript	lncRNA	1,151	2,109	2,659
ENSG00000254614	AP003068.2	novel transcript, antisense to CAPN1	lncRNA	1,151	2,393	2,496
ENSG00000204569	PPP1R10	protein phosphatase 1 regulatory subunit 10 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:9284]	protein_coding	1,151	1,566	2,378
ENSG00000272195	AL356512.1	novel transcript, antisense to EFCAB2	lncRNA	1,152	2,339	2,909
ENSG00000221639	AC053527.1		snoRNA	1,152	2,862	4,175
ENSG00000267321	SNHG30	small nucleolar RNA host gene 30 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:52836]	lncRNA	1,152	1,417	1,690
ENSG00000272501	AL662844.4	novel transcript, antisense to HCG27	lncRNA	1,153	1,476	1,727
ENSG00000259775	AL138976.2	novel transcript, antisense to EIF5	lncRNA	1,153	1,582	2,601
ENSG00000272716	AL121658.1	novel transcript	lncRNA	1,153	1,770	2,472
ENSG00000229539	PANK2-AS1	PANK2 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:40732]	lncRNA	1,154	1,613	2,093
ENSG00000236204	LINC01376	long intergenic non-protein coding RNA 1376 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:50637]	lncRNA	1,155	1,501	1,532
ENSG00000273175	BX323046.1	novel transcript	lncRNA	1,155	1,684	1,944
ENSG00000228150	AL357140.2	novel transcript	lncRNA	1,157	1,303	1,346

ID	Gene name	Gene description	Gene type	del(13q) vs WT FC	DIS3mts >20% vs WT FC	Bi-allelic lesion vs WT FC
ENSG00000266053	NDUFV2-AS1	NDUFV2 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:50826]	lncRNA	1,158	1,534	1,544
ENSG00000236206	AL356441.1	novel transcript	lncRNA	1,158	1,587	3,510
ENSG00000267898	AC026803.2	novel transcript	lncRNA	1,159	1,470	2,533
ENSG00000234072	AC074117.1	novel transcript, antisense to GTF3C2 and EIF2B4	lncRNA	1,160	1,568	2,077
ENSG00000272795	AC126283.1	novel transcript	lncRNA	1,161	1,535	1,970
ENSG00000270361	AL451085.1	novel transcript	lncRNA	1,161	1,397	2,421
ENSG00000245330	AP005717.1	novel transcript	lncRNA	1,161	1,480	1,773
ENSG00000233654	AC108047.1	novel transcript	lncRNA	1,162	1,752	1,949
ENSG00000258099	ATXN2-AS	ATXN2 antisense RNA [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:51838]	lncRNA	1,163	1,443	1,640
ENSG00000204406	MBD5	methyl-CpG binding domain protein 5 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:20444]	protein_coding	1,164	1,322	1,626
ENSG00000131558	EXOC4	exocyst complex component 4 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:30389]	protein_coding	1,166	1,287	1,454
ENSG00000273026	AL358472.3	novel transcript, antisense to SLC39A1	lncRNA	1,166	1,484	2,417
ENSG00000272606	AC015982.2	novel transcript	lncRNA	1,167	2,587	2,730
ENSG00000269921	AC068620.1	novel transcript	lncRNA	1,170	1,693	2,117
ENSG00000272432	AL031432.3	novel transcript	lncRNA	1,170	1,420	1,790
ENSG00000269176	AP001160.3	novel transcript, antisense to TAF6L	lncRNA	1,171	1,427	2,308
ENSG00000203684	IBA57-DT	IBA57 divergent transcript [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:32062]	lncRNA	1,171	1,582	1,769
ENSG00000227518	AL928970.1	novel transcript	lncRNA	1,171	1,617	1,712
ENSG00000261716	H2BC20P	H2B clustered histone 20, pseudogene [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:20516]	transcribed_unprocessed_pseudogene	1,172	2,045	3,036
ENSG00000260526	AC109347.1	novel transcript, antisense to AP1AR	lncRNA	1,174	1,561	1,747
ENSG00000164296	TIGD6	tigger transposable element derived 6 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:18332]	protein_coding	1,174	1,310	1,409
ENSG00000235919	ASH1L-AS1	ASH1L antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:44146]	lncRNA	1,175	2,341	3,155
ENSG00000272667	AC012306.2	novel transcript	lncRNA	1,175	1,470	1,769
ENSG00000272791	AC073389.3	novel transcript	lncRNA	1,176	1,491	2,386
ENSG00000271646	AC099343.3	novel transcript	lncRNA	1,176	1,590	2,282
ENSG00000272277	AL031963.3	novel transcript, antisense to RIPK1	lncRNA	1,178	2,107	2,269
ENSG00000273402	AC004908.3	novel transcript, antisense to ZNF596	lncRNA	1,178	1,494	1,499
ENSG00000272562	AL512343.2	novel transcript, antisense to H3F3A	lncRNA	1,180	1,725	2,249
ENSG00000268403	AC132192.2	novel transcript, antisense to ZNF143	lncRNA	1,181	3,870	5,154
ENSG00000264456	AC138207.4	novel transcript, sense intronic RNF135	lncRNA	1,183	1,505	1,829
ENSG00000230679	ENO1-AS1	ENO1 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:40214]	lncRNA	1,183	1,725	2,130
ENSG00000230163	AL122010.1	novel transcript	lncRNA	1,184	1,626	1,725
ENSG00000234183	LINC01952	long intergenic non-protein coding RNA 1952 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:52775]	lncRNA	1,186	1,818	2,074
ENSG00000184083	FAM120C	family with sequence similarity 120C [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:16949]	protein_coding	1,188	1,680	2,251
ENSG00000180019	AC079741.1	ribosomal protein S27a (RPS27A) pseudogene	transcribed_processed_pseudogene	1,191	1,658	1,719
ENSG00000203804	ADAMTSL4-AS1	ADAMTSL4 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:32041]	lncRNA	1,192	1,958	6,706
ENSG00000272240	AC004908.1	novel transcript, antisense to ZNF596	lncRNA	1,192	1,679	2,191
ENSG00000243224	AC006252.1	novel transcript, antisense to TWF2	lncRNA	1,193	1,427	1,948
ENSG00000271267	AL353807.4	ATP synthase, H+ transporting, mitochondrial Fo complex, subunit F2 (ATP5J2) pseudogene	processed_pseudogene	1,196	1,618	2,584
ENSG00000226423	AC093642.1	novel transcript	lncRNA	1,198	1,515	1,851

ID	Gene name	Gene description	Gene type	del(13q) vs WT FC	DIS3mts >20% vs WT FC	Bi-allelic lesion vs WT FC
ENSG00000263823	AC009831.1	novel transcript, antisense to KIAA1012	lncRNA	1,198	1,412	1,578
ENSG00000119906	SLF2	SMC5-SMC6 complex localization factor 2 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:17814]	protein_coding	1,201	1,589	1,806
ENSG00000270012	AC232271.1	novel transcript	lncRNA	1,203	2,011	2,253
ENSG00000272994	AC012360.3	novel transcript	lncRNA	1,203	1,611	1,858
ENSG00000262333	HNRNPA1P16	heterogeneous nuclear ribonucleoprotein A1 pseudogene 16 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:39134]	processed_pseudo gene	1,204	1,539	2,683
ENSG00000233850	AC103563.7	novel transcript	lncRNA	1,205	2,256	2,345
ENSG00000272106	AL691432.2	artifact	lncRNA	1,206	1,750	1,919
ENSG00000237840	FAM21FP	family with sequence similarity 21 member F, pseudogene [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:45011]	transcribed_unpro cessed_pseudogen e	1,207	1,533	1,758
ENSG00000227113	AC073210.1	pseudogene similar to part of sulfatase modifying factor 2 SUMF2	unprocessed_pseu dogene	1,207	1,979	2,408
ENSG00000260018	AC040169.1	novel transcript, antisense to MBTPS1	lncRNA	1,210	1,884	2,456
ENSG00000272426	BX284668.6	novel transcript	lncRNA	1,211	1,995	4,300
ENSG00000266852	MIR4482	microRNA 4482 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:41792]	miRNA	1,212	3,806	5,081
ENSG00000254531	FLJ20021	uncharacterized LOC90024 [Source:NCBI gene (formerly Entrezgene);Acc:90024]	lncRNA	1,213	2,152	2,194
ENSG00000272906	AL353708.3	novel transcript, antisense to TOR1AIP1	lncRNA	1,215	2,605	3,465
ENSG00000226853	AC010894.1	novel transcript	lncRNA	1,216	1,546	2,782
ENSG00000266240	MIR5091	microRNA 5091 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:43478]	miRNA	1,216	3,350	3,415
ENSG00000251131	AC025171.3	novel transcript	lncRNA	1,217	1,537	1,736
ENSG00000226179	LINC00685	long intergenic non-protein coding RNA 685 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:27560]	lncRNA	1,220	1,603	1,940
ENSG00000256073	URB1-AS1	URB1 antisense RNA 1 (head to head) [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:23128]	lncRNA	1,222	1,821	2,588
ENSG00000270673	YTHDF3-AS1	YTHDF3 antisense RNA 1 (head to head) [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:48728]	lncRNA	1,224	1,781	2,746
ENSG00000260625	AC026471.2	novel transcript, antisense to C16orf58	lncRNA	1,225	1,971	3,190
ENSG00000224699	LAMTOR5-AS1	LAMTOR5 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:40823]	lncRNA	1,226	1,551	1,730
ENSG00000231663	COA6-AS1	COA6 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:40825]	lncRNA	1,226	2,478	2,560
ENSG00000233230	AC079807.1	novel transcript	lncRNA	1,228	1,746	2,029
ENSG00000255224	AC109322.1	TEC	lncRNA	1,231	1,532	1,899
ENSG00000268129	AC026304.1	novel transcript	lncRNA	1,231	1,791	2,935
ENSG00000273355	AP000894.4	novel transcript	lncRNA	1,232	1,980	3,346
ENSG00000268584	AC073389.1	novel transcript, antisense to USP54	lncRNA	1,234	1,589	2,664
ENSG00000261135	AL137802.2	novel transcript	lncRNA	1,235	1,716	3,081
ENSG00000232519	AL353807.2	novel transcript, antisense to MSTO1	lncRNA	1,236	2,919	5,730
ENSG00000224165	DNAJC27-AS1	DNAJC27 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:42943]	lncRNA	1,240	2,180	3,007
ENSG00000260352	AC092287.1	novel transcript, antisense to SMG1	lncRNA	1,244	1,598	2,013
ENSG00000256658	AC008115.1	novel transcript	lncRNA	1,244	2,123	5,124
ENSG00000224616	RTCA-AS1	RTCA antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:50573]	lncRNA	1,246	1,502	2,659
ENSG00000272288	AL451165.2	novel transcript, antisense to C6orf106	lncRNA	1,256	2,052	3,456
ENSG00000271821	AL662844.3	novel transcript	lncRNA	1,258	1,669	2,244
ENSG00000272933	AL391121.1	novel transcript	lncRNA	1,265	1,711	3,124
ENSG00000272677	AC124016.1	novel transcript, antisense to HNRNPD	lncRNA	1,266	1,951	2,018
ENSG00000271387	AL445228.2	novel transcript	lncRNA	1,267	2,213	3,099
ENSG00000206344	HCG27	HLA complex group 27 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:27366]	lncRNA	1,269	1,897	2,347
ENSG00000234134	AL158835.2	novel transcript	lncRNA	1,270	1,648	3,257

ID	Gene name	Gene description	Gene type	del(13q) vs WT FC	DIS3mts >20% vs WT FC	Bi-allelic lesion vs WT FC
ENSG00000247373	TMED2-DT	TMED2 divergent transcript [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:53346]	lncRNA	1,270	1,594	2,242
ENSG00000234222	LIX1L-AS1	LIX1L antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:41210]	lncRNA	1,281	1,543	2,228
ENSG00000272831	AC027644.3	novel transcript, antisense to RABGEF1	lncRNA	1,284	1,583	2,558
ENSG00000222020	HDAC4-AS1	HDAC4 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:54064]	lncRNA	1,286	2,236	3,170
ENSG00000178074	C2orf69	chromosome 2 open reading frame 69 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:26799]	protein_coding	1,294	1,373	1,405
ENSG00000269246	AC011445.1	novel transcript	lncRNA	1,295	3,006	3,363
ENSG00000257543	AC063948.1	novel transcript	lncRNA	1,296	2,246	3,156
ENSG00000141642	ELAC1	elaC ribonuclease Z 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:14197]	protein_coding	1,310	1,565	1,947
ENSG00000272449	AL139246.5	novel transcript	lncRNA	1,318	2,615	4,738
ENSG00000264920	AC018521.5	novel transcript	lncRNA	1,324	1,543	1,937
ENSG00000231327	LINC01816	long intergenic non-protein coding RNA 1816 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:52621]	lncRNA	1,330	1,810	3,185
ENSG00000196950	SLC39A10	solute carrier family 39 member 10 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:20861]	protein_coding	1,345	1,976	3,718
ENSG00000221821	C6orf226	chromosome 6 open reading frame 226 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:34431]	protein_coding	1,349	1,935	2,055
ENSG00000173349	SFT2D3	SFT2 domain containing 3 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:28767]	protein_coding	1,353	1,984	2,158
ENSG00000261575	AC005829.1	C17orf58 pseudogene	transcribed_unprocessed_pseudogene	1,362	2,029	2,420
ENSG00000272273	IER3-AS1	IER3 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:53629]	lncRNA	1,380	1,630	2,578
ENSG00000231982	AC112907.2	MCF.2 cell line derived transforming sequence-like 2 (MCF2L2) pseudogene	unprocessed_pseudogene	1,403	1,868	5,210
ENSG00000179085	DPM3	dolichyl-phosphate mannosyltransferase subunit 3, regulatory [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:3007]	protein_coding	1,434	1,750	3,040
ENSG00000261431	AL023803.1	novel transcript, antisense to DHX35	lncRNA	1,474	2,504	4,549
ENSG00000220323	H2BC19P	H2B clustered histone 19, pseudogene [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:20517]	transcribed_unprocessed_pseudogene	1,510	2,231	3,990
ENSG00000273062	AL449106.1	novel transcript, antisense to RALGPS2	lncRNA	1,538	2,148	2,582

Supplementary Table 8. List of positively (red) or negatively (blue) enriched gene sets in DIS3 mutated compared to wild-type MM cases, by GSEA analysis on pre-ranked protein coding gene list. Gene sets (version 7.1) are selected and ordered according to nominal p-value (<0.05) for Hallmark, Kegg, Reactome collections and C2-Gene Perturbations gene sets selected for "Multiple Myeloma" term. Size, Normalized Enrichment Score (NES), Nominal p-value and FDR q-value are reported for each gene set.

