

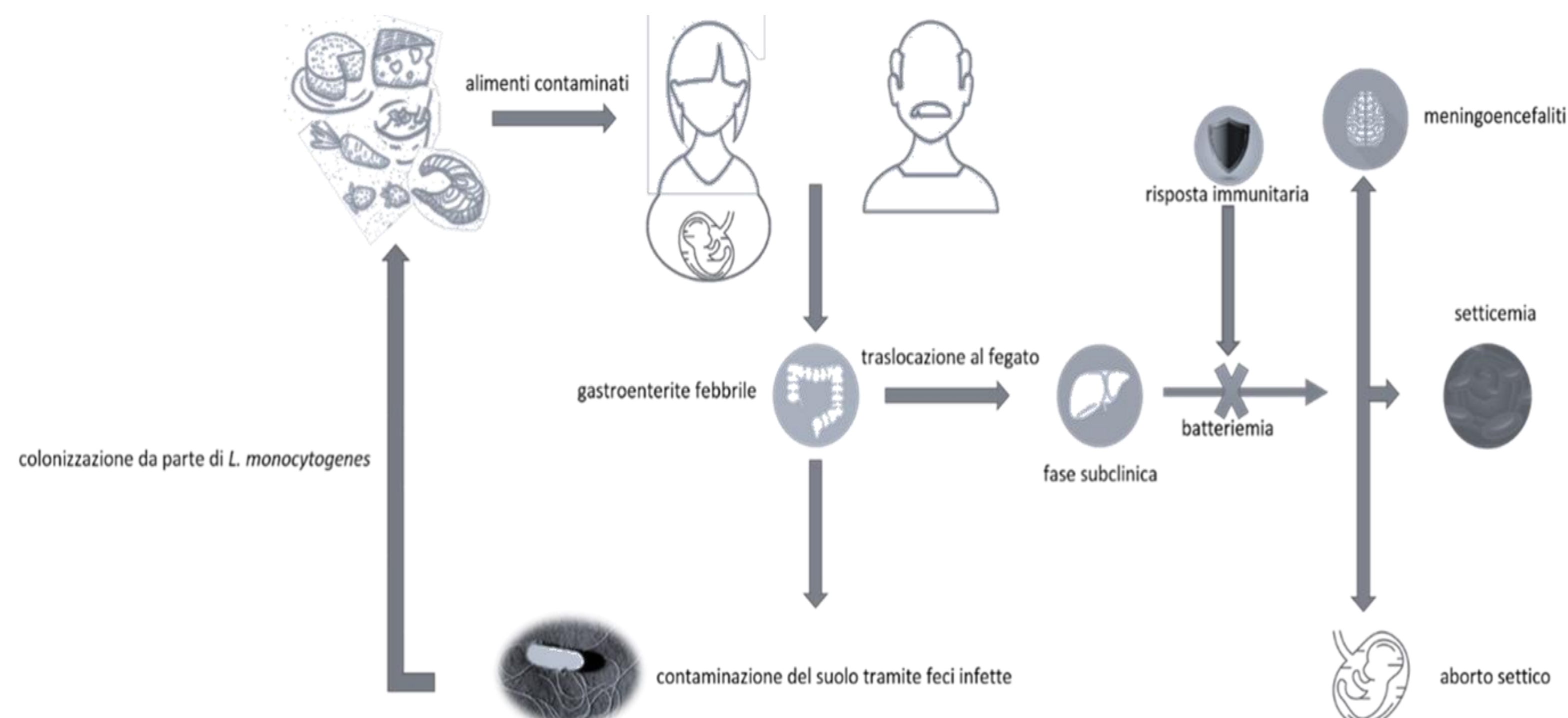
Identificazione dei cluster degli isolati di *Listeria monocytogenes* rilevati in Lombardia nel periodo 2011-2016, per la ricostruzione dei focolai epidemici

Gori M¹, Ciceri G¹, Pontello M¹

¹ Dipartimento di Scienze della Salute, Università degli Studi di Milano

INTRODUZIONE

Negli ultimi decenni, nel mondo occidentale, il maggior consumo di prodotti *ready-to-eat* e la produzione di alimenti con lunga *shelf-life* hanno portato a un incremento dell'incidenza della listeriosi invasiva, patologia a trasmissione alimentare considerata atipica per le sue peculiari caratteristiche di invasività e severità clinica, gravata da una letalità pari al 20-30%.