NAME*	SIZE	NES	NOM p-val	FDR q-val
HALLMARK_INTERFERON_GAMMA_RESPONSE	56	3,740	0	0
HALLMARK_IL2_STATS_SIGNALING	41	3,320	0	0
HALLMARK_INTERFERON_ALPHA_RESPONSE	37	3,003	0	0
HALLMARK_KRAS_SIGNALING_UP	34	2,902	0	0
HALLMARK_ESTROGEN_RESPONSE_EARLY	35	2,585	0	0,0006
HALLMARK_TNFA_SIGNALING_VIA_NFKB	25	2,509	0	0,0007
HALLMARK_P53_PATHWAY	45	2,122	0,0015	0,0067
HALLMARK_COMPLEMENT	34	2,128	0,0016	0,0074
HALLMARK_EPITHELIAL_MESENCHYMAL_TRANSITION	35	2,192	0,0016	0,0052
HALLMARK_APICAL_JUNCTION	44	1,935	0,0045	0,0176
HALLMARK_COAGULATION	18	2,073	0,0052	0,0085
HALLMARK_MYOGENESIS	35	2,037	0,0063	0,0099
HALLMARK_ESTROGEN_RESPONSE_LATE	34	1,867	0,0106	0,0238
HALLMARK_APOPTOSIS	35	1,855	0,0121	0,0238
HALLMARK_ALLOGRAFT_REJECTION	36	1,695	0,0205	0,0533
HALLMARK_ANDROGEN_RESPONSE	25	1,710	0,0223	0,0526
HALLMARK_INFLAMMATORY_RESPONSE	31	1,716	0,0303	0,0538
KEGG_CELL_ADHESION_MOLECULES_CAMS	24	2,945	0	0
KEGG_JAK_STAT_SIGNALING_PATHWAY	29	2,043	0,0063	0,0566
KEGG_ARRHYTHMOGENIC_RIGHT_VENTRICULAR_CARDIOMYOPATHY_ARVC	18	1,967	0,0086	0,0718
KEGG_B_CELL_RECEPTOR_SIGNALING_PATHWAY	16	1,822	0,0129	0,1124
KEGG_TIGHT_JUNCTION	33	1,832	0,0196	0,1313
KEGG_FOCAL_ADHESION	37	1,687	0,0272	0,2081
KEGG_LEUKOCYTE_TRANSENDOTHELIAL_MIGRATION	28	1,667	0,0293	0,1959
KEGG_GLYCEROPHOSPHOLIPID_METABOLISM	18	1,661	0,0385	0,1774
KEGG_P53_SIGNALING_PATHWAY	17	1,623	0,0427	0,1889
REACTOME_INTERFERON_ALPHA_BETA_SIGNALING	30	3,158	0	0
REACTOME_CELL_CELL_COMMUNICATION	26	2,406	0	0,0165
REACTOME_CELL_JUNCTION_ORGANIZATION	23	2,183	0	0,0548
REACTOME_RESOLUTION_OF_SISTER_CHROMATID_COHESION	19	2,107	0	0,0457
REACTOME_HEMOSTASIS	107	2,165	0,0014	0,0463
REACTOME_IMMUNOREGULATORY_INTERACTIONS_BETWEEN_A_LYMPHOID_AND_A_NON_LYMPHOID_CELL	24	2,164	0,0017	0,0371
REACTOME_CYTOKINE_SIGNALING_IN_IMMUNE_SYSTEM	143	1,945	0,0027	0,0839
REACTOME_CELL_SURFACE_INTERACTIONS_AT_THE_VASCULAR_WALL	19	2,088	0,0048	0,0451
REACTOME_INTERFERON_SIGNALING	51	2,063	0,0076	0,0482
REACTOME_METABOLISM_OF_VITAMINS_AND_COFACTORS	21	1,949	0,0084	0,0908
REACTOME_MITOTIC_G1_PHASE_AND_G1_S_TRANSITION	37	1,943	0,0111	0,0769
REACTOME_CELL_CYCLE_MITOTIC	98	1,852	0,0125	0,1241
REACTOME_MITOTIC_METAPHASE_AND_ANAPHASE	44	1,810	0,0140	0,1424
REACTOME_EXTRACELLULAR_MATRIX_ORGANIZATION	47	1,703	0,0179	0,1944
REACTOME_SIGNALING_BY_RECEPTOR_TYROSINE_KINASES	93	1,732	0,0184	0,2020

NAME*	SIZE	NES	NOM p-val	FDR q-val
REACTOME_PROGRAMMED_CELL_DEATH	43	1,714	0,0200	0,1950
REACTOME_RHO_GTPASES_ACTIVATE_FORMINS	25	1,721	0,0205	0,2009
REACTOME_INTERFERON_GAMMA_SIGNALING	20	1,685	0,0316	0,1917
REACTOME_MITOTIC_SPINDLE_CHECKPOINT	20	1,693	0,0332	0,1939
REACTOME_RHO_GTPASE_EFFECTORS	54	1,553	0,0433	0,3067
REACTOME_NUCLEAR_ENVELOPE_NE_REASSEMBLY	15	1,589	0,0494	0,2968
REACTOME_NEURONAL_SYSTEM	52	1,577	0,0495	0,2996
<u>ZHAN_MULTIPLE_MYELOMA_HP_DN</u>	32	3,891	0	0
MATTIOLI_MULTIPLE_MYELOMA_WITH_14Q32_TRANSLOCATIONS	19	3,676	0	0
ZHAN_MULTIPLE_MYELOMA_MF_UP	24	3,277	0	0
ZHAN_MULTIPLE_MYELOMA_MS_UP	25	3,202	0	0
ZHAN_MULTIPLE_MYELOMA_CD1_AND_CD2_UP	28	2,781	0	0,0002
MOREAUX_MULTIPLE_MYELOMA_BY_TACI_UP	47	2,565	0	0,0006
BOYLAN_MULTIPLE_MYELOMA_C_D_DN	43	2,345	0	0,0023
MUNSHI_MULTIPLE_MYELOMA_UP	20	2,258	0	0,0041
ZHAN_MULTIPLE_MYELOMA_CD1_VS_CD2_UP	18	2,160	0,0033	0,0070
ZHAN_MULTIPLE_MYELOMA_LB_DN	15	2,043	0,0034	0,0133
CHNG_MULTIPLE_MYELOMA_HYPERPLOID_DN	23	1,875	0,0068	0,0317
BOYLAN_MULTIPLE_MYELOMA_PCA1_UP	18	1,834	0,0170	0,0384
BOYLAN_MULTIPLE_MYELOMA_C_DN	18	1,602	0,0344	0,1010
<u>HALLMARK_OXIDATIVE_PHOSPHORYLATION</u>	39	-2,548	0	0,0022
HALLMARK_DNA_REPAIR	40	-1,921	0,0101	0,0267
KEGG_RIBOSOME	72	-7,428	0	0
<u>KEGG_OXIDATIVE_PHOSPHORYLATION</u>	21	-2,530	0	0,0010
<u>KEGG_PARKINSONS_DISEASE</u>	20	-2,408	0	0,0014
KEGG_UBIQUITIN_MEDIATED_PROTEOLYSIS	28	-2,107	0	0,0098
<u>KEGG_HUNTINGTONS_DISEASE</u>	28	-1,906	0,0103	0,0217
REACTOME_EUKARYOTIC_TRANSLATION_INITIATION	83	-8,270	0	0
REACTOME_EUKARYOTIC_TRANSLATION_ELONGATION	77	-7,824	0	0
REACTOME_RESPONSE_OF_EIF2AK4_GCN2_TO_AMINO_ACID_DEFICIENCY	76	-7,357	0	0
REACTOME_NONSENSE_MEDIATED_DECAY_NMD	80	-7,231	0	0
REACTOME_SELENOAMINO_ACID_METABOLISM	76	-7,208	0	0
<u>REACTOME_RRNA_PROCESSING</u>	92	-7,078	0	0
<u>REACTOME_INFLUENZA_INFECTION</u>	87	-7,048	0	0
<u>REACTOME_TRANSLATION</u>	124	-6,705	0	0
REACTOME_SRP_DEPENDENT_COTRANSLATIONAL_PROTEIN_TARGETING_TO_MEMBRANE	83	-6,699	0	0
REACTOME_REGULATION_OF_EXPRESSION_OF_SLITS_AND_ROBOS	92	-6,396	0	0
<u>REACTOME_SIGNALING_BY_ROBO_RECEPTORS</u>	97	-6,375	0	0
REACTOME_ACTIVATION_OF_THE_MRNA_UPON_BINDING_OF_THE_CAP_BINDING_COMPLEX_AND_EIFS_AND_SUBSEQUENT_BINDING_TO_43S	38	-5,633	0	0
<u>REACTOME_METABOLISM_OF_AMINO_ACIDS_AND_DERIVATIVES</u>	127	-5,547	0	0
REACTOME_INFECTIOUS_DISEASE	173	-5,257	0	0
REACTOME_NERVOUS_SYSTEM_DEVELOPMENT	149	-4,770	0	0
REACTOME_CELLULAR_RESPONSES_TO_EXTERNAL_STIMULI	161	-4,532	0	0
<u>REACTOME_METABOLISM_OF_RNA</u>	189	-4,438	0	0

NAME*	SIZE	NES	NOM p-val	FDR q-val
REACTOME_DEVELOPMENTAL_BIOLOGY	199	-3,731	0	0
REACTOME_DISEASE	289	-3,579	0	0
REACTOME_RRNA_MODIFICATION_IN_THE_NUCLEUS_AND_CYTOSOL	16	-2,561	0	0,0006
REACTOME_SIGNALING_BY_GPCR	97	-2,276	0	0,0057
REACTOME_HIV_LIFE_CYCLE	31	-2,140	0	0,0130
REACTOME_GPCR_LIGAND_BINDING	47	-1,828	0	0,0598
REACTOME_HIV_INFECTION	53	-1,794	0,0032	0,0676
REACTOME_SUMOYLATION_OF_DNA_DAMAGE_RESPONSE_AND_REPAIR_PROTEINS	18	-1,862	0,0047	0,0531
<u>REACTOME_RESPIRATORY_ELECTRON_TRANSPORT</u>	22	-1,977	0,0049	0,0292
<u>REACTOME_RESPIRATORY_ELECTRON_TRANSPORT_ATP_SYNTHESIS_BY_CHEMIOSMOTIC_COUPLING_AND_HEAT_PRODUCTION_BY_UNCOUPLING_PROTEINS</u>	22	-2,000	0,0052	0,0269
REACTOME_STIMULI_SENSING_CHANNELS	23	-1,808	0,0076	0,0640
REACTOME_G_ALPHA_12_13_SIGNALLING_EVENTS	21	-1,759	0,0120	0,0739
<u>REACTOME_THE_CITRIC_ACID_TCA_CYCLE_AND_RESPIRATORY_ELECTRON_TRANSPORT</u>	31	-1,974	0,0129	0,0283
REACTOME_TRANSCRIPTION_COUPLED_NUCLEOTIDE_EXCISION_REPAIR_TC_NER	15	-1,842	0,0149	0,0573
REACTOME_PROCESSING_OF_CAPPED_INTRON_CONTAINING_PRE_MRNA	52	-1,780	0,0170	0,0683
REACTOME_G_ALPHA_Q_SIGNALLING_EVENTS	31	-1,736	0,0202	0,0809
<u>REACTOME_METABOLISM_OF_CARBOHYDRATES</u>	49	-1,784	0,0221	0,0690
REACTOME_ION_CHANNEL_TRANSPORT	40	-1,725	0,0228	0,0808
REACTOME_TOLL_LIKE_RECEPTOR_10_TLR10_CASCADE	16	-1,634	0,0235	0,1204
REACTOME_CLASS_A_1_RHODOPSIN_LIKE_RECEPTORS	31	-1,708	0,0271	0,0857
REACTOME_NUCLEOTIDE_EXCISION_REPAIR	20	-1,728	0,0346	0,0817
REACTOME_CHROMATIN_MODIFYING_ENZYMES	31	-1,613	0,0385	0,1315
REACTOME_MITOCHONDRIAL_BIOGENESIS	16	-1,519	0,0469	0,1958
CHNG_MULTIPLE_MYELOMA_HYPERPLOID_UP	46	-6,421	0	0
ZHAN_MULTIPLE_MYELOMA_HP_UP	26	-4,572	0	0
ZHAN_MULTIPLE_MYELOMA_MS_DN	15	-3,220	0	0

* Geneset also resulting from GSEA analysis on the 490 DE-list are marked underlined-bold.

Supplementary Table 9. Ensembl Annotation (GRCh38.p13) of top 50 DE lncRNAs at FDR 1% by limma analysis in DIS3mts>20% vs DIS3 WT MM cases. lncRNAs are ordered according to B-statistics value.

Gene stable ID	Gene name	log FC	adj.P. Val	B	GENE					TRANSCRIPT						
					Description	Chr.	start (bp)	end (bp)	Strand	N°	Stable ID	Type ^s	start (bp)	end (bp)	TL*	E [#]
ENSG00000251497	PITPNM2-AS1	1,80	5,51E-90	204,1	PITPNM2 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:53391]	12q24	123081384	123084744	1	2	ENST00000506255; ENST00000537292	lncRNA	123081384/ 123082790	123084744/ 123084129	2191; 1065	3; 2
ENSG00000249483	AC026726.1	1,67	7,51E-83	187,1	novel transcript, sense to SEM1P1	5q14	81851601	81852201	1	1	ENST00000512859	lncRNA	81851601	81852201	601	1
ENSG00000260589	STAM-AS1	1,25	6,81E-81	182,3	STAM antisense RNA 1 (head to head) [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:49568]	10p12	17641284	17643878	-1	1	ENST00000563601	lncRNA	17641284	17643878	2595	1
ENSG00000272663	AC093635.1	2,03	1,92E-71	160,5	novel transcript, antisense to PPP1R21	2p16	48440043	48440597	-1	1	ENST00000609028	lncRNA	48440043	48440597	555	1
ENSG00000261242	AL136038.3	1,03	9,81E-67	149,5	novel transcript, antisense to PPP2R5E	14q23	63543569	63544664	1	1	ENST00000561909	lncRNA	63543569	63544664	1096	1
ENSG00000261186	AC093642.2	2,06	9,77E-65	144,8	novel transcript, antisense to LINC01881	2q37	242087351	242088457	-1	1	ENST00000567549	lncRNA	242087351	242088457	1107	1
ENSG00000273139	AC007663.3	1,52	5,94E-62	138,3	novel transcript, antisense to DGCR6L	22q11	20320739	20321203	1	1	ENST00000609632	lncRNA	20320739	20321203	465	1
ENSG00000271991	AC013400.1	1,15	6,34E-62	138,1	novel transcript, antisense to TTC32	2p24	19902025	19902569	1	1	ENST00000607190	lncRNA	19902025	19902569	545	1
ENSG00000236206	AL356441.1	1,46	1,9E-61	136,9	novel transcript, sense to MGST3	1q24	165598356	165624084	1	4	ENST00000452618	lncRNA	165598463/ 165598403/ 165598379/ 165598356	165623331/ 165624084/ 16559815/ 165623679	492; 1150; 963; 885	4; 3; 2; 4
ENSG00000269961	AC010359.2	1,63	8,26E-57	126,1	novel transcript, antisense to ERBIN	5q12	65924629	65925135	-1	1	ENST00000602982	lncRNA	65924629	65925135	507	1
ENSG00000203804	ADAMTSL4-AS1	2,33	1,09E-55	123,5	ADAMTSL4 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:32041]	1q21	150560202	150562115	-1	1	ENST00000615012	lncRNA	150560202	150562115	1914	1
ENSG00000272735	AC007881.3	1,55	1,2E-54	121,0	novel transcript, antisense to NAGK	2p13	71067519	71068125	-1	1	ENST00000608897	lncRNA	71067519	71068125	607	1
ENSG00000271427	AL358072.1	1,78	7,45E-54	119,1	novel transcript, antisense to MAN1A2	1p12	117364899	117365473	-1	1	ENST00000604156	lncRNA	117364899	117365473	575	1
ENSG00000268471	MIR4453HG	1,88	2,52E-53	117,8	MIR4453 host gene [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:25288]	4q31	152536264	152539263	1	1	ENST00000604157	lncRNA	152536264	152539263	3000	1
ENSG00000260236	AC099778.1	1,32	1,36E-52	116,0	novel transcript, antisense to PTPN23	3p21	47379089	47380999	-1	1	ENST00000568593	lncRNA	47379089	47380999	1911	1
ENSG00000234676	IFT74-AS1	1,68	5,53E-52	114,6	IFT74 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:49806]	9p21	26955780	26956295	-1	1	ENST00000456198	lncRNA	26955780	26956295	405	3
ENSG00000232519	AL353807.2	2,16	2,94E-51	112,8	novel transcript, antisense to MSTO1	1q22	155609776	155610380	-1	1	ENST00000456382	lncRNA	155609776	155610380	220	2
ENSG00000255647	AC093510.1	1,10	8,39E-51	111,7	novel transcript, antisense to CETN3	5q14	90410000	90410669	1	2	ENST00000624106; ENST00000546238	TEC lncRNA	90410000/ 90410033	90410666/ 90410669	667; 442	1; 2

Gene stable ID	Gene name	log FC	adj.P. Val	B	GENE					TRANSCRIPT						
					Description	Chr.	start (bp)	end (bp)	Strand	N°	Stable ID	Type [§]	start (bp)	end (bp)	TL*	E [#]
ENSG00000268403	AC132192.2	2,15	9,54E-51	111,5	novel transcript, antisense to ZNF143	11p15	9459556	9460702	-1	1	ENST00000596206	lncRNA	9459556	9460702	1147	1
ENSG00000273210	AP001437.1	1,67	1,11E-50	111,3	novel transcript, antisense to DYRK1A	21q22	37365477	37365932	-1	1	ENST00000608783	lncRNA	37365477	37365932	456	1
ENSG00000226471	Z93930.2	1,87	2,2E-50	110,6	novel transcript, antisense to XBP1	22q12	28800683	28848559	1	5	ENST00000458080; ENST00000418292; ENST00000585003; ENST00000451486; ENST00000422972	lncRNA	28800683/ 28800704/ 28800709/ 28801892/ 28818331	28848559/ 28839033/ 28801224/ 28822215/ 28822215	505; 208; 516; 347; 409	4; 2; 1; 2; 2
ENSG00000272662	AC073352.1	1,02	2,31E-50	110,5	novel transcript, antisense to TIMMDC1	3q13	119497678	119498181	-1	1	ENST00000609598	lncRNA	119497678	119498181	504	1
ENSG00000229980	TOB1-AS1	1,45	4,99E-50	109,7	TOB1 antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:44340]	17q21	50866679	50910774	1	5	ENST00000416263; ENST00000523470; ENST00000514358; ENST00000519432; ENST00000671267	lncRNA; lncRNA; lncRNA; R_int; lncRNA	50866679/ 50866759/ 50867148/ 50908678/ 50866754	50868307/ 50908923/ 50909737/ 50909417/ 50910774	1351; 547; 690; 541; 2403	2; 2; 5; 2; 2
ENSG00000234230	ZFX-AS1	1,19	1,07E-49	108,9	ZFX antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:40617]	Xp22	24146225	24149654	-1	1	ENST00000427551	lncRNA	24146225	24149654	417	3
ENSG00000267783	AC022098.3	1,68	1,15E-49	108,8	novel transcript, antisense to ASF1B	19p13	14119106	14119537	1	1	ENST00000590715	lncRNA	14119106	14119537	315	2
ENSG00000260475	AL353719.1	1,14	2,91E-49	107,9	novel transcript, antisense to SLC25A28	10q24	99621055	99621918	1	1	ENST00000566847	lncRNA	99621055	99621918	864	1
ENSG00000231704	AC004895.1	1,25	3,51E-48	105,4	novel transcript, antisense to EIF2AK1	7p22	6080704	6093085	1	4	ENST00000436915; ENST00000435547; ENST00000428901; ENST00000670544	lncRNA	6081103/ 6081103/ 6081671/ 6080704	6085256/ 6093052/ 6093085/ 6084660	524; 547; 540; 799	3; 4; 4; 2
ENSG00000273363	AL353801.3	1,01	7,73E-48	104,5	novel transcript, antisense to RASSF4	10q11	44958917	44959458	-1	1	ENST00000609898		lncRNA	44958917	44959458	542
ENSG00000265100	AC005332.1	1,24	1,15E-47	104,1	novel transcript, antisense to AMZ2	17q24	68246629	68247938	-1	1	ENST00000577698	lncRNA	68246629	68247938	1310	1
ENSG00000272853	AC069544.1	1,25	2,17E-47	103,5	novel transcript, antisense to SUV39H2	10p13	14877688	14878686	-1	1	ENST00000609399	lncRNA	14877688	14878686	999	1
ENSG00000226609	AL390067.1	1,11	1,69E-44	96,7	novel transcript, antisense to SNX30	9q32	112748902	112750565	-1	2	ENST00000440009; ENST00000671283	lncRNA	112748902/ 112748902	112750456/ 112750565	420; 1664	2; 1
ENSG00000197182	MIRLET7BHG	1,13	7,15E-44	95,2	MIRLET7B host gene [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:37189]	22q13	46053869	46113928	1	4	ENST00000381051; ENST00000443490; ENST00000435439; ENST00000360737		lncRNA	46053869/ 46080312/ 46085997/ 46086003	46106023/ 46098558/ 46111475/ 46113928	875; 494; 2264; 4560
ENSG00000272716	AL121658.1	1,10	2,4E-43	94,0	novel transcript, antisense to SLC30A6	2p22	32165046	32165757	-1	1	ENST00000608489	lncRNA		32165046	32165757	712
ENSG00000272906	AL353708.3	1,59	1,24E-42	92,3	novel transcript, antisense to TOR1AIP1	1q25	179881607	179882595	-1	1	ENST00000610272	lncRNA	179881607	179882595	989	1

Gene stable ID	Gene name	log FC	adj.P. Val	B	GENE					TRANSCRIPT						
					Description	Chr.	start (bp)	end (bp)	Strand	N°	Stable ID	Type [§]	start (bp)	end (bp)	TL*	E [#]
ENSG00000235919	ASH1L-AS1	1,48	9,31E-42	90,3	ASH1L antisense RNA 1 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:44146]	1q22	155562042	155563944	1	2	ENST00000456633; ENST00000452809	lncRNA	155562042/ 155562073	155563646/ 155563944	911; 909	2
ENSG00000260625	AC026471.2	1,37	1,74E-41	89,6	novel transcript, antisense to C16orf58	16p11	31508464	31509560	1	2	ENST00000651898; ENST00000569782	lncRNA	31508464/ 31508471	31509560/ 31509256	961; 655	2; 2
ENSG00000272426	BX284668.6	1,68	4,77E-41	88,6	novel transcript, antisense to CROCC	1p36	16904339	16904776	-1	1	ENST00000606899	lncRNA	16904339	16904776	438	1
ENSG00000271387	AL445228.2	1,43	1,89E-40	87,2	novel transcript, antisense to C1orf21	1q25	184385753	184386704	-1	1	ENST00000605589	lncRNA	184385753	184386704	952	1
ENSG00000273289	AL121672.3	1,22	5,15E-40	86,2	novel transcript, antisense to PRR34	22q13	46053093	46053560	1	1	ENST00000608644	lncRNA	46053093	46053560	468	1
ENSG00000260942	CAPN10-DT	1,13	7,79E-40	85,7	CAPN10 divergent transcript [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:48839]	2q37	240582700	240586699	-1	1	ENST00000567819	lncRNA	240582700	240586699	4000	1
ENSG00000272606	AC015982.2	1,33	1,98E-39	84,8	novel transcript, antisense to PP4R3B	2p16	55617909	55618373	1	1	ENST00000608113	lncRNA	55617909	55618373	465	1
ENSG00000272933	AL391121.1	1,34	8,92E-39	83,3	novel transcript, antisense to TRIM8	10q24	102642792	102644140	-1	1	ENST00000607967	lncRNA	102642792	102644140	1349	1
ENSG00000270419	CAHM	1,35	1,04E-38	83,1	colon adenocarcinoma hypermethylated [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:42860]	6q26	163413065	163413960	-1	1	ENST00000604200	lncRNA	163413065	163413960	896	1
ENSG00000273355	AP000894.4	1,41	2,08E-38	82,4	novel transcript, antisense to YES1	18p11	813274	813756	1	1	ENST00000610185	lncRNA	813274	813756	483	1
ENSG00000267898	AC026803.2	1,08	3,35E-37	79,6	novel transcript, sense to FTL	19q13	48963975	48965158	1	2	ENST00000599784; ENST00000594305	lncRNA	48963975/ 48963990	48965158/ 48965029	819; 770	2; 2
ENSG00000272288	AL451165.2	1,45	4,59E-37	79,2	novel transcript, antisense to ILRUN	6p21	34696317	34697470	1	3	ENST00000606971; ENST00000606496; ENST00000667026	lncRNA	34696317/ 34696945/ 34696934	34697470/ 34697470/ 34697466	718; 365; 372	2; 2; 2
ENSG00000273391	AC083880.1	1,17	7,42E-37	78,8	novel transcript, antisense to LUC7L2	7q34	139359032	139359566	-1	1	ENST00000608266	lncRNA	139359032	139359566	535	1
ENSG00000259775	AL138976.2	1,12	1,88E-36	77,8	novel transcript, antisense to EIF5	14q32	103331674	103332367	-1	1	ENST00000563989	lncRNA	103331674	103332367	694	1
ENSG00000248489	LINC02062	1,15	2,93E-36	77,4	long intergenic non-protein coding RNA 2062 [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:52907]	5q21	98929171	98995013	1	2	ENST00000513175; ENST00000670964	lncRNA	98929171/ 98929188	98995013/ 98988012	478; 2153	3; 5
ENSG00000237436	CAMTA1-DT	1,34	5,46E-36	76,7	CAMTA1 divergent transcript [Source:HGNC Symbol;Acc:HGNC:53020]	1p36	6783892	6784843	-1	1	ENST00000442889	lncRNA	6783892	6784843	415	3