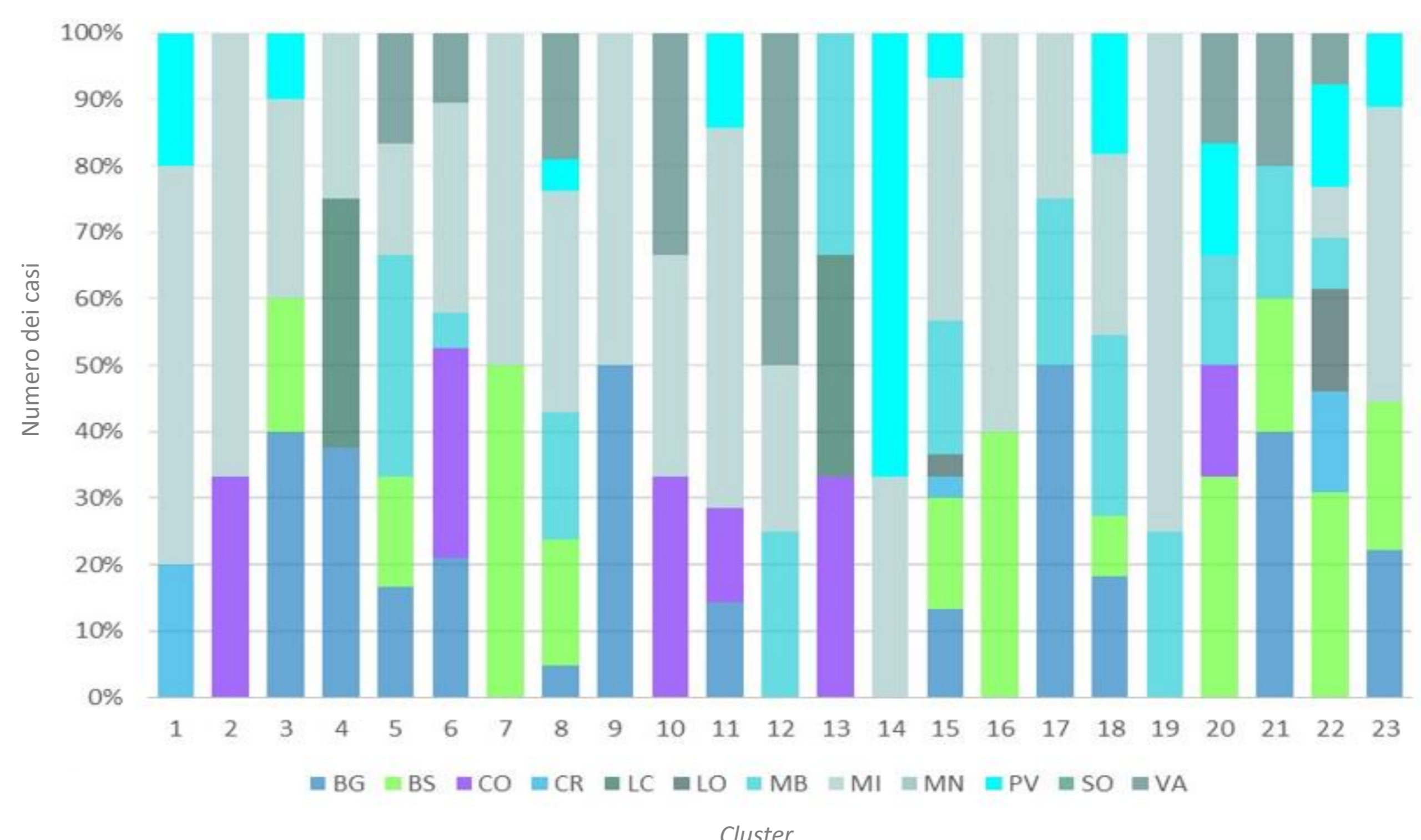
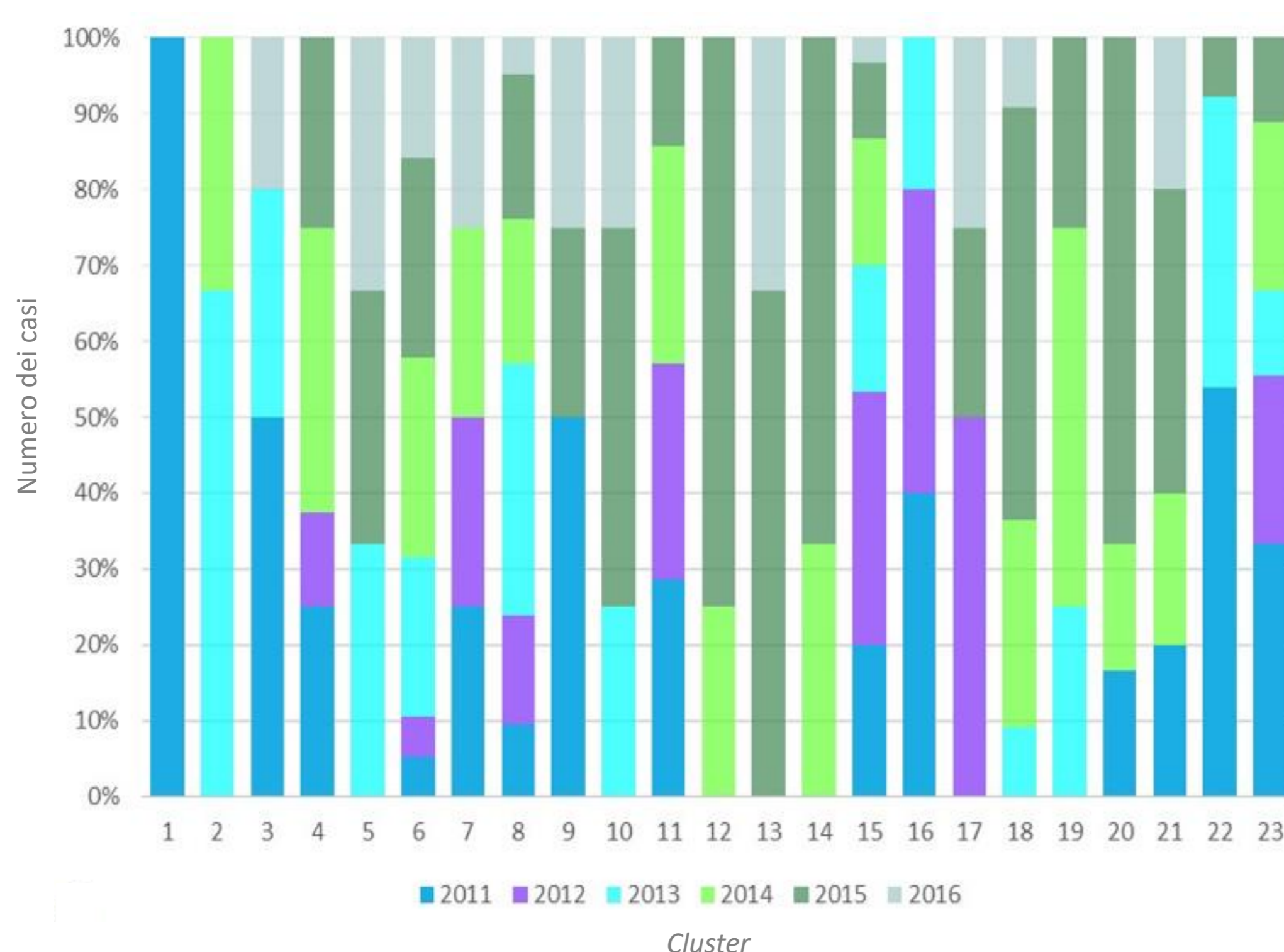


METODI

Gli stipti di *Listeria monocytogenes* isolati da casi di listeriosi invasiva verificatisi in Lombardia nel periodo gennaio 2011 - giugno 2016 e collezionati presso il Laboratorio enterobatteri dell'Università degli Studi di Milano (N=232) sono stati caratterizzati mediante elettroforesi a campo pulsato, in accordo con il protocollo standardizzato PulseNet, e a *cluster-analysis* mediante il software InfoQuest (BioRad).

RISULTATI

Le analisi molecolari hanno evidenziato che l'81,5% degli stipti è raggruppabile in 23 *cluster*, di cui due (*cluster* 8 e 15) sono risultati protratti nel tempo ed estesi su gran parte dell'area lombarda. Lo studio, in associazione all'indagine spazio-temporale, ha permesso di individuare 9 gruppi di isolati con profilo molecolare identico, insorti in un arco di tempo e in un'area geografica circoscritta, rappresentando di conseguenza potenziali focolai epidemici.



CONCLUSIONI

L'individuazione di *cluster* di grandi dimensioni e con un'ampia estensione temporale confermano la tendenza di *Listeria monocytogenes* a contaminare in maniera persistente le filiere alimentari, portando all'insorgenza di casi di infezione in diverse aree geografiche e in lassi di tempo prolungati. Ne deriva che gli eventi epidemici risultano di difficile individuazione, non potendo escludere che anche i casi apparentemente isolati siano in realtà parte di *cluster* non identificati. La *cluster-analysis* si è rivelata un importante supporto alle attività di sorveglianza volte ad individuare focolai di infezione e a determinarne la catena di contagio.

BIBLIOGRAFIA

- 1.
- 2.
- 3.
- 4.