* TL=Transcript length (bp) (including UTRs and CDS);[#] E= Exon count; [§] TEC=To be Experimentally Confirmed, R_Int=retained_intron

Supplementary Table 10. Results of Pearson's correlation between the expression levels of the 50 top lncRNAs and the overlapping/nearby transcripts globally profiled in 767 MM CoMMpass cohort. In bold, those lncRNA-gene pairs with at least 0.5 significant Pearson's correlation. BH adjustment was applied.

lncRNA Gene ID	lncRNA Gene Name	overlapping/nearby Gene ID	overlapping/nearby Gene Name	Pearson's Correlation
ENSG00000197182	MIRLET7BHG	ENSG00000182257	PRR34	r=0.66, p-value < 6.08E-16;
		ENSG00000273289	AL121672.3	r=0.65, p-value < 6.08E-16;
		ENSG00000231010	<i>AL121672.1</i>	r=0.31, p-value < 6.08E-16;
		ENSG00000235159	AL121672.2	r=0.73, p-value < 6.08E-16;
		ENSG00000266533	MIR3619	r=0.67, p-value < 6.08E-16;
		ENSG00000241990	<i>PRR34-AS1</i>	r=0.30, p-value < 6.08E-16
ENSG00000203804	ADAMTSL4-AS1	ENSG00000143384	<i>MCL1</i>	r=0.42, p-value < 6.08E-16;
		ENSG00000143382	ADAMTSL4	r=0.51, p-value < 6.08E-16;
		ENSG00000237781	<i>ADAMTSL4-AS2</i>	r=0.36, p-value < 6.08E-16
ENSG00000226471	<i>Z93930.2</i>	ENSG00000100219	<i>XBP1</i>	r=0.43, p-value < 6.08E-16
ENSG00000226609	<i>AL390067.1</i>	ENSG00000148158	<i>SNX30</i>	r=0.14, p-value = 2.11E-04
ENSG00000229980	<i>TOB1-AS1</i>	ENSG00000141232	<i>TOB1</i>	r=0.29, p-value < 6.08E-16;
		ENSG00000262006	<i>AC005920.4</i>	r=0.30, p-value < 6.08E-16
ENSG00000232519	<i>AL353807.2</i>	ENSG00000125459	<i>MSTO1</i>	r= 0.38, p-value < 6.08E-16
ENSG00000234230	<i>ZFX-AS1</i>	ENSG00000005889	<i>ZFX</i>	r=0.45, p-value < 6.08E-16
ENSG00000234676	<i>IFT74-AS1</i>	ENSG00000096872	<i>IFT74</i>	r=0.09, p-value = 1.29E-02;
		ENSG00000137055	<i>PLAA</i>	r=-0.04, p-value = 3.03E-01
ENSG00000235919	ASH1L-AS1	ENSG00000116539	<i>ASH1L</i>	r=0.34, p-value < 6.08E-16;
		ENSG00000271267	AL353807.4	r=0.63, p-value < 6.08E-16
ENSG00000236206	<i>AL356441.1</i>	ENSG00000143198	<i>MGST3</i>	r=0.28, p-value = 8.93E-15
ENSG00000237436	<i>CAMTA1-DT</i>	ENSG00000171735	<i>CAMTA1</i>	r=0.42, p-value < 6.08E-16
ENSG00000248489	<i>LINC02062</i>	ENSG00000153922	<i>CHD1</i>	r=0.06, p-value = 1.42E-01;
		ENSG00000200351	<i>AC022121.1</i>	r=0.28, p-value = 5.62E-15
ENSG00000249483	<i>AC026726.1</i>	ENSG00000214857	<i>SEM1P1</i>	r=0.06, p-value = 1.04E-01
ENSG00000251497	<i>PITPNM2-AS1</i>	ENSG00000090975	<i>PITPNM2</i>	r= 0.03, p-value = 4.58E-01
ENSG00000255647	<i>AC093510.1</i>	ENSG00000153140	<i>CETN3</i>	r= 0.13, p-value = 6.39E-04
ENSG00000259775	<i>AL138976.2</i>	ENSG00000100664	<i>EIF5</i>	r= 0.30, p-value < 6.08E-16
ENSG00000260236	<i>AC099778.1</i>	ENSG00000076201	<i>PTPN23</i>	r= 0.11, p-value = 4.42E-03
ENSG00000260475	<i>AL353719.1</i>	ENSG00000155287	<i>SLC25A28</i>	r= 0.29, p-value = 1.89E-15
ENSG00000260589	<i>STAM-AS1</i>	ENSG00000136738	<i>STAM</i>	r= -0.003, p-value = 9.23E-01
ENSG00000260625	<i>AC026471.2</i>	ENSG00000140688	<i>RUSF1</i>	r= 0.49, p-value < 6.08e-16
ENSG00000260942	<i>CAPN10-DT</i>	ENSG00000142330	<i>CAPN10</i>	r=0.44, p-value < 6.08E-16;
		ENSG00000142327	<i>RNPEPL1</i>	r=0.38, p-value < 6.08E-16
ENSG00000261242	<i>AL136038.5</i>	ENSG00000154001	<i>PPP2R5E</i>	r=0.07, p-value = 8.15E-02
ENSG00000265100	<i>AC005332.1</i>	ENSG00000196704	<i>AMZ2</i>	r= 0.14, p-value = 2.51E-04
ENSG00000267783	<i>AC022098.3</i>	ENSG00000072062	<i>PRKACA</i>	r=0.15, p-value = 2.74E-05;
		ENSG00000105011	<i>ASF1B</i>	r=0.05, p-value = 1.43E-01

lncRNA Gene ID	lncRNA Gene Name	overlapping/nearby Gene ID	overlapping/nearby Gene Name	Pearson's Correlation
ENSG00000267898	AC026803.2	ENSG00000087088 ENSG00000087086 ENSG00000104812	BAX FTL GYS1	r= 0.13, p-value = 7.03E-04; r= 0.19, p-value = 1.80E-07; r=0.25, p-value = 4.13E-12
ENSG00000268403	AC132192.2	ENSG00000166478	ZNF143	r= 0.25, p-value =3.30E-12
ENSG00000268471	MIR4453HG	ENSG00000109670	FBXW7	r= 0.20, p-value = 9.31E-08
ENSG00000269961	AC010359.2	ENSG00000112851	ERBIN	r= 0.09, p-value = 1.36E-02
ENSG00000270419	CAHM	ENSG00000112531	QKI	r= 0.40, p-value < 6.08E-16
ENSG00000271387	AL445228.2	ENSG00000116667	C1orf21	r= 0.69, p-value < 6.08E-16
ENSG00000271427	AL358072.1	ENSG00000198162	MAN1A2	r= 0.08, p-value = 3.12E-02
ENSG00000271991	AC013400.1	ENSG00000183891 ENSG00000118965	TTC32 WDR35	r= 0.40, p-value < 6.08E-16; r=0.02, p-value =5.27E-01
ENSG00000272288	AL451165.2	ENSG00000196821 ENSG00000220643	ILRUN	r= 0.16, p-value = 2.12E-05
ENSG00000272606	AC015982.2	ENSG00000138035	PNPT1	r=0.15, p-value = 2.70E-05
ENSG00000272662	AC073352.1	ENSG00000113845 ENSG00000163389	TIMMDC1 POGLUT1	r= 0.12, p-value =9.12E-04; r= 0.02, p-value = 5.43E-01
ENSG00000272663	AC093635.1	ENSG00000162869	PPP1R21	r= 0.29, p-value =6.08E-16
ENSG00000272716	AL121658.1	ENSG00000152683 ENSG00000021574	SLC30A6 SPAST	r= 0.07, p-value = 8.94E-02; r=0.15, p-value = 2.71E-05
ENSG00000272735	AC007881.3	ENSG00000124357	NAGK	r= 0.28, p-value =1.67E-14
ENSG00000272853	AC069544.1	ENSG00000187522 ENSG00000152455	HSPA14 SUV39H2	r= 0.07, p-value = 6.24E-02; r=0.16, p-value = 1.02E-05
ENSG00000272906	AL353708.3	ENSG00000143337 ENSG00000169905	TOR1AIP1 TOR1AIP2	r= 0.11, p-value = 2.85E-03; r= 0.40, p-value < 6.08E-16
ENSG00000272933	AL391121.1	ENSG00000171206 ENSG00000107882	TRIM8 SUFU	r= 0.49, p-value < 6.08E-16; r=0.21, p-value = 1.59E-08
ENSG00000273139	AC007663.3	ENSG00000128185	DCGR6L	r= 0.18, p-value = 5.02E-07
ENSG00000273210	AP001437.1	ENSG00000157540	DYRK1A	r= 0.26, p-value = 1.00E-12
ENSG00000273289	AL121672.3	ENSG00000182257 ENSG00000197182 ENSG00000231711 ENSG00000241990	PRR34 MIRLET7BHG LINCO0899 PRR34-AS1	r= 0.73, p-value < 6.08E-16; r=0.65, p-value < 6.08E-16; r=0.35, p-value < 6.08E-16; r=0.27, p-value = 7.15E-14
ENSG00000273355	AP000894.4	ENSG00000176105	YES1	r=0.16, p-value = 1.93E-05
ENSG00000273363	AL353801.3	ENSG00000107551 ENSG00000224812	RASSF4 TMEM72-AS1	r= 0.13, p-value = 2.81E-04; r= 0.01, p-value = 8.49E-01
ENSG00000273391	AC083880.1	ENSG00000146963 ENSG00000164898	LUC7L2 FMC1	r=0.20, p-value = 6.52E-08; r=0.23, p-value = 9.90E-11
ENSG00000261186	LINC01238	ENSG00000220804 ENSG00000233806 ENSG00000232002	LINC01881 LINC01237 LINC01880	r=0.18, p-value = 6.06E-07; r=0.26, p-value = 8.15E-13; r=0.067, p-value = 7.69E-02
ENSG00000231704	AC004895.1	ENSG00000086232 ENSG00000106346	EIF2AK1 USP42	r=0.02, p-value=6.30E-01; r=0.04, p-value =3.02E-01
ENSG00000272426	BX284668.6	ENSG00000207005 ENSG00000058453	RNU1-2 CROCC	r=0.15, p-value = 3.00E-05; r=0.18, p-value = 1.36E-06

Supplementary Table 11. List of 35 lncRNAs with a significant Log-rank *p*-value in Kaplan-Meier analysis between high and low group, based on the mean cut-off on continuous lncRNA expression level, using PFS data. Fifteen of them were significant also with respect to OS data. In bold significant log-rank *p*-value (<0.05).

Gene ID	Gene Name	Kaplan-Meier high/low mean cut-off	
		PFS <i>p</i> -value	OS <i>p</i> -value
ENSG00000203804	ADAMTSL4-AS1	8.10E-03	6.20E-02
ENSG00000268403	AC132192.2	8.70E-03	5.90E-02
ENSG00000226471	Z93930.2	7.10E-03	3.20E-01
ENSG00000260942	CAPN10-DT	1.30E-02	6.80E-01
ENSG00000272606	AC015982.2	9.80E-04	2.10E-02
ENSG00000260236	AC099778.1	1.30E-04	8.60E-02
ENSG00000251497	PITPNM2-AS1	3.00E-03	9.10E-02
ENSG00000272288	AL451165.2	1.40E-02	4.20E-02
ENSG00000261186	LINC01238	3.00E-02	7.80E-03
ENSG00000260589	STAM-AS1	2.40E-02	1.40E-01
ENSG00000272853	AC069544.1	4.80E-02	6.90E-01
ENSG00000272663	AC093635.1	4.50E-03	3.60E-02
ENSG00000273355	AP000894.4	1.80E-03	2.00E-02
ENSG00000269961	AC010359.2	4.30E-02	1.30E-01
ENSG00000267783	AC022098.3	4.00E-02	1.40E-01
ENSG00000272716	AL121658.1	1.30E-03	6.60E-03
ENSG00000273391	AC083880.1	1.10E-02	2.70E-02
ENSG00000232519	AL353807.2	< 0.0001	5.40E-04
ENSG00000261242	AL136038.5	4.50E-02	4.70E-01
ENSG00000236206	AL356441.1	< 0.0001	1.10E-02
ENSG00000272426	BX284668.6	2.40E-04	6.40E-03
ENSG00000255647	AC093510.1	1.60E-04	5.40E-02
ENSG00000273139	AC007663.3	3.00E-02	7.70E-02
ENSG00000272662	AC073352.1	4.20E-02	7.30E-01
ENSG00000271991	AC013400.1	8.80E-04	7.60E-04
ENSG00000229980	TOB1-AS1	3.70E-03	6.10E-02
ENSG00000234230	ZFX-AS1	2.60E-02	3.30E-01
ENSG00000231704	AC004895.1	1.20E-02	1.20E-01
ENSG00000235919	ASH1L-AS1	2.10E-02	2.60E-04
ENSG00000260625	AC026471.2	2.40E-02	7.20E-02
ENSG00000271387	AL445228.2	2.50E-04	4.40E-04
ENSG00000273289	AL121672.3	3.20E-02	9.80E-02
ENSG00000272933	AL391121.1	2.90E-02	1.40E-02
ENSG00000267898	AC026803.2	4.00E-02	7.90E-01
ENSG00000259775	AL138976.2	4.90E-04	3.00E-02

Supplementary Table 12. Results of Cox regression univariate analysis for 35 lncRNAs with an unfavorable clinical outcome by Kaplan-Meier analysis. Higher expression level based on mean cut-off in 630 MM dataset was tested both in OS and PFS. Significant p-values after BH correction are marked in red-bold. Number (N) and fraction of MM patients at higher expression level are indicated for each lncRNA. lncRNAs retaining significance in multivariate analyses are colored as specified by the legend.

ID	Gene symbol*	N (%) high level	PFS Univariate Cox Analysis			OS Univariate Cox Analysis		
			HR (95% CI)	P-value	adj. P-value	HR (95% CI)	P-value	adj. P-value
ENSG00000235919	ASH1L-AS1	177 (28%)	1.51 (1.14-1.98)	3,75E-03	1,51E-02	2.16 (1.50-3.11)	3,34E-05	1,17E-03
ENSG00000232519	AL353807.2	151 (24%)	1.51 (1.16-1.99)	2,68E-03	1,41E-02	1.80 (1.24-2.59)	1,79E-03	2,09E-02
ENSG00000271991	AC013400.1	127 (20%)	1.44 (1.08-1.93)	1,42E-02	3,11E-02	1.74 (1.18-2.56)	5,16E-03	4,10E-02
ENSG00000271387	AL445228.2	145 (23%)	1.65 (1.26-2.17)	3,19E-04	5,58E-03	2.09 (1.46-3.01)	6,89E-05	1,21E-03
ENSG00000272606	AC015982.2	204 (32%)	1.53 (1.19-1.97)	1,03E-03	7,56E-03	1.65 (1.15-2.35)	5,86E-03	4,10E-02
ENSG00000260236	AC099778.1	168 (27%)	1.66 (1.27-2.16)	2,02E-04	5,58E-03	1.27 (0.86-1.87)	2,22E-01	2,99E-01
ENSG00000259775	AL138976.2	169 (27%)	1.59 (1.21-2.11)	1,08E-03	7,56E-03	1.59 (1.09-2.33)	1,67E-02	5,22E-02
ENSG00000236206	AL356441.1	124 (20%)	1.63 (1.23-2.17)	6,67E-04	7,56E-03	1.62 (1.10-2.40)	1,56E-02	5,22E-02
ENSG00000272426	BX284668.6	153 (24%)	1.51 (1.15-1.98)	2,82E-03	1,41E-02	1.59 (1.10-2.31)	1,39E-02	5,22E-02
ENSG00000255647	AC093510.1	184 (29%)	1.47 (1.13-1.92)	3,88E-03	1,51E-02	1.37 (0.95-1.98)	9,25E-02	1,70E-01
ENSG00000272716	AL121658.1	200 (32%)	1.45 (1.12-1.88)	4,57E-03	1,60E-02	1.57 (1.10-2.25)	1,33E-02	5,22E-02
ENSG00000273355	AP000894.4	190 (30%)	1.44 (1.11-1.87)	5,53E-03	1,61E-02	1.45 (1.01-2.08)	4,36E-02	1,09E-01
ENSG00000203804	ADAMTSL4-AS1	122 (19%)	1.52 (1.13-2.03)	5,21E-03	1,61E-02	1.66 (1.12-2.47)	1,25E-02	5,22E-02
ENSG00000272663	AC093635.1	130 (21%)	1.48 (1.12-1.96)	6,24E-03	1,68E-02	1.57 (1.07-2.31)	2,12E-02	5,71E-02
ENSG00000272853	AC069544.1	178 (28%)	1.43 (1.09-1.87)	8,94E-03	2,24E-02	1.06 (0.72-1.56)	7,84E-01	8,07E-01
ENSG00000251497	PITPNM2-AS1	99 (16%)	1.54 (1.11-2.14)	9,89E-03	2,31E-02	1.41 (0.90-2.22)	1,35E-01	2,24E-01
ENSG00000231704	AC004895.1	176 (30%)	1.40 (1.07-1.84)	1,58E-02	3,25E-02	1.24 (0.85-1.82)	2,69E-01	3,36E-01
ENSG00000260589	STAM-AS1	91 (14%)	1.48 (1.07-2.06)	1,81E-02	3,50E-02	1.51 (0.97-2.35)	7,13E-02	1,39E-01
ENSG00000261242	AL136038.5	110 (17%)	1.44 (1.06-1.95)	1,90E-02	3,50E-02	1.32 (0.85-2.03)	2,12E-01	2,97E-01
ENSG00000268403	AC132192.2	145 (23%)	1.39 (1.05-1.85)	2,31E-02	4,04E-02	1.46 (0.99-2.16)	5,88E-02	1,21E-01
ENSG00000229980	TOB1-AS1	188 (30%)	1.35 (1.04-1.75)	2,45E-02	4,08E-02	1.43 (1.00-2.06)	5,12E-02	1,19E-01
ENSG00000261186	LINC01238	132 (21%)	1.35 (1.01-1.80)	4,15E-02	6,60E-02	1.59 (1.08-2.34)	1,79E-02	5,22E-02
ENSG00000269961	AC010359.2	134 (21%)	1.31 (0.98-1.75)	6,57E-02	1,00E-01	1.29 (0.87-1.93)	2,07E-01	2,97E-01
ENSG00000272933	AL391121.1	188 (30%)	1.28 (0.97-1.68)	7,75E-02	1,09E-01	1.56 (1.08-2.25)	1,76E-02	5,22E-02
ENSG00000267783	AC022098.3	159 (25%)	1.28 (0.97-1.69)	7,59E-02	1,09E-01	1.33 (0.91-1.95)	1,41E-01	2,24E-01
ENSG00000273391	AC083880.1	205 (33%)	1.27 (0.97-1.66)	8,38E-02	1,10E-01	1.43 (0.99-2.07)	5,88E-02	1,21E-01
ENSG00000226471	Z93930.2	165 (26%)	1.27 (0.97-1.66)	8,48E-02	1,10E-01	1.13 (0.77-1.66)	5,25E-01	6,13E-01
ENSG00000234230	ZFX-AS1	169 (27%)	1.26 (0.96-1.66)	9,41E-02	1,14E-01	1.26 (0.86-1.85)	2,43E-01	3,15E-01
ENSG00000267898	AC026803.2	198 (31%)	1.26 (0.96-1.64)	9,36E-02	1,14E-01	1.01 (0.69-1.48)	9,73E-01	9,73E-01
ENSG00000272662	AC073352.1	194 (31%)	1.25 (0.96-1.63)	9,88E-02	1,15E-01	1.11 (0.76-1.62)	5,73E-01	6,47E-01
ENSG00000260625	AC026471.2	191 (30%)	1.21 (0.93-1.57)	1,67E-01	1,89E-01	1.33 (0.92-1.91)	1,31E-01	2,24E-01
ENSG00000260942	CAPN10-DT	182 (29%)	1.21 (0.91-1.59)	1,85E-01	2,02E-01	0.93 (0.62-1.39)	7,12E-01	7,55E-01
ENSG00000272288	AL451165.2	200 (32%)	1.19 (0.91-1.55)	1,96E-01	2,08E-01	1.29 (0.89-1.85)	1,78E-01	2,71E-01
ENSG00000273139	AC007663.3	155 (25%)	1.15 (0.88-1.52)	3,08E-01	3,17E-01	1.11 (0.75-1.64)	6,08E-01	6,65E-01
ENSG00000273289	AL121672.3	162 (26%)	1.16 (0.87-1.54)	3,21E-01	3,21E-01	1.21 (0.81-1.79)	3,51E-01	4,24E-01

* Significance in multivariate analysis

OS

OS and PFS

PFS

Supplementary Table 13. Results of Cox regression multivariate analysis for selected lncRNAs in high versus low expression group, together with significant clinical and molecular variables respectively in PFS and OS, in 630 MM patients of CoMMpass cohort. The number (N) and percentage of MM cases at higher expression level is reported for each lncRNA. Hazard Ratio (HR) and 95% Confidence Interval (95% CI) are reported for each variable. Global p-value from Log-Rank test is also indicated for each analysis.

Multivariate Cox Analysis				
Variable	PFS		OS	
	P-value	HR (95% CI)	P-value	HR (95% CI)
ENSG00000271387_high.level (N=145, 23%)	1,24E-02	1.49 (1.09-2.03)	1,60E-03	1.83 (1.26-2.67)
ISS I	2,55E-04	0.53 (0.38-0.75)	3,25E-04	0.36 (0.20-0.63)
ISS III	1,15E-03	1.60 (1.20-2.12)	2,43E-03	1.80 (1.23-2.64)
Bi-allelic (DIS3mt and del(13q))	2,41E-01	1.30 (0.84-2.02)	-	-
Monoallelic (DIS3mt or del(13q))	-	-	1,71E-02	1.55 (1.08-2.22)
TP53.1q21	4,00E-02	1.80 (1.03-3.16)	1,31E-02	2.20 (1.18-4.11)
<i>Log-Rank global p-value</i>	p = 2e-13		p= 3e-15	
ENSG00000272606_high.level (N=204, 32%)	5,37E-04	1.61 (1.23-2.10)	6,20E-04	1.87 (1.31-2.68)
ISS I	1,44E-04	0.52 (0.37-0.73)	1,46E-04	0.34 (0.19-0.59)
ISS III	7,76E-04	1.62 (1.22-2.15)	1,53E-03	1.86 (1.27-2.73)
Bi-allelic (DIS3mt and del(13q))	2,06E-01	1.31 (0.86-1.99)	-	-
Monoallelic (DIS3mt or del(13q))	-	-	1,05E-02	1.60 (1.12-2.28)
TP53.1q21	3,85E-03	2.25 (1.30-3.91)	4,69E-04	2.96 (1.61-5.44)
<i>Log-Rank global p-value</i>	p=2e-14		p=5e-15	
ENSG00000260236_high.level (N=168, 27%)	5,91E-04	1.66 (1.24-2.22)		
ISS I	1,22E-04	0.51 (0.37-0.72)		
ISS III	1,26E-03	1.59 (1.20-2.11)		
Bi-allelic (DIS3mt and del(13q))	3,23E-01	1.24 (0.81-1.91)		
TP53.1q21	1,18E-02	2.02 (1.17-3.50)		
<i>Log-Rank global p-value</i>	p=1e-14			
ENSG00000259775_high.level (N=169, 27%)	4,44E-03	1.57 (1.15-2.15)		
ISS I	1,72E-04	0.52 (0.37-0.73)		
ISS III	8,42E-04	1.62 (1.22-2.15)		
Bi-allelic (DIS3mt and del(13q))	2,71E-01	1.28 (0.83-1.98)		
TP53.1q21	2,65E-02	1.87 (1.07-3.27)		
<i>Log-Rank global p-value</i>	p=7e-14			
ENSG00000236206_high.level (N=124, 20%)	2,61E-02	1.46 (1.05-2.03)		
ISS I	2,41E-04	0.53 (0.38-0.74)		
ISS III	1,24E-03	1.59 (1.20-2.11)		
Bi-allelic (DIS3mt and del(13q))	2,95E-01	1.28 (0.81-2.02)		
TP53.1q21	2,62E-02	1.88 (1.08-3.29)		
<i>Log-Rank global p-value</i>	p=3e-13			
ENSG00000272426_high.level (N=153, 24%)	1,90E-02	1.45 (1.06-1.98)		
ISS I	1,39E-04	0.52 (0.37-0.73)		
ISS III	1,38E-03	1.58 (1.20-2.10)		
Bi-allelic (DIS3mt and del(13q))	2,42E-01	1.30 (0.84-2.03)		
TP53.1q21	3,01E-02	1.86 (1.06-3.24)		
<i>Log-Rank global p-value</i>	p=3e-13			
ENSG00000255647_high.level (N=184, 29%)	5,10E-03	1.51 (1.13-2.01)		
ISS I	1,54E-04	0.52 (0.37-0.73)		
ISS III	8,22E-04	1.62 (1.22-2.15)		
Bi-allelic (DIS3mt and del(13q))	2,54E-01	1.29 (0.83-1.99)		
TP53.1q21	9,20E-03	2.08 (1.20-3.62)		
<i>Log-Rank global p-value</i>	p=1e-13			

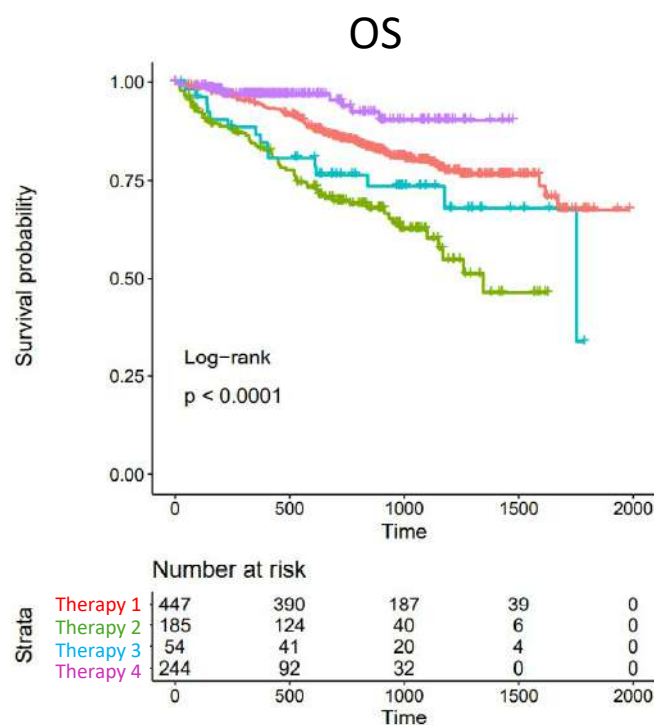
Multivariate Cox Analysis

Variable	PFS		OS	
	P-value	HR (95% CI)	P-value	HR (95% CI)
ENSG00000272716_high.level (N=200, 32%)	1,75E-02	1.40 (1.06-1.84)		
ISS I	1,58E-04	0.52 (0.37-0.73)		
ISS III	1,80E-03	1.57 (1.18-2.08)		
Bi-allelic (DIS3mt and del(13q))	1,26E-01	1.39 (0.91-2.12)		
TP53.1q21	9,59E-03	2.06 (1.19-3.57)		
<i>Log-Rank global p-value</i>		p=2e-13		
ENSG00000273355_high.level (N=190, 30%)	2,37E-02	1.38 (1.04-1.82)		
ISS I	1,51E-04	0.52 (0.37-0.73)		
ISS III	1,50E-03	1.58 (1.19-2.10)		
Bi-allelic (DIS3mt and del(13q))	1,29E-01	1.39 (0.91-2.13)		
TP53.1q21	1,40E-02	2.00 (1.15-3.47)		
<i>Log-Rank global p-value</i>		p=4e-13		
ENSG00000235919_high.level (N=177, 28%)			5,02E-04	1.94 (1.34-2.83)
ISS I			1,53E-04	0.34 (0.19-0.59)
ISS III			6,59E-03	1.70 (1.16-2.49)
Monoallelic (DIS3mt or del(13q))			4,07E-03	1.69 (1.18-2.43)
TP53.1q21			1,35E-02	2.18 (1.18-4.06)
<i>Log-Rank global p-value</i>			p=3e-15	
ENSG00000232519_high.level (N=151, 24%)			2,17E-02	1.56 (1.07-2.27)
ISS I			1,74E-04	0.34 (0.20-0.60)
ISS III			5,86E-03	1.71 (1.17-2.51)
Monoallelic (DIS3mt or del(13q))			9,27E-03	1.61 (1.12-2.30)
TP53.1q21			7,00E-03	2.35 (1.26-4.38)
<i>Log-Rank global p-value</i>			p=5e-14	
ENSG00000271991_high.level (N=127, 20%)			5,71E-03	1.74 (1.17-2.57)
ISS I			2,29E-04	0.35 (0.20-0.61)
ISS III			3,36E-03	1.77 (1.21-2.59)
Monoallelic (DIS3mt or del(13q))			6,44E-03	1.65 (1.15-2.36)
TP53.1q21			2,95E-03	2.53 (1.37-4.66)
<i>Log-Rank global p-value</i>			p=1e-14	

A

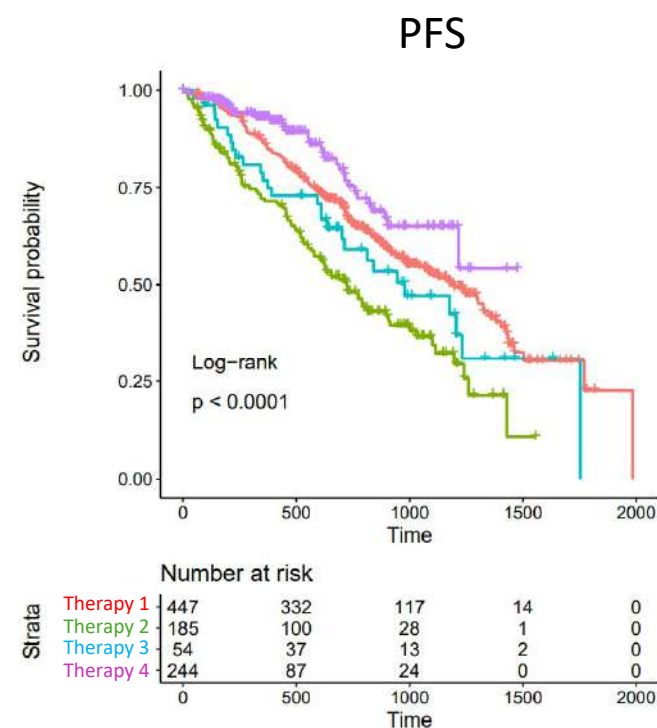
Therapy code	Therapy classification	930 MM cases	94 DIS3mt MM cases
1	combined bortezomib/IMiDs-based	447	43
2	Bortezomib-based	185	21
3	IMiDs-based	54	3
4	combined IMiDs/carfilzomib-based ; combined bortezomib/IMiDs/carfilzomib-based; Carfilzomib-based	244	27

B



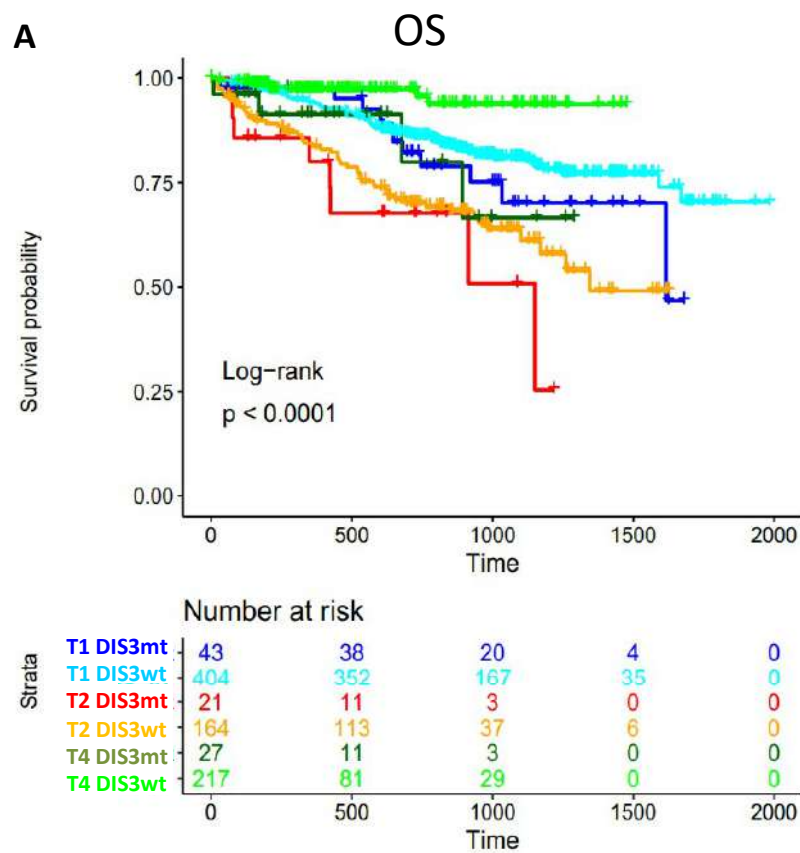
Therapy (T)	T1	T2	T3
T2	4.6e-07	-	-
T3	0.095	0.157	-
T4	0.021	2.9e-08	0.00062

C

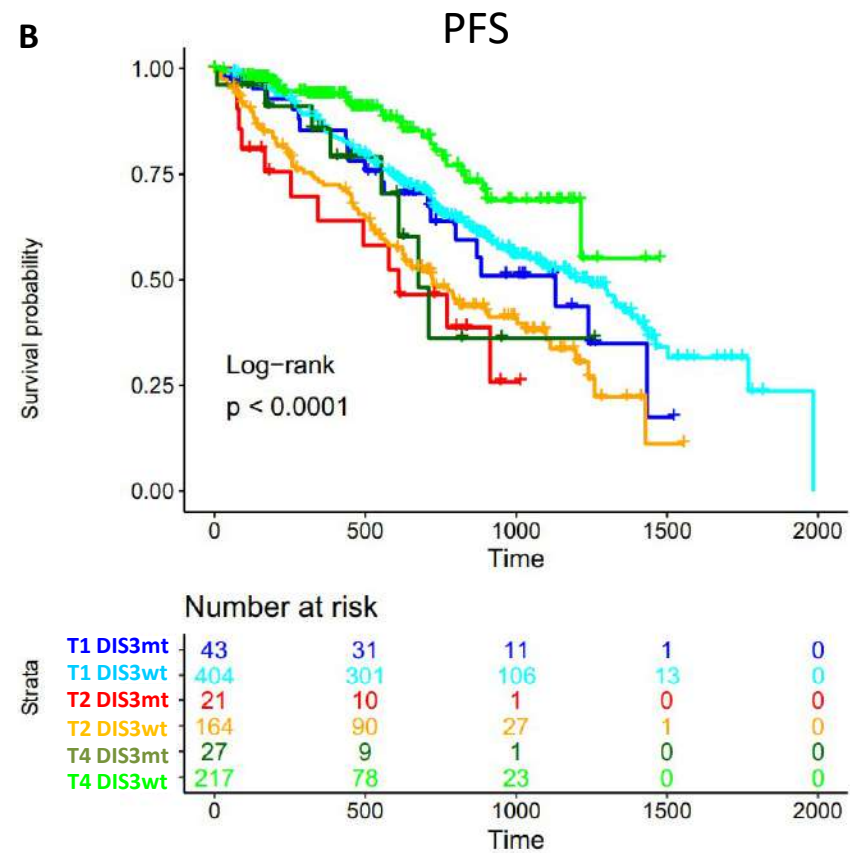


Therapy (T)	T1	T2	T3
T2	1.9e-06	-	-
T3	0.183	0.137	-
T4	0.027	3.9e-08	0.012

Supplementary Figure 1: (A) Number of MM cases in each line of treatment; among the 930 MM, the subgroups of 94 DIS3 mutated MM are also indicated. Kaplan-Meier survival curves for OS **(B)** and PFS **(C)** in 930 MM cases stratified according to therapy groups. Log-rank test p-values of pairwise comparisons are also reported; significant adjusted p-values by BH correction (< 0.05) are in bold red.

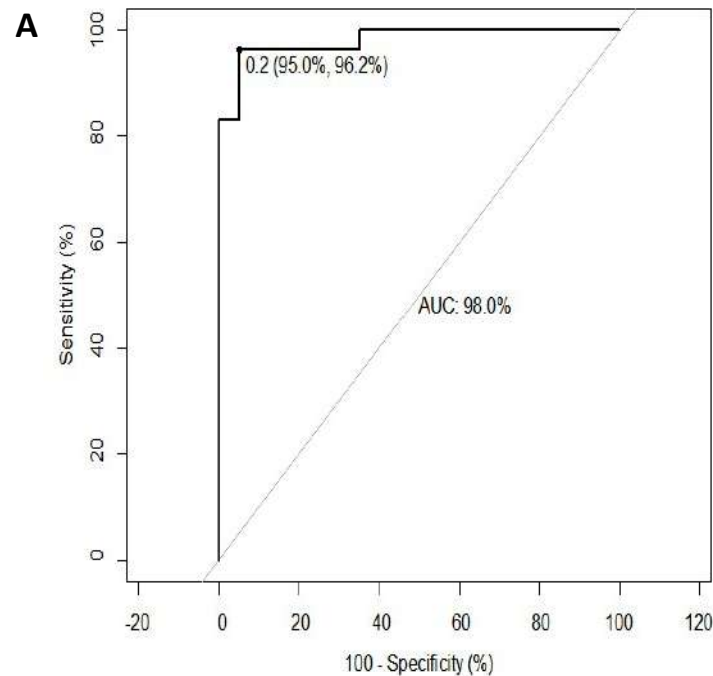


Therapy (T)	T1 DIS3mt	T1 DIS3 wt	T2 DIS3mt	T2 DIS3 wt	T4 DIS3mt
T1 DIS3 wt	0.3451	-	-	-	-
T2 DIS3mt	0.065	0.0018	-	-	-
T2 DIS3 wt	0.198	6.6e-06	0.395	-	-
T4 DIS3mt	0.683	0.430	0.214	0.410	-
T4 DIS3 wt	0.010	0.010	1.1e-07	8.5e-08	0.014

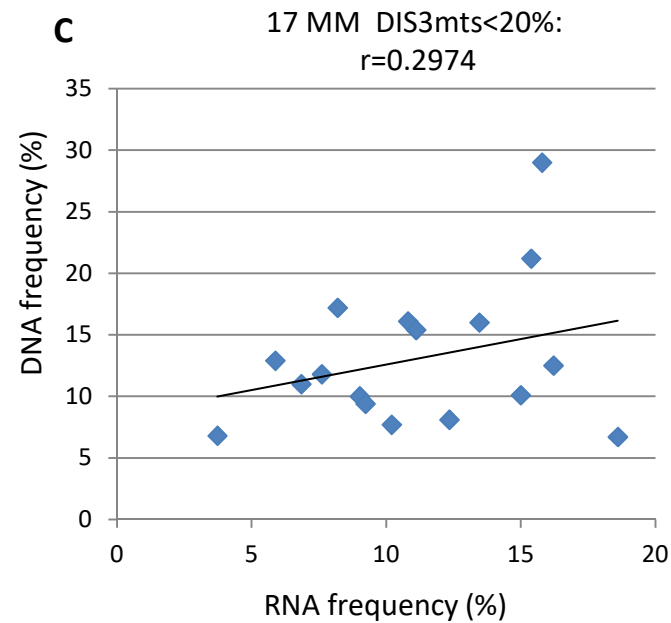
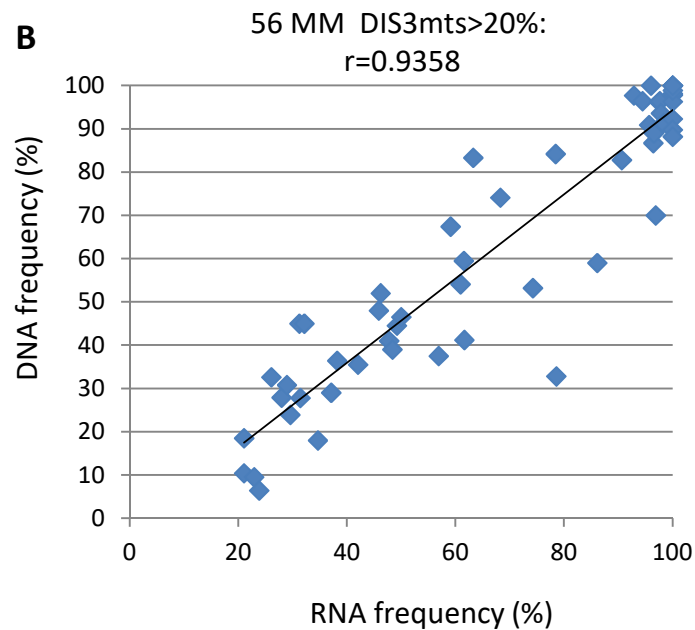


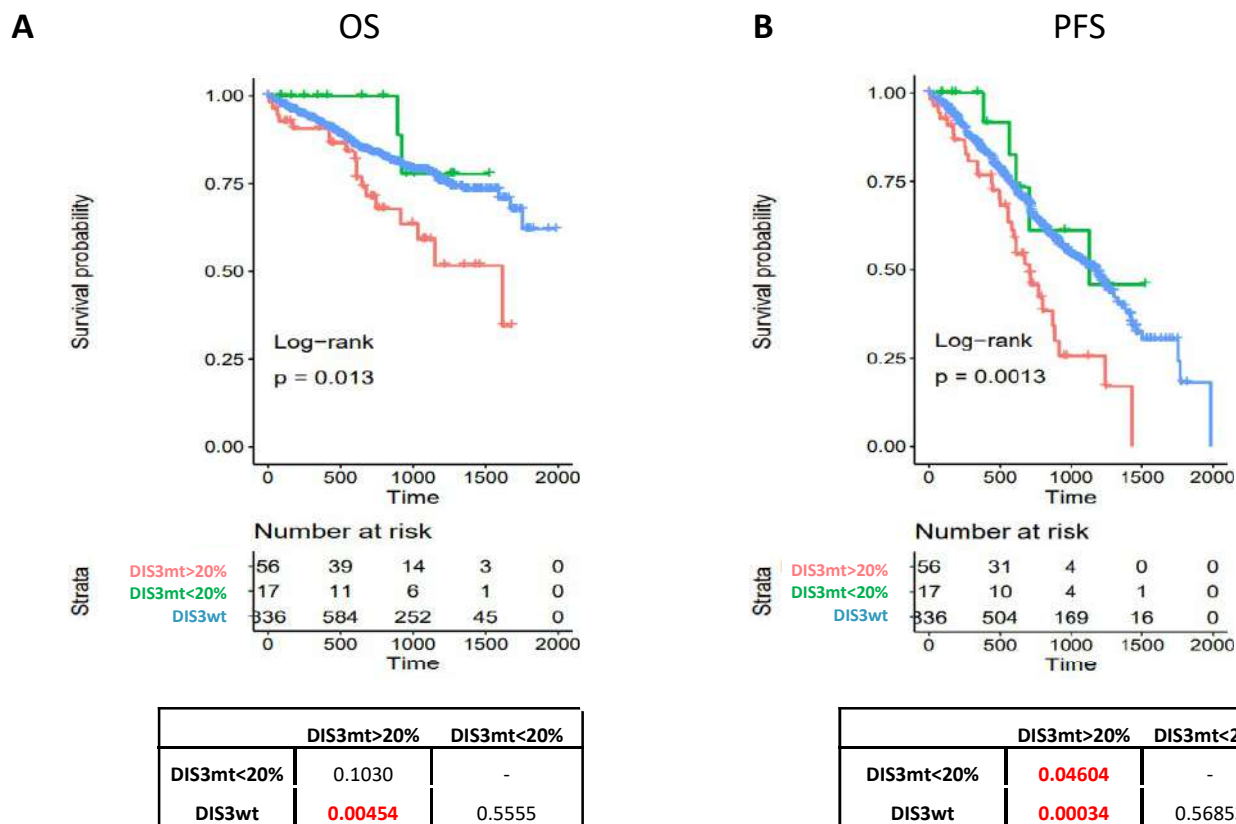
Therapy (T)	T1 DIS3mt	T1 DIS3 wt	T2 DIS3mt	T2 DIS3 wt	T4 DIS3mt
T1 DIS3 wt	0.474	-	-	-	-
T2 DIS3mt	0.111	0.0089	-	-	-
T2 DIS3 wt	0.145	3.4e-05	0.474	-	-
T4 DIS3mt	0.506	0.310	0.474	0.524	-
T4 DIS3 wt	0.031	0.014	5.0e-05	7.4e-08	0.017

Supplementary Figure 2: Kaplan-Meier survival curves for OS (**A**) and PFS (**B**) in 91 *DIS3* mutated and 785 *DIS3* WT MM patients in each therapy group. Log-rank test p-values of pairwise comparisons are also reported; significant adjusted p-values by BH correction (< 0.05) are in bold red.



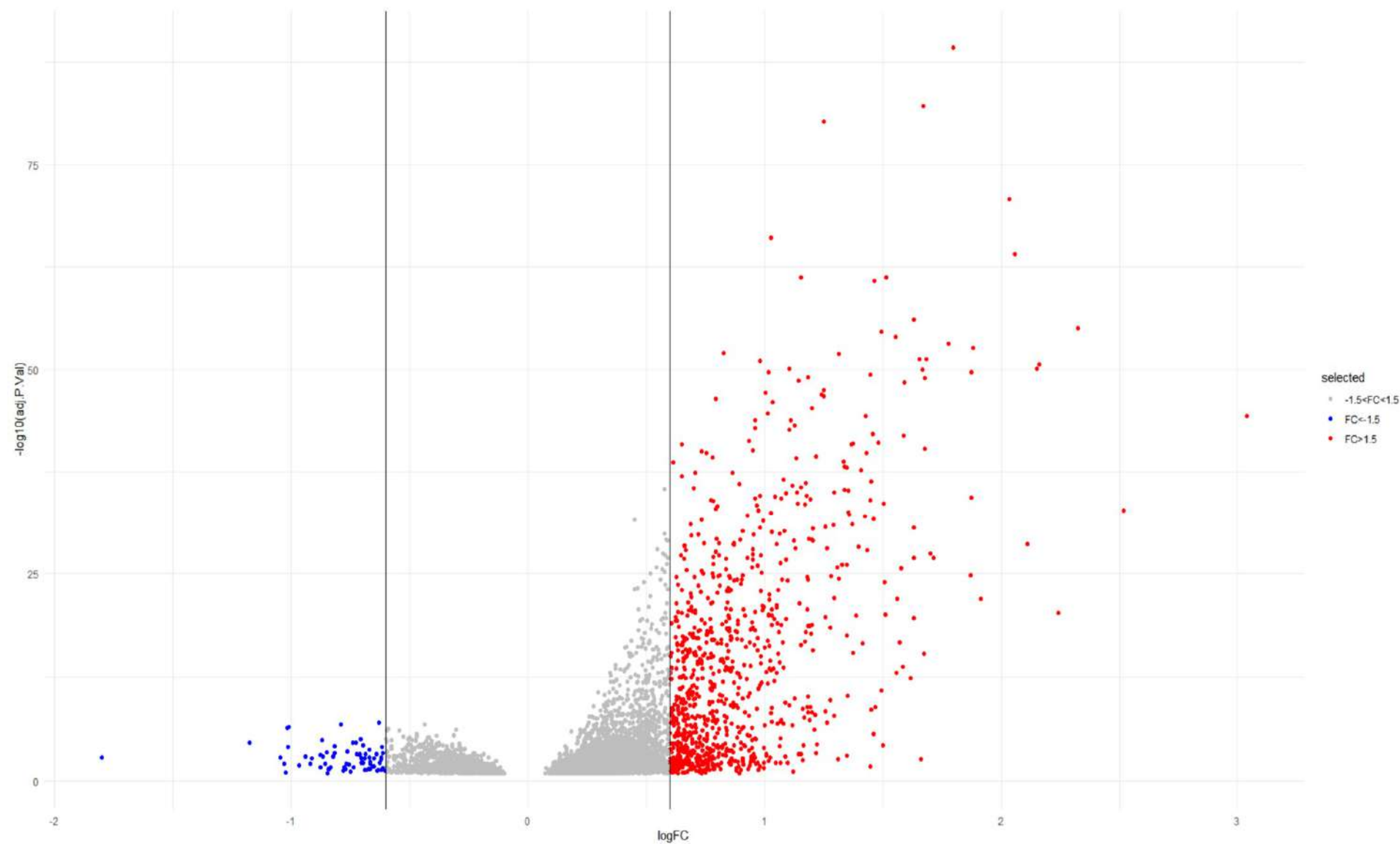
Supplementary Figure 3: (A) Receiver-operating characteristic (ROC) curve and corresponding area under the curve (AUC) statistics for RNA frequency of DIS3 mutation, as predictor variable, versus DNA frequency, as 0-1 response variable based on 20% cut-off, in 73 DIS3 mutated cases. Best threshold for RNA frequency is shown. **(B)** Scatter plots of RNA (x-axis) versus DNA frequency (y-axis) of DIS3 mutation in 56 DIS3>20% **(B)** and in 17 DIS3<20% **(C)** mutated MM cases. Values of Pearson's correlation coefficient r are reported.



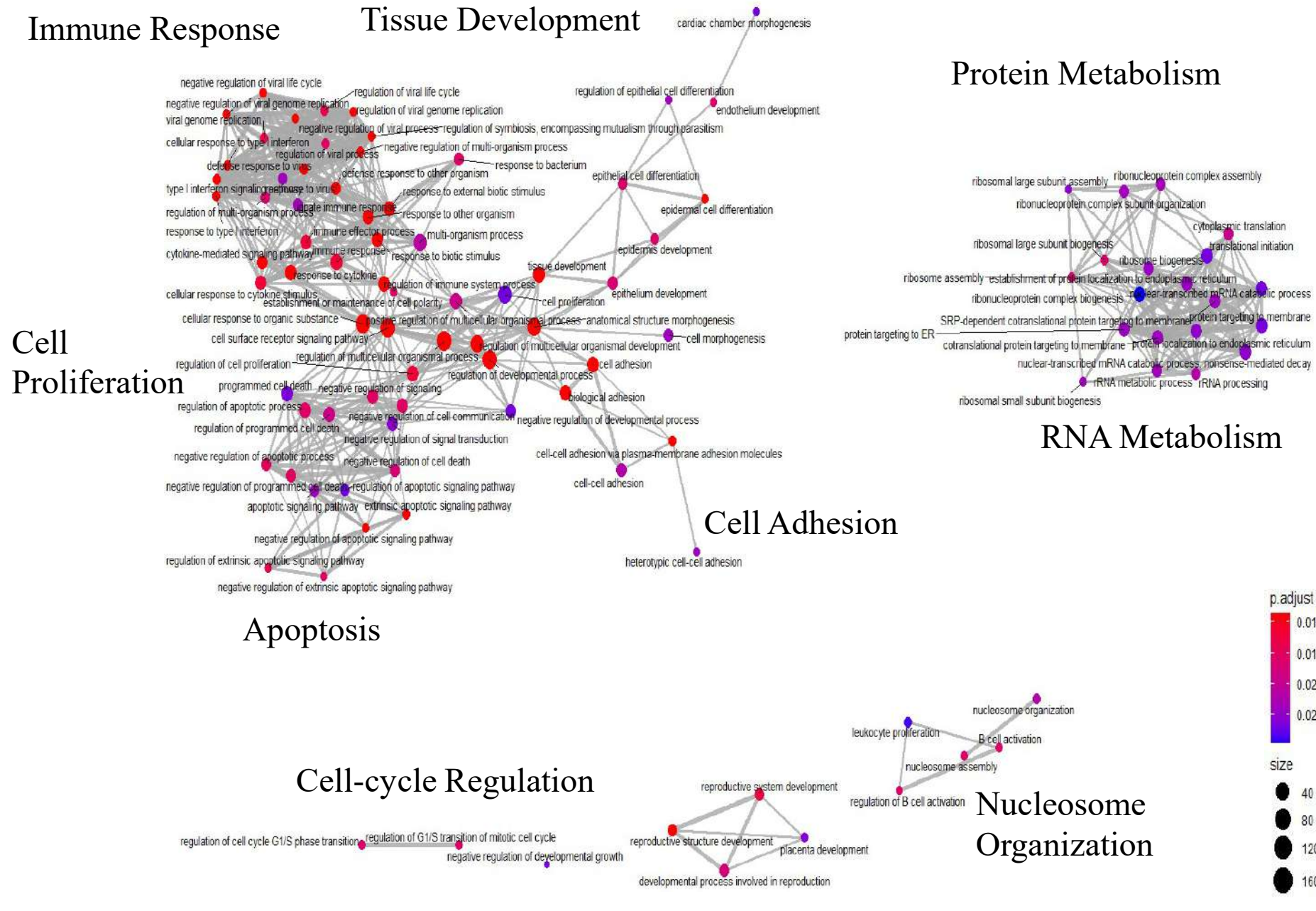


Supplementary Figure 4: Kaplan-Meier survival curves in 909 BM₁ MM cases stratified according to DIS3 mutational load, based on 20 percent cut-off (RNA_FREQ*), with respect to OS **(A)** and PFS **(B)**. Log-rank test p-values of pairwise comparisons are also reported; significant adjusted p-values by BH correction (< 0.05) are in bold red.

*nd=not determined, RNA_FREQ =0 or intron mutated samples were excluded



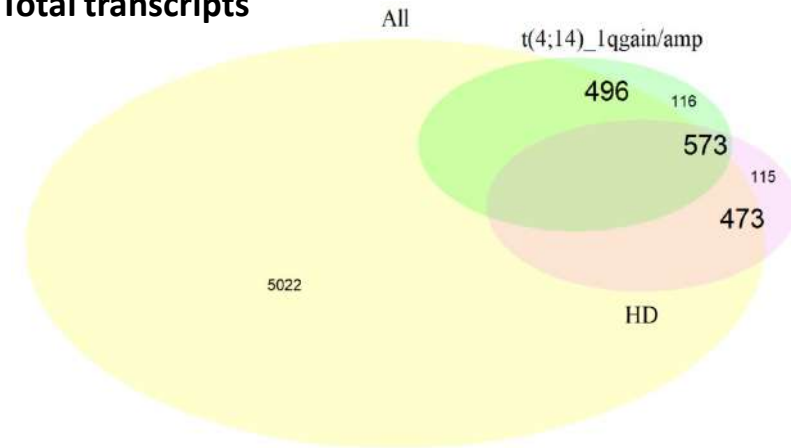
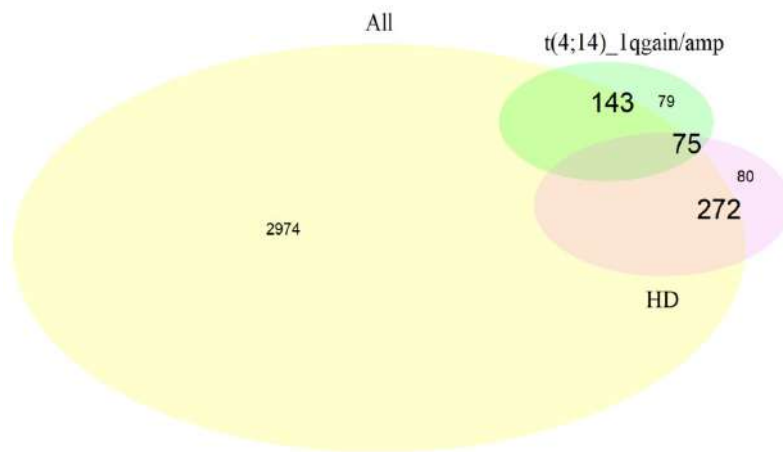
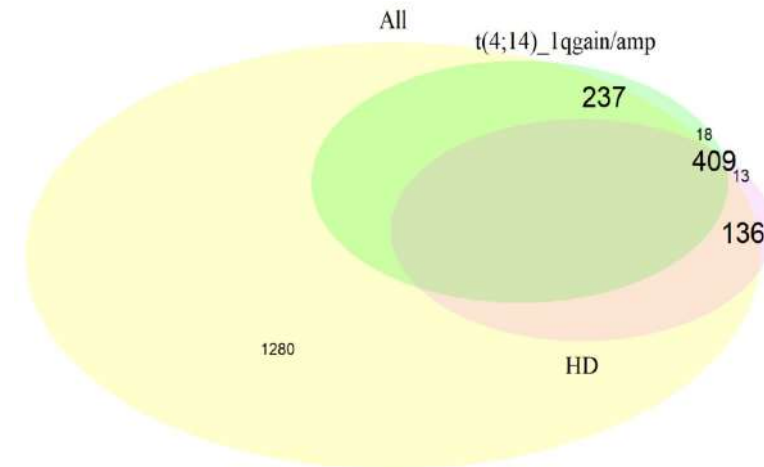
Supplementary Figure 5: Volcano plot of 6564 significantly DE annotated transcripts in DIS3mts >20% compared to DIS3 WT MM cases. Up- or down-regulated genes with an absolute FC of at least 1.5 are highlighted in red and blue colour, respectively.



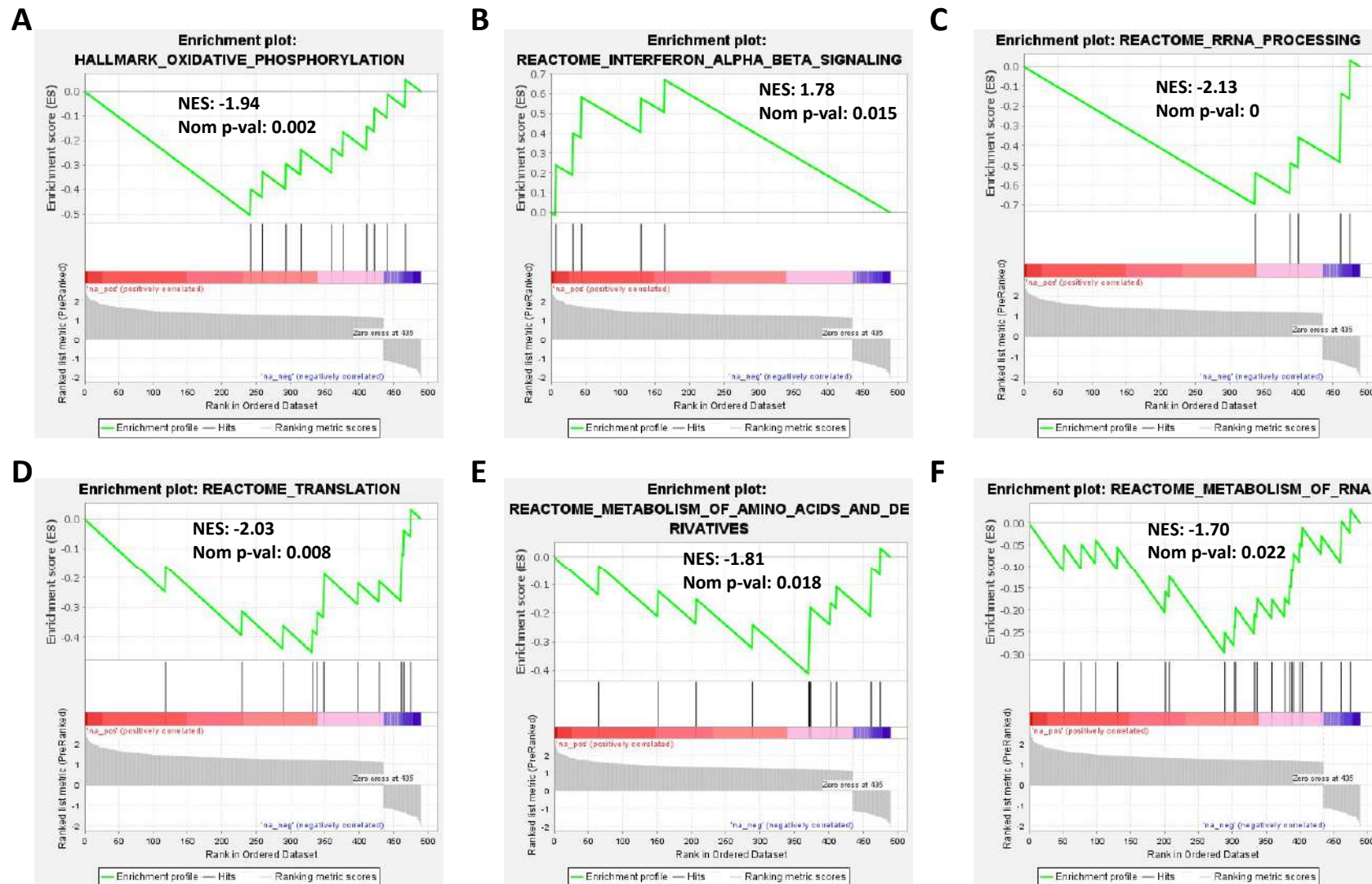
Supplementary Figure 6: Enrichment map on top 100 GSEA gene sets based on GO-BP terms, performed by Cluster Profiler analysis on DE global protein coding gene list.

A

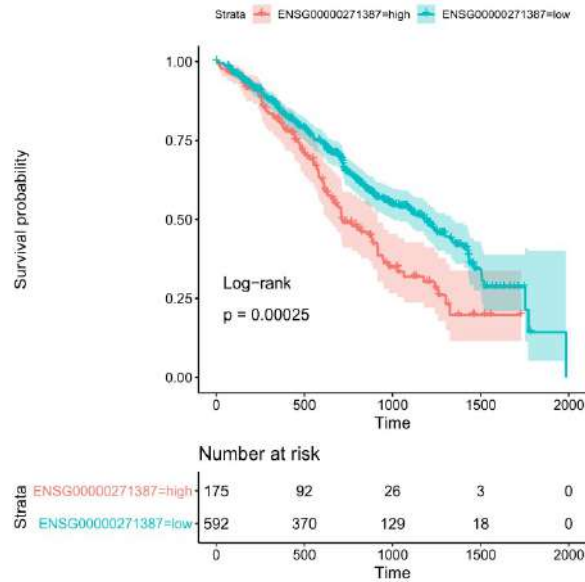
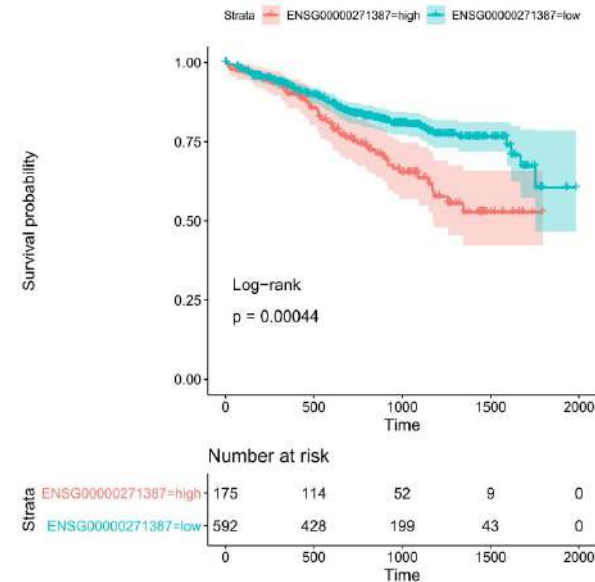
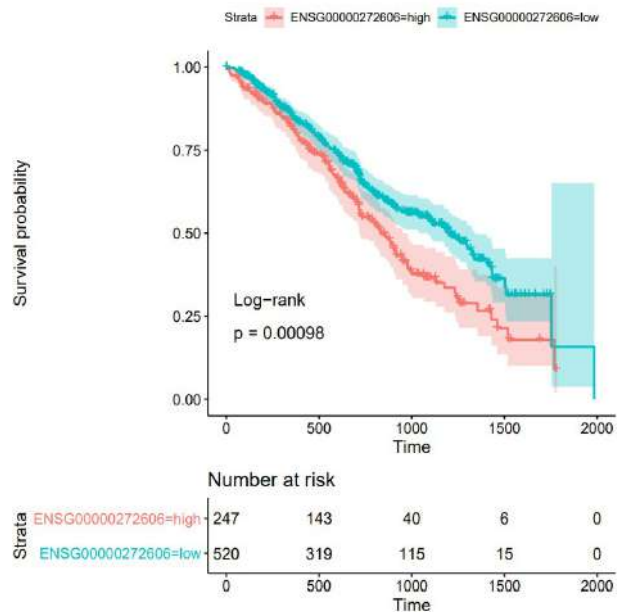
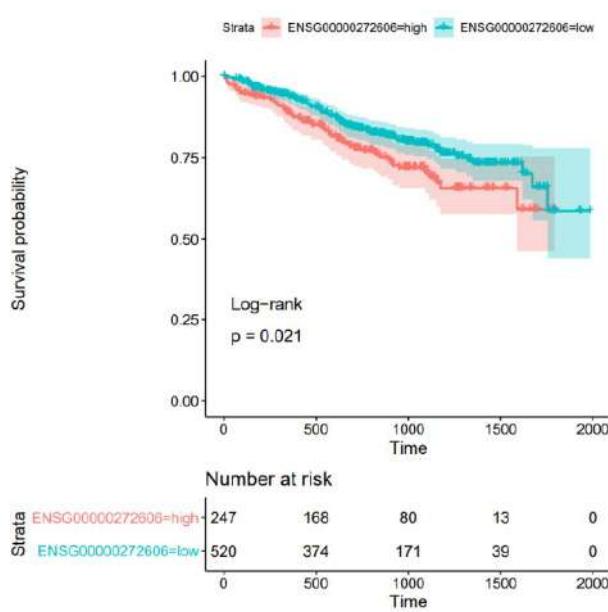
MM group	DIS3 wt	DIS3 mts	DE transcripts	Overlapping with global 6564 DE list
all	582	56		-
t(4;14) - 1q gain/amp	36	11	1185	1169 (90%)
MAF trx - 1q gain/amp	19	5	-	-
HD	351	17	1160	1046 (90%)

B Total transcripts**C Protein coding****D lncRNAs**

Supplementary Figure 7: Venn diagram representing the match of DE-transcript lists between *DIS3* mutated and *DIS3* wt patients in: all coMMpass database (yellow), MM carrying t(4;14) and 1q gain/amp (green) or in HD samples (pink) whose information are given in **(A)**. Diagram are based on: **(B)** total transcripts (1542 common transcripts); **(C)** protein coding genes (490 common genes); **(D)** lncRNAs (782 common transcripts).



Supplementary Figure 8: Functional annotation of transcriptional signature of *DIS3* mutations in MM. Enrichment plots of significantly deregulated gene sets, involving oxidative phosphorylation (A), interferon signaling (B), RRNA processing (C), translation (D), metabolism of amino acid (E) or RNA (F) in *DIS3* mutated compared to *DIS3* WT MM cases by GSEA on the common 490 protein coding gene list. Normalized Enrichment Score (NES) and nominal p-value are reported for each gene set.

A**PFS****B****OS****C****PFS****D****OS**

Supplementary Figure 9:
Kaplan-Meier survival curves of
AL445228.2
(ENSG00000271387) and
AC015982.2
(ENSG00000272606) lncRNAs
in 767 MM cases stratified in
low and high expression group
on the base of mean cut-off,
with respect to PFS (**A-C**) and
OS (**B-D**). Log-rank test p-value
and number of samples at risk
in each group across time are
reported.